## TENT COOPERATION TRE. /

From the INTERNATIONAL BUREAU
То:
Assistant Commissioner for Patents United States Patent and Trademark Office Box PCT Washington, D.C.20231 ÉTATS-UNIS D'AMÉRIQUE
in its capacity as elected Office
Applicant's or agent's file reference P 50303
Priority date (day/month/year) 22 May 1998 (22.05.98)
Examining Authority on:  1999 (29.11.99)  ational Bureau on:  ate or, where Rule 32 applies, within the time limit under

The International Bureau of WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland Authorized officer

A. Karkachi

Telephone No.: (41-22) 338.83.38

Form PCT/IB/331 (July 1992)

Facsimile No.: (41-22) 740.14.35

THIS PAGE BLANK US FO'

Ť





## PCT

#### INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

(Artikel 18 sowie Regeln 43 und 44 PCT)

Aktenzeichen des Anmelders oder Anwalts		tteilung über die Übermittlung des internationalen
P 50303		henberichts (Formblatt PCT/ISA/220) sowie, soweit d, nachstehender Punkt 5
Internationales Aktenzeichen	Internationales Anmeldedatum (Tag/Monat/Jahr)	(Frühestes) Prioritätsdatum (Tag/Monat/Jahr)
PCT/EP 99/03451	20/05/1999	22/05/1998
Anmelder		
FORSCHUNGSZENTRUM BORSTEL	ZENTRUM FÜR MEDIZIN .	••
Dieser internationale Recherchenbericht wurd Artikel 18 übermittelt. Eine Kopie wird dem In	de von der Internationalen Recherc ternationalen Büro übermittelt.	henbehörde erstellt und wird dem Anmelder gemäß
Dieser internationale Recherchenbericht umf	aßt insgesamt 4	_Blätter.
X Darüber hinaus liegt ihm je	veils eine Kopie der in diesem Beri	cht genannten Unterlagen zum Stand der Technik bei.
Grundlage des Berichts		
		dlage der internationalen Anmeldung in der Sprache Punkt nichts anderes angegeben ist.
Die internationale Recherch Anmeldung (Regel 23.1 b))	ne ist auf der Grundlage einer bei de durchgeführt worden.	er Behörde eingereichten Übersetzung der internationalen
<ul> <li>b. Hinsichtlich der in der internationale Recherche auf der Grundlage des \$</li> </ul>	n Anmeldung offenbarten <b>Nucleot</b> Seguenzprotokolls durchgeführt wo	d- und/oder Aminosäuresequenz ist die internationale den. das
l <del></del>	Idung in Schriflicher Form enthalter	•
zusammen mit der internati	onalen Anmeldung in computerlesb	arer Form eingereicht worden ist.
bei der Behörde nachträglic	h in schriftlicher Form eingereicht v	vorden ist.
	h in computerlesbarer Form einger	eicht worden ist.
Die Erklärung, daß das nac internationalen Anmeldung	hträglich eingereichte schriftliche S im Anmeldezeitpunkt hinausgeht, v	equenzprotokoll nicht über den Offenbarungsgehalt der zurde vorgelegt.
Die Erklärung, daß die in co wurde vorgelegt.	mputerlesbarer Form erfaßten Info	rmationen dem schriftlichen Sequenzprotokoll entsprechen,
2. X Bestimmte Ansprüche ha	ben sich als nicht recherchierbar	erwiesen (siehe Feld I).
3. Mangelnde Einheitlichkeit	der Erfindung (siehe Feld II).	
4. Hinsichtlich der <b>Bezeichnung der Erfir</b>	duna	
	gereichte Wortlaut genehmigt.	
	Behörde wie folgt festgesetzt:	
5. Hinsichtlich der <b>Zusammenfassung</b>		
wurde der Wortlaut nach Re	e innerhalb eines Monats nach dem	benen Fassung von der Behörde festgesetzt. Der Datum der Absendung dieses internationalen
6. Folgende Abbildung der <b>Zeichnungen</b>	st mit der Zusammenfassung zu ve	röffentlichen: Abb. Nr
wie vom Anmelder vorgesc	nlagen	keine der Abb.
weil der Anmelder selbst ke	ine Abbildung vorgeschlagen hat.	
weil diese Abbildung die En	indung besser kennzeichnet.	

THIS DAGE BLANN (WOOD)

ternationales Aktenzeichen

PCT/EP 99/03451

Feig I Bemerkungen zu den Anspruchen, die sich als nicht recherchierbar erwiesen naben (Fortsetzung von Punkt 2 auf Blatt 1)
Gemäß Artikel 17(2)a) wurde aus folgenden Gründen für bestimmte Ansprüche kein Recherchenbericht erstellt:
1. X Ansprüche Nr.
weil sie sich auf Gegenstände beziehen, zu deren Recherche die Behörde nicht verpflichtet ist, nämlich
Obwohl Anspruch 11 sich auf ein Verfahren zur Behandlung des menslichen/
tierischen Körpers bezieht, wurde die Recherche durchgeführt und gründete sich auf die angeführten Wirkungen der Verbindung/Zusammensetzung.
grundete sich auf die angefuhrten wirkungen der Verbindung/Zusammensetzung.
2. Ansprüche Nr. weil sie sich auf Teile der internationalen Anmeldung beziehen, die den vorgeschriebenen Anforderungen so wenig entsprechen,
daß eine sinnvolle internationale Recherche nicht durchgeführt werden kann, nämlich
3. Ansprüche Nr.
weil es sich dabei um abhängige Ansprüche handelt, die nicht entsprechend Satz 2 und 3 der Regel 6.4 a) abgefaßt sind.
Feld II Bemerkungen bei mangelnder Einheitlichkeit der Erfindung (Fortsetzung von Punkt 3 auf Blatt 1)
Die internationale Recherchenbehörde hat festgestellt, daß diese internationale Anmeldung mehrere Erfindungen enthält:
1. Da der Anmelder alle erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser internationale Recherchenbericht auf alle recherchierbaren Ansprüche.
Internationale recheronement auf alle recheronierbaren Anaphuone.
Da für alle recherchierbaren Ansprüche die Recherche ohne einen Arbeitsaufwand durchgeführt werden konnte, der eine zusätzliche Recherchengebühr gerechtfertigt hätte, hat die Behörde nicht zur Zahlung einer solchen Gebühr aufgefordert.
3. Da der Anmelder nur einige der erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser internationale Recherchenbericht nur auf die Ansprüche, für die Gebühren entrichtet worden sind, nämlich auf die
Ansprüche Nr.
4. Der Anmelder hat die erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren nicht rechtzeitig entrichtet. Der internationale Recher- chenbericht beschränkt sich daher auf die in den Ansprüchen zuerst erwähnte Erfindung; diese ist in folgenden Ansprüchen er-
faßt:
Bemerkungen hinsichtlich eines Widerspruchs Die zusätzlichen Gebühren wurden vom Anmelder unter Widerspruch gezahlt.
Die Zahlung zusätzlicher Recherchengebühren erfolgte ohne Widerspruch.

THIS PACE BLANK (USPIO)

• •

# INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

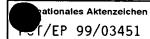
tional	les Aktenzeichen
Per/EP	99/03451

		C1/EP 99/	7 03431
A. KLASSIFIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES IPK 6 C12N15/11 A61K31/70 C07H21/0	0		
Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klas	sifikation und der IPK	aa	
B. RECHERCHIERTE GEBIETE			
Recherchierter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbo IPK 6 C12N A61K C07H	le)		
Recherchierte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, son	weit diese unter die recher	rchierten Gebiete	fallen
Während der internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Na	ame der Datenbank und e	evtl. verwendete S	Suchbegriffe)
C. ALS WESEN LICH ANGESEHENE UNTERLAGEN			
Kategorie° Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe	e der in Betracht kommend	den Teile	Betr. Anspruch Nr.
SCHLUETER, C. ET AL: "The cell proliferation-associated antigen antibody Ki-67: A very large ubiq nuclear protein with numerous rep elements, representing new kind o cycle-maintaining proteins"  J. CELL BIOL. (1993), 123(3), 513 XP000867381 in der Anmeldung erwähnt Seite 515, rechte Spalte, letzter Seite 520, linke Spalte, letzter	uitous eated f cell -22 ,		1-12
Weitere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu entnehmen	Siehe Anhang Pa	atentfamilie	
"A" Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist "E" älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist "L" Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft erscheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer anderen im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden soll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie ausgeführt)	oder dem Prioritätsda Anmeldung nicht kolli Erfindung zugrundelie Theorie angegeben is "X" Veröffentlichung von b kann allein aufgrund ( erfinderischer Tätigke "Y" Veröffentlichung von b kann nicht als auf erfi werden, wenn die Ver	tum veröffentlicht diert, sondern nur genden Prinzips t esonderer Bedeu dieser Veröffentlich it beruhend betra esonderer Bedeu nderischer Tätigk röffentlichung mit eser Kategorie in einen Fachmann Aitglied derselben	tung; die beanspruchte Erfindung eit beruhend betrachtet einer oder mehreren anderen Verbindung gebracht wird und naheliegend ist Patentfamilie ist
21. Januar 2000	02/02/20	00	
Name und Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340–2040, Tx. 31 651 epo ni,	Bevollmächtigter Bed		
70. 70. 70. 040 20.00	Andres.	2	

1

ON THE STATE OF TH

### INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT



	1-51/EF 99/03451
(Fortsetzung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN	
Kategorie° Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht komme	enden Teile Betr. Anspruch Nr.
MAESHIMA, YOHEI ET AL: "Antisense oligonucleotides to proliferating cell nuclear antigen and Ki-6 inhibit human mesangial cell proliferation"  J. AM. SOC. NEPHROL. 7(10), 2219-2229, Oktober 1996 (1996-10), XP000867392 Zusammenfassung; Abbildung 1	1-12
UHLMANN E ET AL: "ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES: A NEW THERAPEUTIC PRINCIPLE" CHEMICAL REVIEWS, Bd. 90, Nr. 4, 1990, Seite 543-584 XP000141412 ISSN: 0009-2665 in der Anmeldung erwähnt	

1

THIS DAY OF HAME OF THE PARTY O

### VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS

# **PCT**

REC'D 1 4 AUG 2000

**WIPO** 

**PCT** 

## INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT

			(Artikel 36 und I	Regel 70 PC	1)
Aktenzeichen	des	Anmelders oder Anwalts	WEITERS VORCEI	siehe Mitteil	ung über die Übersendung des internationalen
P 50303			WEITERES VORGEI	TEN vorläufigen	Prüfungsbericht (Formblatt PCT/IPEA/416)
Internationale	s Akt	enzeichen	Internationales Anmeldeda	atum <i>(Tag/Monat/Jahr)</i>	•
PCT/EP99	/034	51	20/05/1999		22/05/1998
Internationale C12N15/1		ntklassification (IPK) oder i	nationale Klassifikation und I	PK	
Anmelder					
FORSCHU	JNG	SZENTRUM BORSTI	EL ZENTRUM FÜR ME	EDIZIN	
1. Dieser Behörd	inter	nationale vorläufige Prü stellt und wird dem Anm	fungsbericht wurde von d elder gemäß Artikel 36 ü	der mit der internatio bermittelt.	onale vorläufigen Prüfung beauftragt
2. Dieser	BER	ICHT umfaßt insgesam	t 6 Blätter einschließlich	dieses Deckblatts.	
	4/	ar Zajahayagan, dia gas	indari wurden und diesei	m Rericht zuarunde	itter mit Beschreibungen, Ansprüchen liegen, und/oder Blätter mit vor dieser tt 607 der Verwaltungsrichtlinien zum PCT).
Diese /	Anlaç	gen umfassen insgesan	nt 3 Blätter.		
3. Dieser	Beri	cht enthält Angaben zu	folgenden Punkten:		
1	$\boxtimes$	Grundlage des Bericht	s		
11		Priorität			
iii iii		Keine Erstellung eines	Gutachtens über Neuhe	it, erfinderische Tät	igkeit und gewerbliche Anwendbarkeit
IV		Mangelnde Einheitlichl	keit der Erfindung		er i i i Tuat-la-ta an al alam
V	×	Begründete Feststellur gewerbliche Anwendb	ng nach Artikel 35(2) hins arkeit; Unterlagen und Ei	sichtlich der Neuhei rklärungen zur Stütz	r, der erfinderische Tätigkeit und der zung dieser Feststellung
VI		Bestimmte angeführte	Unterlagen		,
VII		Bestimmte Mängel der	rinternationalen Anmeldi	ung	
VIII	×	Bestimmte Bemerkung	gen zur internationalen A	nmeldung	
Datum der f	Einreid	chung des Antrags		Datum der Fertigstell	ung dieses Berichts
29/11/199	99	(M.)		10.08.2000	

Bevollmächtigter Bediensteter

A. M. Merlos

Name und Postanschrift der mit der internationalen vorläufigen

Europäisches Patentamt

D-80298 München

Prüfung beauftragten Behörde:

MILLS PROFE BLANK (NOPO)

-

• •

1

٧

### INTERNATIONALER VORLÄUFIGER **PRÜFUNGSBERICHT**

Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

I.	Grundlag	des	<b>Berichts</b>
----	----------	-----	-----------------

1.	Dieser Bericht wurde erstellt auf der Grundlage (Ersatzblätter, die dem Anmeldeamt auf eine Aufforderung nach
	Artikel 14 hin vorgelegt wurden, gelten im Rahmen dieses Berichts als "ursprünglich eingereicht" und sind ihm
	nicht beigefügt, weil sie keine Änderungen enthalten.):

	Artil nich	kel 14 hin vorgeleg: It beigefügt, weil sie	t wurden, gelte e keine Ändert	en im Rahmen die ungen enthalten.):	ses Berichts	als "ursprünglich eing	ereicht" und sind ihm
	Bes	chreibung, Seiter	n:				
	1-36	3	ursprüngliche	Fassung			
	Pate	entansprüche, Nr.	:				
	1-15	5	eingegangen	am	26/05/2000	mit Schreiben vom	25/05/2000
	Zeid	chnungen, Blätter	:				
	1-6		ursprüngliche	Fassung			
2.	Auf	grund der Änderun	gen sind folge	nde Unterlagen fo	rtgefallen:		
		Beschreibung,	Seiten:				
		Ansprüche,	Nr.:				
		Zeichnungen,	Blatt:				
3.		Dieser Bericht ist angegebenen Grü eingereichten Fas	inden nach Au	ıffassung der Beh	örde über de	derungen erstellt word n Offenbarungsgehalt	len, da diese aus den in der ursprünglich
4.	Etw	aige zusätzliche B	emerkungen:				
		W					
۷.	Beg gev	gründete Feststell verblichen Anwen	ung nach Art dbarkeit; Uni	ikel 35(2) hinsich erlagen und Erk	ntlich der Ne lärungen zur	uheit, der erfinderisc Stützung dieser Fes	chen Tätigkeit und de ststellung
1.	Fes	ststellung					
	Nei	uheit (N)		Ja: Ansprüche Nein: Ansprüche		15	
	Erfi	nderische Tätigkei	t (ET)	Ja: Ansprüche Nein: Ansprüche			
	Ge	werbliche Anwendl	oarkeit (GA)	Ja: Ansprüche Nein: Ansprüche			

THIS POR SHAMMENDO



### INTERNATIONALER VORLÄUFIGER **PRÜFUNGSBERICHT**

Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

2. Unterlagen und Erklärungen

siehe Beiblatt

#### VIII. Bestimmte Bemerkungen zur internationalen Anmeldung

Zur Klarheit der Patentansprüche, der Beschreibung und der Zeichnungen oder zu der Frage, ob die Ansprüche in vollem Umfang durch die Beschreibung gestützt werden, ist folgendes zu bemerken:

siehe Beiblatt

THIS PAGE BLAMM (1897a)



# INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT - BEIBLATT

1). Die neu eingereichten Ansprüche 1-14 scheinen die Erfordernisse des Art. 34(2,b) PCT zu erfüllen. Mit Hinblick auf Anspruch 15 wird der Anmelder jedoch darauf hingewiesen, dass die angegebene Sequenz in den ursprünglich eingereichten Unterlagen nicht offenbart ist. Die internationale mit der vorläufigen Prüfung beauftragte Behörde geht allerdings davon aus, dass die Sequenz irrtümlich in den Anspruch aufgenommen wurde und vielmehr beabsichtigt war, die im ursprünglichen Anspruch 6 offenbarte Sequenz aufzunehmen (s. auch geändereter Anspruch 6).

V

2). Ansprüche 1-8 und 10 erscheinen gegenüber dem zitierten Stand der Technik neu und erfinderisch zu sein (Art. 33(2), (3) PCT), da aus letzterem die zytotoxische Wirkung des Ki-67 antisense Oligo(desoxy)ribonukleotids auf proliferierende Zellen und somit seine Verwendung zur Herstellung eines entsprechenden Arzneimittels nicht zu entnehmen war. Schlüter et al., beschreiben lediglich die Inhibierung des Einbaus von markiertem Thymidin durch Ki-67 antisense Oligonukleotide in IM-9 Myelomazellen. Maeshima et al. demonstrieren die inhibitorische Wirkung von Ki-67 antisense Oligonukleotiden auf die Proteinexpression. Anhand der Versuchsergebnisse wird den antisense Oligonukleotiden eher ein antiproliferativer als ein unspezifisch zytotoxischer Effekt zugeschrieben.

Es wird allerdings darauf hingewiesen, dass die Beanspruchung einer zweiten medizinischen Indikation die eindeutige Definierung der therapeutischen Anwendung erforderlich macht (s. Anspruch 10).

Hingegen werden die Ansprüche 9, 14 und 15 zwar als neu, jedoch nicht als erfinderisch im Sinne von Art. 33(3) PCT angesehen.

Mit Hinblick auf das beanspruchte Arzneimittel ist die Behörde der Auffassung, dass das darin enthaltene Ki-67 antisense Oligonukleotid per se das wesentliche Merkmal darstellt, nicht aber die Angabe der Konzentration in der es darin enthalten ist, noch die üblichen Trägerstoffe und Hilfsmittel. Besagtes Oligonukleotid, sowie sein potentieller therapeutischer Nutzen als Arzneimittel aufgrund seiner antiproliferativen Wirkung ist aber bereits in Maeshima et al. beschrieben. Die zusätzlichen Merkmale, wie oben aufgeführt, führen zwar dazu dass das Mittel neu wird (insbesondere durch die Angabe der Konzentration),

MINE PAGE ELANNING MANNE



# INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT - BEIBLATT

Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

einen erfinderischen Beitrag leisten sie allerdings nicht.

Gleiches gilt für die in den Ansprüchen 14 und 15 beanspruchten antisense Oligonukleotide. Das beanspruchte Oligonukleotid unterscheidet sich von den aus dem Stand der Technik bekannten lediglich durch vier bzw. zwei zusätzliche Nukleotide am fortlaufenden 3' Ende (vgl. Schlüter et al. und Maeshina et al.). Die Behörde vertritt die Meinung, dass dieser marginale Unterschied nicht den beobachteten zytotoxischen Effekt hervorrufen kann und somit auch nicht als erfinderischer Beitrag angesehen werden kann. Es sei auch darauf hingewiesen, dass die Erfindung nicht auf der Bereitstellung spezifischer Ki-67 antisense Oligonukleotide zur Hemmung der Ki-67 Expression beruht, sondern auf der Entdeckung, dass eine derartige Inhibierung in bestimmten Tumorzellen (z.B. RT4-Zellen) zum Zelltod führt und sich daher entsprechende Oligonukleotide für einen spezifischen therapeutischen Zweck (z.B. Tumortherapie) eignen.

Die Verfahrensansprüche 11-13 werden weder als neu noch als erfinderisch angesehen. Die Behörde ist der Ansicht, dass Maeshina et al. die nötige technische Information bereitstellen, die dem Fachmann umgehend die Herstellung eines Arzneimittels enthaltend ein Ki-67 antisense Oligonukleotid ermöglicht. Es sei darauf hingewiesen, dass im vorliegenden Fall die beabsichtigte nachfolgende Verwendung des Arzneimittels (zum Abtöten von proliferierenden Zellen) nicht dessen Herstellungsverfahren beeinflusst. Anders ausgedrückt, das hier erhaltene Arzneimittel entspricht in seinem wesentlichsten und das Mittel definierenden Bestandteil (antisense-Oligonukleotid) dem in Maeshina et al. beschriebenen Mittel, unabhängig von seinem weiteren therapeutischen Einsatz.

VIII

- 3). Die Behörde ist nach wie vor der Auffassung, dass die Ansprüche 2 und 3 mit Hinblick auf den Ausdruck Oligonukleotid unklar sind, da Moleküle mit einer Länge wie in den Ansprüchen angegeben, nicht unter den Begriff "Oligonukleotid" fallen.
  - Desweiteren ist nicht ganz eindeutig, ob Anspruch 4 auf ein Oligonukleotid gerichtet ist, das aus lediglich mindestens 12 bis höchstens 66 Nukleotiden besteht (vgl. Beschreibung, Seite 3, 5. Absatz). Dies gilt auch für die abhängigen

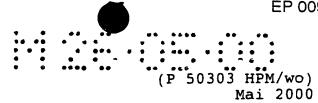
# INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT - BEIBLATT

Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

Ansprüche 5-8, 10 und Ansprüche 14 und 15.

THIS PACE BLANK WARD

PCT/EP99/03451



#### Patentansprüche

- 1. Verwendung eines Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids, das in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes davon, zur Herstellung eines Arzneimittels zum Abtöten von proliferierenden Zellen.
- Verwendung nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß die Nukleotidsequenz des Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids zu der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 3. Verwendung nach Anspruch 2, dadurch gekennzeichnet, daß die Nukleotidsequenz des Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids zu dem Abschnitt von Position 197 bis 9962 der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 4. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 3, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid 12 bis 66 Nukleotide enthält.
- 5. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 4, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid 17 bis 46 Nukleotide enthält.
- 6. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 5, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid die Sequenz (5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT) aufweist.
- 7. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 6, dadurch gekennzeichnet, daß eine oder mehrere Phosphatgruppen des
  Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids durch Phosphothioat-, Methylphosphonat-, Phosphoramidat-, Methylen(methylimino)- und/oder Guanidingruppe(n) ausgetauscht
  sind.

THE STATE OF THE S

- 2 -
- 8. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 7, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid eine terminale 3'-3'- und/oder 5'-5'-Internukleotidverknüpfung aufweist.
- 9. Arzneimittel, gekennzeichnet durch einen Gehalt an einem Oligoribo- und/oder Oligodesoxyribonukleotid, das in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das zellcyclusassoziierte Protein Ki-67 kodiert, oder einem physiologisch verträglichen Salze davon, neben üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen, wobei die Oligonukleotid-Menge so eingestellt ist, daß eine Applikation von 0,001 bis 100 mg/kg Körpergewicht erzielt wird.
- 10. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 8 zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen, Abwehrreaktionen nach Transplantationen.
- 11. Verfahren zur Herstellung eines Arzneimittels zum Abtöten von proliferierenden Zellen, gekennzeichnet durch die Verwendung von Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotiden, die in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes.
- 12. Verfahren nach Anspruch 11 zur Herstellung eines Arzneimittels zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen oder Abwehrreaktionen nach Transplantationen.
- 13. Verfahren nach Anspruch 11 oder 12 umfassend das Kombinieren eines Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids, das in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, mit üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen.

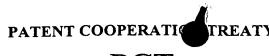
THE PACE OLAWIE USPO,

- 14. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid, dadurch gekennzeichnet, daß es in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert und daß es 22 bis
  46 Nukleotide enthält, oder eine physiologisch verträglichen Salzes davon.

3 -

15. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach Anspruch 14, dadurch gekennzeichnet, daß es die Sequenz (5'-ACC AGG TGA GCC GAG GAC GCC AT) aufweist.

MIN PACE CAMPANIAN COMPANIAN COMPANI



### **PCT**

## INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

(PCT Article 36 and Rule 70)

Applicant's or agent's file reference P 50303	FOR FURTHER ACTION	See Notific Preliminary	cation of Transmittal of International Examination Report (Form PCT/IPEA/416)
International application No. PCT/EP99/03451	International filing date (day/n 20 May 1999 (20.0		Priority date (day/month/year) 22 May 1998 (22.05.98)
International Patent Classification (IPC) or n C12N 15/11, A61K 31/70, C07F			
Applicant FORSCHUNGSZENTRUM BC	RSTEL ZENTRUM FÜR	MEDIZIN	UND BIOWISSENSCHAFTEN
This international preliminary exa Authority and is transmitted to the a	mination report has been prepplicant according to Article 36	pared by this	International Preliminary Examining
2. This REPORT consists of a total of	6 sheets, includi	ng this cover s	heet.
been amended and are the b	nied by ANNEXES, i.e., sheets pasis for this report and/or sheets a 607 of the Administrative Instr	containing re	ion, claims and/or drawings which have extifications made before this Authority the PCT).
These annexes consist of a	total of sheets.		
3. This report contains indications rela	ating to the following items:		
I Basis of the repor	t		
II Priority			
III Non-establishmer	nt of opinion with regard to nove	elty, inventive s	step and industrial applicability
IV Lack of unity of in	nvention		
V Reasoned stateme	ent under Article 35(2) with rega anations supporting such statem	rd to novelty, ent	inventive step or industrial applicability;
VI Certain document	s cited		
VII Certain defects in	the international application		
VIII Certain observation	ons on the international applicat	ion	
	•		
Date of submission of the demand	Date of	of completion of	of this report
29 November 1999 (29			August 2000 (10.08.2000)
Name and mailing address of the IPEA/EP	Autho	rized officer	
Facsimile No.	Telen	hone No.	

en de la composition del composition de la composition del composition de la composi

THE STATE OF THE S

### INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPOR

International application No. PCT/EP 99/03451

Supplemental Box

(To be used when the space in any of the preceding boxes is not sufficient)

Continuation of:

1

1). The newly-filed Claims 1-14 appear to meet the requirements of PCT Article 34(2)(b). However, as regards Claim 15, the applicants should note that the indicated sequence was not disclosed in the originally-filed documents. Nevertheless, the International Preliminary Examining Authority assumes that the sequence was erroneously included in the claim and that the applicants intended to include the sequence disclosed in the original Claim 6 (see also the amended Claim 6).

our Lander (1997), and the second of the The second of the second of

Carrie de Structura en des constantes de la carrie de major en está de la secultario de la carrie del carrie de la carrie del la carrie de la carrie de la carrie del la carrie del la carrie de la carrie del la carrie de la carrie del la carrie de la carrie del la carrie de la carrie del la carrie

THIS PREE BLANK USPION

ĩ.

V. Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations supporting such statement

Statement			
Novelty (N)	Claims	1-10, 14, 15	YES
	Claims	11-13	NO
Inventive step (IS)	Claims	1-8, 10	YES
	Claims	9, 11-15	NO
Industrial applicability (IA)	Claims	1-15	YES
	Claims		NO

#### 2. Citations and explanations

1.

2). When compared with the cited prior art, Claims 1-8 and 10 appear to be novel and inventive (PCT Article 33(2) and (3) since the prior art does not suggest the cytotoxic action of the Ki-67 antisense oligo(deoxy)ribonucleotide on proliferated cells, and hence its use for producing a corresponding drug.

Schlüter et al. merely describe the inhibition of the insertion of marked thymidine by Ki-67 antisense oligonucleotides in IM-9 myeloma cells.

Maeshima et al. demonstrate the inhibitory effect of Ki-67 antisense nucleotides on protein expression. An anti-proliferative rather than an unspecific cytotoxic effect is attributed to the antisense oligonucleotides on the basis of the results of the experiments.

Nevertheless, the applicants should note that the therapeutic use should be clearly defined since a second medical indication has been claimed (see Claim 10).

In contrast, Claims 9, 14 and 15 are considered to be novel but not inventive (PCT Article 33(3)). As regards the claimed drug, the Examining Authority is of the opinion that the Ki-67 antisense

erga era

THIS PREE BLANK USERO



oligonucleotide per se that is contained therein represents the essential feature and not details regarding the concentration in which it is present or the customary carrier materials and auxiliary agents. However, said oligonucleotide and its potential therapeutic use as a drug owing to its anti-proliferative action has already been described in Maeshima et al. The additional features, as specified above, do lead one to the conclusion that the agent is novel (in particular the details of the concentration); however, those features do not involve an inventive step.

This applies analogously to the antisense oligonucleotides claimed in Claims 14 and 15. claimed oligonucleotide differs from that known from the prior art only by four or two additional nucleotides on the continuous 3' end (see Schlüter et al. and Maeshima et al.). The Examining Authority is of the view that this marginal difference cannot lead to the observed cytotoxic effect, and thus also cannot be regarded as an inventive contribution. It should also be pointed out that the invention is not based on the provision of specific Ki-67 antisense nucleotides for inhibiting Ki-67 expression, but is rather based on the finding that such inhibition in specific tumour cells (e.g. RT4 cells) leads to cell death and that the corresponding oligonucleotides are thus suitable for a specific therapeutic purpose (e.g. tumour therapy).

Process Claims 11-13 are therefore not considered to be novel or inventive. The Examining Authority considers the document by Maeshima et al. to contain the necessary technical information to permit a

.: Piset.Ti

THIS PACE OF WAR HELD

## INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPOR

International application No. PCT/EP 99/03451

person skilled in the art to produce a drug containing a Ki-67 antisense oligonucleotide immediately. It should be noted that in the present instance, the intended subsequent use of the drug (to kill proliferating cells) does not influence its process of preparation. In other words, the drug contained in this instance and the constituent defining the agent (antisense oligonucleotide) correspond essentially to the agent described in Maeshima et al., independently of its additional therapeutic use.

THIS PACE BLANK USPIO

# INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPOR

International application No. PCT/EP 99/03451

## VIII. Certain observations on the international application

The following observations on the clarity of the claims, description, and drawings or on the question whether the claims are fully supported by the description, are made:

3). The Examining Authority is still of the opinion that in view of the term oligonucleotide, Claims 2 and 3 are unclear, since molecules of a length as indicated in the claims do not fall under the term "oligonucleotide".

Moreover, it is not entirely clear whether or not Claim 4 relates to an oligonucleotide that consists merely of at least 12 nucleotides up to a maximum of 66 nucleotides (see page 3, fifth paragraph of the description). This applies analogously to dependent Claims 5-8, 10 and Claims 14 and 15.

THIS PREKE OF WHITE PRO

Ì

#### Claims

- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide, characterized in that it is capable of hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki-67, and physiologically acceptable salts thereof.
- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to claim
   characterized in that its nucleotide sequence is
   complementary to SEQ ID NO 1.
- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to claim 2, characterized in that its nucleotide sequence is complementary to the section from position 197 to 9962 of SEQ ID NO 1.
  - 4. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 3, characterized in that it contains 12 to 66 nucleotides.

20

- 5. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 4, characterized in that it contains 17 to 46 nucleotides.
- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 5, characterized in that it has the sequence (5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT).
- 7. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 6, characterized in that one or more phosphate groups are replaced by phosphothioate, methylphosphonate, phosphoramidate, methylene(methylimino) and/or guanidine group(s).
- 35 8. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to one of claims 1 to 7, characterized in that it has a terminal 3'-3' and/or 5'-5' internucleotide linkage.

THIS PACE OF THE PARTY OF THE P

9. Medicaments, characterized by a content of an oligoriboand/or oligodeoxyribonucleotide which is capable of
hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki67, or of a physiologically acceptable salt thereof, in
addition to conventional carrier substances, auxiliaries
and/or additives.

5

20

- 10. Medicament according to claim 9, characterized in that the amount of oligonucleotide is adjusted such that an administration of 0.001 to 100 mg/kg of body weight is achieved.
- 11. Use of oligoribo- or oligodeoxyribonucleotides which are capable of hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki-67, or of a physiologically acceptable salt thereof, for treatment of tumours, autoimmune diseases, cicatrization, inflammations, allergies, rheumatic diseases or rejection reactions following transplantations.
- 12. Use of oligoribo- or oligodeoxyribonucleotides which are capable of hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki-67, or of a physiologically acceptable salt thereof, for the preparation of a medicament for treatment of tumours, autoimmune diseases, cicatrization, inflammations, allergies or rheumatic diseases.

THIS PACE BLANK USPIO

## DEUTSCHES PATENTAMT

<u> Deutsches Patentamt - 80297 München</u>

Patentanwälte yexküll & Stolberg Beselerstr. 4

22507 Hamburg

München, den 13. Oktober 1998

**2** (089) 2195 - 4267

Aktenzeichen: 198 22 954.2-44 P 47646 Ihr Zeichen: 9159959 Anmeldernr.:

Forschungszentrum Borstel Zentru m für Medizin und Biowissenschaf

ten

Bitte Aktenzeichen und Anmeider bei Eingaben und Zahlungen angeben Zutreffendes ist angekreuzt 🔀 und/oder ausgefüllt!

Prüfungsantrag, wirksam gestellt am 11. Juni 1998

Eingabe vom

eingegangen am

UEXKULL & STOLBERG 22. OKT. 1998 22.12. Die weitere Prüfung der oben genannten Patentanmeldung hat zu dem nachstehenden Ergebnis geführt. Zur Äußerung wird eine Frist

#### von vier Monaten

gewährt, die mit der Zustellung beginnt.

Für Unterlagen, die der Äußerung gegebenenfalls beigefügt werden (z.B. Patentansprüche, Beschreibung, Beschreibungsteil , Zeichnungen), sind je zwei Ausfertigungen auf gesonderten Blättern erforderlich. Die Äußerung selbst wird nur in einfacher Ausfertigung benötigt.

Werden die Patentansprüche, die Beschreibung oder die Zeichnungen im Laufe des Verfahrens geändert, so hat der Anmelder, sofern die Änderungen nicht vom Patentamt vorgeschlagen sind, im einzelnen anzugeben, an welcher Stelle die in den neuen Unterlagen beschriebenen Erfindungsmerkmale in den ursprünglichen Unterlagen offenbart sind.

🔀 In diesem Bescheid sind folgende Entgegenhaltungen erstmalig genannt (bei deren Numerierung gilt diese auch für das weitere Verfahren): - siehe nächste Seite -

## Hinweis auf die Möglichkeit der Gebrauchsmusterabzweigung

Der Anmelder einer nach dem 1. Januar 1987 mit Wirkung für die Bundesrepublik Deutschland eingereichten Patentanmeldung kann eine Gebrauchsmusteranmeldung, die den gleichen Gegenstand betrifft, einreichen und gleichzeitig den Anmeldetag der früheren Patentanmeldung in Anspruch nehmen. Diese Abzweigung (§ 5 Gebrauchsmustergesetz) ist bis zum Ablauf von zwei Monaten nach dem Ende des Monats möglich, in dem die Patentanmeldung durch rechtskräftige Zurückweisung, freiwillige Rücknahme oder Rücknahmefiktion erledigt, ein Einspruchsverfahren abgeschlossen oder - im Falle der Erteilung des Patents - die Frist für die Beschwerde gegen den Erteilungsbeschluß fruchtlos verstrichen ist. Ausführliche Informationen über die Erfordernisse einer Gebrauchsmusteranmeldung, einschließlich der Abzweigung, enthält das Merkblatt für Gebrauchsmusteranmelder (G 6181), das kostenios beim Patentamt und den Patentauslegestellen erhältlich ist.

P 2401.1 (EDV-L) 01/98 Pat.1a Kzl.

Annahmestelle und Nachtbriefkasten Zweibrückenstraße 12 Dienstgebäude Zweibrückenstraße 12 (Hauptgebäude) Zweibrückenstraße 5-7 (Breiterhof) Winzererstraße 47a/Saarstraße 5

Hausadresse (für Fracht) Deutsches Patentamt Zweibnickenstraße 12 80331 München

Telefon (089) 2195-0

Zweibrückenstraße 12 (Hauptgebäude), Zweibrückenstraße 5-7 (Breiterhof):

Telefax (089) 2195-2221 Landeszentralbank München 700 010 54 (BLZ 700 000 00)

Internet-Adresse http://www.deutsches-patentamt.de

Bank:

S1 - S8 Isartor

THIS PACE BLANK USPIO

- (1) Chem. Abstr. 126(1997)14507c
- (2) Chem. Abstr. 124(1996)138711t
- (3) Chem. Abstr. 120(1994)50987u
- (4) Chem.Abstr. 129(1998)134428 (derzeit im DPA nur als Datenbankauszug zugänglich)
- (5) Chem. Abstr. 122(1995)260142g

Dem Bescheid liegen die ursprünglichen Ansprüche 1 bis 12 zugrunde.

Wie die Anmelderin in der Beschreibung S.2, Abs.2, selbst ausführt, ist die Nukleotidsequenz der cDNA des Ki-67 bekannt (vgl. hierzu auch (3)). Demzufolge liegt auch die Möglichkeit, Oligo(desoxy)nukleotide beliebiger Größe, jedoch mit zur bekannten cDNA von Ki-67 komplementärer Sequenz, bereitzustellen, für den Fachmann auf der Hand.

Darüberhinaus wird auf den im Zuge der Recherche ermittelten vorveröffentlichten Stand der Technik hingewiesen, demgemäß bereits Antisense-Oligonukleotide, auch in der Phosphothioate-Form, gegen Ki-67 mRNA bekannt sind (vgl. (1)).

Inwiefern auch die auf die Anmelderin zurückgehende, in (2) zitierte Publikation dem Anmeldungsgegenstand neuheitschädlich entgegensteht, ist derzeit mangels Vorliegen der Originalschrift zu (2) im DPA nicht überprüfbar.

THIS PECK DENNERO

Es ist jedoch bereits aufgrund des Abstracts (1) festzustellen, daß die Stoffansprüche 1 bis 5 sowie 7 sowie entsprechende darauf rückbezogene Mittel- und/oder Verwendungsansprüche 9 bis 12 mangels Neuheit oder mangels erfinderischer Tätigkeit nicht gewährbar sind.

Inwiefern die Patenterteilung auf Basis eines auf Stoffe gemäß Anspruch 6 eingeschränkten Erteilungsantrags in Aussicht gestellt werden kann, ist erst nach Vorliegen sämtlicher in (1) bis (3) zitierten Originalschriften abschließend zu entscheiden.

Im Falle einer Fortführung der vorliegenden Anmeldung wird der Anmelderin daher einheimgestellt, zum Zwecke der Förderung des Prüfungsverfahrens Kopien der in (1) bis (3) zitierten Originalschriften zur Akte zu reichen.

Der Vollständigkeit halber wird noch auf die Druckschriften (4) und (5) hingewiesen.

Bei dieser Sachlage kann die Patenterteilung mit den vorliegenden Unterlagen nicht in Aussicht gestellt werden. Die Anmeldung
ist nach Fristablauf aus den ausgeführten Gründen zurückzuweisen, falls die aufgezeigten Mängel nicht oder nur teilweise beseitigt werden.

Prüfungsstelle für Klasse C 07 H

Dr.rer.nat.Egerer

Hausruf: 4273 Als Anlage: Kopie der D(1)-(5) - zweifach

THIS PACE OLD WALLER TO



INTERNATIONALE ANMELDUNG VERÖFFENTLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

(51) Internationale Patentklassifikation 6:

C12N 15/11, A61K 31/70, C07H 21/00

A3

(11) Internationale Veröffentlichungsnummer: WO 99/61607

(43) Internationales

Veröffentlichungsdatum:

2. Dezember 1999 (02.12.99)

(21) Internationales Aktenzeichen:

PCT/EP99/03451

(22) Internationales Anmeldedatum:

20. Mai 1999 (20.05.99)

(30) Prioritätsdaten:

198 22 954.2

22. Mai 1998 (22.05.98)

DE

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten ausser US):
FORSCHUNGSZENTRUM BORSTEL ZENTRUM
FÜR MEDIZIN UND BIOWISSENSCHAFTEN [DE/DE];
Parkallee 1-40, D-23845 Borstel (DE).

(72) Erfinder; und

- (75) Erfinder/Anmelder (nur für US): FLAD, Hans-Dieter [DE/DE]; Parkallee 1, D-23845 Borstel (DE). GERDES, Johannes [DE/DE]; Steinfeld 79, D-23858 Feldhorst (DE). BÖHLE, Andreas [DE/DE]; Fasanenring 2, D-23627 Groß Grönau (DE). DEINERT, Irina [-/DE]; Otternweg 12, D-23560 Lübeck (DE).
- (74) Anwälte: MUTH, Heinz-Peter usw.; Uexküll & Stolberg, Beselerstrasse 4, D-22607 Hamburg (DE).

(81) Bestimmungsstaaten: AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CH, CN, CU, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MD, MG, MK, MN, MW, MX, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZA, ZW, ARIPO Patent (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SL, SZ, UG, ZW), eurasisches Patent (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), europäisches Patent (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI Patent (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

#### Veröffentlicht

Mit internationalem Recherchenbericht.

Vor Ablauf der für Änderungen der Ansprüche zugelassenen Frist. Veröffentlichung wird wiederholt falls Änderungen eintreffen.

(88) Veröffentlichungsdatum des internationalen Recherchenberichts: 23. März 2000 (23.03.00)

- (54) Title: ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES FOR TREATING PROLIFERATING CELLS
- (54) Bezeichnung: ANTISENSE-OLIGONUKLEOTIDE ZUR BEHANDLUNG VON PROLIFERIERENDEN ZELLEN

#### (57) Abstract

The invention relates to oligoribo- and oligodesoxyribonucleotides which are suitable for treating pathological conditions that are accompanied by increased cell proliferation. Said oligoribo- and oligodesoxyribonucleotides are characterised in that they are able to hybridise with the mRNA which codes the protein Ki-67, this protein being associated with the cell cycle.

#### (57) Zusammenfassung

Die Erfindung betrifft Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide, die sich zur Behandlung von Krankheitszuständen eignen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen. Die Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide sind dadurch gekennzeichnet, daß sie in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das zellzyclusassoziierte Protein Ki-67 kodiert.

غرإ

## LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Codes zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

AL	Albanien	ES	Spanien	LS	Lesotho	SI	Slowenien
AM	Armenien	FI	Finnland	LT	Litauen	SK	Slowakei
AT	Österreich	FR	Frankreich	LU	Luxemburg	SN	Senegal
ΑU	Australien	GA	Gabun	LV	Lettland	SZ	Swasiland
AZ	Aserbaidschan	GB	Vereinigtes Königreich	MC	Monaco	TD	Tschad
BA	Bosnien-Herzegowina	GE	Georgien	MD	Republik Moldau	TG	Togo
BB	Barbados	GH	Ghana	MG	Madagaskar	T.J	Tadschikistan
BE	Belgien	GN	Guinea	MK	Die ehemalige jugoslawische	TM	Turkmenistan
BF	Burkina Faso	GR	Griechenland		Republik Mazedonien	TR	Türkei
BG	Bulgarien	HU	Ungarn	ML	Mali	TT	Trinidad und Tobago
BJ	Benin	IE	Irland	MN	Mongolei	UA	Ukraine
BR	Brasilien	IL	Israel	MR	Mauretanien	UG	Uganda
BY	Belarus	IS	Island	MW	Malawi	US	Vereinigte Staaten von
CA	Kanada	IT	Italien	MX	Mexiko		Amerika
CF	Zentralafrikanische Republik	JP	Japan	NE	Niger	UZ	Usbekistan
CG	Kongo	KE	Kenia	NL	Niederlande	VN	Vietnam
CH	Schweiz	KG	Kirgisistan	NO	Norwegen	YU	Jugoslawien
CI	Côte d'Ivoire	KP	Demokratische Volksrepublik	NZ	Neuseeland	zw	Zimbabwe
CM	Kamerun		Korea	PL	Polen		
CN	China	KR	Republik Korea	PT	Portugal		
CU	Kuba	KZ	Kasachstan	RO	Rumänien		
CZ	Tschechische Republik	LC	St. Lucia	RU	Russische Föderation		

SD

SE SG Sudan

Schweden

Singapur

LI

LK LR Liechtenstein

Sri Lanka

Liberia

DE

DΚ

EE

Deutschland

Dänemark

Estland

IPC 6	FICATION OF SUBJECT MATTER C12N15/11 A61K31/70 C07H21	1/00			
	o International Patent Classification (IPC) or to both national class	sification and IPC			
	SEARCHED ocumentation searched (classification system followed by classification system followed by classifi	ication symbols)			
IPC 6	C12N A61K C07H				
Documental	tion searched other than minimum documentation to the extent th	nat such documents are included in the fields s	earched		
	lata base consulted during the international search (name of data	a base and. where practical, search terms used	d)		
	ENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		Delevent to eleim blo		
Category °	Citation of document, with indication. where appropriate, of the	e relevant passages	Relevant to claim No.		
X	SCHLUETER, C. ET AL: "The cell proliferation-associated antigen of antibody Ki-67: A very large ubiquitous nuclear protein with numerous repeated elements, representing new kind of cell cycle-maintaining proteins"  J. CELL BIOL. (1993), 123(3), 513-22, XP000867381  cited in the application page 515, right-hand column, last paragraph page 520, left-hand column, last paragraph		1-12		
X Fun	ther documents are listed in the continuation of box C.	Patent family members are listed	d in annex.		
"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)  "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed		"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention  "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art.  "&" document member of the same patent family			
1	o actual completion of the international search	Date of mailing of the international se	earch report		
	21 January 2000	02/02/2000			
Name and	mailing address of the ISA  European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2  NL - 2280 HV Rijswijk  Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,  Fax: (+31-70) 340-3016	Authorized officer  Andres, S			

1

## INTERNA NAL SEARCH REPORT

0.40	PACIFICATION OF THE PACIFIC CONCIDENCE TO BE BELLEVANT	PC1/EP 99/03451			
Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.			
X	MAESHIMA, YOHEI ET AL: "Antisense oligonucleotides to proliferating cell nuclear antigen and Ki-6 inhibit human mesangial cell proliferation"  J. AM. SOC. NEPHROL. 7(10), 2219-2229, October 1996 (1996-10), XP000867392 abstract; figure 1	1-12			
A	UHLMANN E ET AL: "ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES: A NEW THERAPEUTIC PRINCIPLE" CHEMICAL REVIEWS, vol. 90, no. 4, 1990, page 543-584 XP000141412 ISSN: 0009-2665 cited in the application				



International application No.

PCT/EP 99/03451

Box I	Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 1 of first sheet)					
This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:						
1. X	Claims Nos.: because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:					
	Although claim no. 11 relates to a method for treating the human/animal body, the search was carried out and was based on the cited effects of the compound/composition.					
2.	Claims Nos.: because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:					
3.	Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).					
Box II	Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 2 of first sheet)					
1.	As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.					
2.	As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.					
3.	As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:					
4.	No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:					
Remarl	The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.  No protest accompanied the payment of additional search fees.					

WHIS ORCH DILAME USETO

lis ati	onales Aktenzeichen	
PCT/	EP 99/03451	

A. KLASSII IPK 6	FIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES C12N15/11 A61K31/70 C07H21/0	0						
		•						
Nach der Int	ternationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klas	sifikation und der IPK						
	RCHIERTE GEBIETE							
IPK 6	Recherchierter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbole ) IPK 6 C12N A61K C07H							
Recherchier	te aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, so	weit diese unter die recherchierten Gebiete	fallen					
	er internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Na	ame der Datenbank und evtl. verwendete S	suchbegriffe)					
C. ALS WE	SENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN							
Kategorie®	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe	der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.					
X	SCHLUETER, C. ET AL: "The cell proliferation—associated antigen antibody Ki-67: A very large ubiq nuclear protein with numerous rep elements, representing new kind o cycle—maintaining proteins"  J. CELL BIOL. (1993), 123(3), 513 XP000867381 in der Anmeldung erwähnt Seite 515, rechte Spalte, letzter Seite 520, linke Spalte, letzter	1-12						
	tere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu	Siehe Anhang Patentfamilie						
Besondere Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen:  "A" Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist  "E" älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist  "L" Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft erscheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer anderen im Recherchenbencht genannten Veröffentlichungsdatum einer soll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie ausgeführt)  "O" Veröffentlichung, die sich auf eine mündliche Offenbarung, eine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht.  "P" Veröffentlichung, die vor dem internationalen Anmeldedatum, aber nach dem beanspruchten Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist		"T" Spätere Veröffentlichung, die nach dem internationalen Anmeldedatum oder dem Prionitatsdatum veröffentlicht worden ist und mit der Anmeldung nicht kolitidiert, sondern nur zum Verständnis des der Erfindung zugrundeliegenden Prinzips oder der ihr zugrundeliegenden Theorie angegeben ist "X" Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindun kann allein aufgrund dieser Veröffentlichung nicht als neu oder auf erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden "Y" Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindun kann nicht als auf erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden, wenn die Veröffentlichung mit einer oder mehreren anderen Veröffentlichungen dieser Kategorie in Verbindung gebracht wird und diese Verbindung tur einen Fachmann naheliegend ist "&" Veröffentlichung. die Mitglied derselben Patentfamilie ist						
	21. Januar 2000	02/02/2000						
Name und	Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk	Bevollmächtigter Bediensteter						
	Tel. (+31-70) 340-2040. Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016	Andres, S						

1

		T/EP 99/03451		
	ung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN			
Kategorie*	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teil	e Betr. Anspruch Nr.		
X	MAESHIMA, YOHEI ET AL: "Antisense oligonucleotides to proliferating cell nuclear antigen and Ki-6 inhibit human mesangial cell proliferation" J. AM. SOC. NEPHROL. 7(10), 2219-2229, Oktober 1996 (1996-10), XP000867392 Zusammenfassung; Abbildung 1	1-12		
A	UHLMANN E ET AL: "ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES: A NEW THERAPEUTIC PRINCIPLE" CHEMICAL REVIEWS, Bd. 90, Nr. 4, 1990, Seite 543-584 XP000141412 ISSN: 0009-2665 in der Anmeldung erwähnt			

1



#### INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

...ternationales Aktenzeichen

PCT/EP 99/03451

Bemerkungen zu den Ansprüchen, die sich als nicht recherchierbar erwiesen haben (Fortsetzung von Punkt 2 auf Blatt 1) Feld I Gemäß Artikel 17(2)a) wurde aus folgenden Gründen für bestimmte Ansprüche kein Recherchenbericht erstellt: weil sie sich auf Gegenstände beziehen, zu deren Recherche die Behörde nicht verpflichtet ist, nämlich Obwohl Anspruch 11 sich auf ein Verfahren zur Behandlung des menslichen/ tierischen Körpers bezieht, wurde die Recherche durchgeführt und gründete sich auf die angeführten Wirkungen der Verbindung/Zusammensetzung. 2. Ansprüche Nr. weil sie sich auf Teile der internationalen Anmeldung beziehen, die den vorgeschriebenen Anforderungen so wenig entsprechen. daß eine sinnvolle internationale Recherche nicht durchgeführt werden kann, nämlich Ansprüche Nr. weil es sich dabei um abhängige Ansprüche handelt, die nicht entsprechend Satz 2 und 3 der Regel 6.4 a) abgefaßt sind. Feld II Bemerkungen bei mangelnder Einheitlichkeit der Erfindung (Fortsetzung von Punkt 3 auf Blatt 1) Die internationale Recherchenbehörde hat festgestellt, daß diese internationale Anmeldung mehrere Erfindungen enthält: Da der Anmelder alle erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser internationale Recherchenbericht auf alle recherchierbaren Ansprüche. Da für alle recherchierbaren Ansprüche die Recherche ohne einen Arbeitsaufwand durchgeführt werden konnte, der eine zusätzliche Recherchengebühr gerechtfertigt hätte, hat die Behörde nicht zur Zahlung einer solchen Gebühr aufgefordert. Da der Anmelder nur einige der erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser internationale Recherchenbericht nur auf die Ansprüche, für die Gebühren entrichtet worden sind, nämlich auf die Ansprüche Nr. Der Anmelder hat die erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren nicht rechtzeitig entrichtet. Der internationale Recherchenbericht beschränkt sich daher auf die in den Ansprüchen zuerst erwähnte Erlindung; diese ist in folgenden Ansprüchen er-Bemerkungen hinsichtlich eines Widerspruchs Die zusätzlichen Gebühren wurden vom Anmelder unter Widerspruch gezahlt. Die Zahlung zusätzlicher Recherchengebühren erfolgte ohne Widerspruch.

THIS PACE BLANK USPO

WO 99/61607 PCT/EP99/03451

# <u>Antisense-Oligonukleotide zur Behandlung von proliferierenden Zellen</u>

Die Erfindung betrifft Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide, die sich zur Therapie von Krankheitszuständen eignen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen.

Als Antisense-Oligonukleotide werden Nukleinsäurefragmente bezeichnet, deren Sequenz komplementär zum kodierenden oder "Sense"-Strang der DNA oder einer Messenger-RNA (mRNA) ist und die somit in der Lage sind, spezifisch an diese komplementären Zielsequenzen zu binden (hybridisieren). Hierdurch ist eine selektive Beeinflussung zellulärer Prozesse möglich. Antisense-Oligonukleotide haben als Werkzeuge in der Forschung sowie als potentielle Mittel zur antiviralen und Tumortherapie Interesse gefunden (E. Uhlmann, A. Peyman, Chemical Reviews, 90 (1990) 544-584; S. Agrawal, TIBTECH 10 (1992) 152-158) und haben zum Teil bereits das Stadium der klinischen Forschung erreicht (M.D. Matteucci, R.W. Wagner, Nature 384 (196) 20-22).

Ki-67 ist ein zelluläres Protein, das in allen aktiven Phasen des Zellzyklus  $(G_1, S, G_2 \text{ und Mitose})$  nicht aber während der

Ruhephase  $(G_0)$  produziert wird. Die Ruhe- oder  $G_0$ -Phase beschreibt den Zustand, in dem die Teilungsaktivität der Zelle ruht, d.h die Zellen die aktiven Phasen des Zellzyklusses verlassen haben und sich nicht teilen. Ki-67 ist ein humanes, nukleäres Protein, dessen Expression streng mit der Zellproliferation assoziiert ist. Spezifische Antikörper gegen das Ki-67 Protein werden in der Histopathologie zur Bestimmung des Anteils wachsender Zellen in humanen Tumoren verwendet (J. Gerdes, Seminars in Cancer Biology 1 (1990) 199-206).

Es wurde zudem gezeigt, daß durch ein 21 Basen umfassendes Ki-67 Protein Antisense-2'-Desoxyoligonukleotid die Proliferation von humanen IM-9-Zellen konzentrationsabhängig inhibiert werden kann (C. Schlüter et al., The Journal of Cell Biology, 123 (1993) 513-522). Die vollständige Nukleotidsequenz der cDNA des Ki-67-Proteins sowie die abgeleitete Aminosäuresequenz sind bekannt (Schlüter et al., a.a.O.). Figur 1 (SEQ ID NO 1) zeigt den sense-Strang der Ki-67 cDNA.

Aufgabe der vorliegenden Erfindung ist die Bereitstellung von Antisense-Oligonukleotiden, die sich zur Therapie von Krankheitszuständen eignen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen. Beispiele solcher Krankheitszustände sind Tumoren, Allergien, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen und rheumatische Erkrankungen sowie die Unterdrückung von Abwehrreaktionen bei Transplantationen.

Diese Aufgabe wurde durch Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotide sowie deren physiologisch verträgliche Salze gelöst, die in der Lage sind, mit der für das Protein Ki-67 kodierenden mRNA zu hybridisieren.

Es wurde gefunden, daß die erfindungsgemäßen Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotide eine zytotoxische und nicht nur inhibierende Wirkung auf proliferierende Zellen wie beispielsweise Tumorzellen haben und den Tod der Zellen bewirken. Dieser Befund

ist insofern überraschend, als das Ki-67-Protein in nicht-proliferierenden Zellen nicht nachweisbar und somit für das Überleben der Zellen offensichtlich nicht erforderlich ist.

Bevorzugt sind Oligonukleotide, die bei 37 °C und bei physiologischer Salzkonzentration mit Ki-67 mRNA hybridisieren.

Besonders bevorzugt sind Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide de und insbesondere Oligodesoxyribonukleotide, deren Sequenz zu der in Figur 1 (SEQ ID NO: 1) gezeigten Nukleotidsequenz des sense-Stranges der cDNA von Ki-67 komplementär ist, d.h. bei einer Kettenlänge von 10 Basen maximal 0 bis 4, vorzugsweise 0 bis 2 und ganz besonders bevorzugt keine Fehlpaarungen (mismatches) aufweist.

Als besonders wirksam erwiesen sich weiterhin Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide, die mit einer Nukleotidsequenz aus dem 5'-Bereich der Ki-67 mRNA hybridisieren, d.h. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotide, die zu dem 5'-Bereich der in Figur 1 gezeigten Sequenz, vorzugsweise zu einem Abschnitt aus dem Bereich von Position 197 bis 2673 oder 2673 bis 9962, besonders bevorzugt 197 bis 220 komplementär sind.

Die erfindungsgemäßen Oligonukleotide weisen vorzugsweise eine Kettenlänge von 12 bis 66 Nukleotiden, besonders bevorzugt 17 bis 46 und ganz besonders bevorzugt 22 bis 46 Nukleotiden auf.

Ganz besonders bevorzugt ist die Sequenz (SEQ ID NO: 3):

(5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT)

Unmodifizierte Oligonukleotide und insbesondere unmodifizierte Oligoribonukleotide sind in hohem Maße dem nukleolytischem Abbau unterworfen und weisen daher nur eine geringe Stabilität und biologische Halbwertszeit auf. Zur Verbesserung der Membrangängigkeit und zur Erhöhung der biologischen Halbwertszeit sind die

Basen, Zucker- und/oder Phosphatreste der erfindungsgemäßen Oligonukleotide vorzugsweise modifiziert.

Bevorzugt sind Oligonukleotide, bei denen eine oder mehrere Phosphatgruppen durch Phosphothioat-, Methylphosphonat-, Phosphoramidat-, Methylen(methylimino)- (MMI) und/oder Guanidingruppen ausgetauscht sind. Die Struktur dieser Gruppen ist in Figur 2 gezeigt. Besonders bevorzugt sind thiolierte Oligonukeotide, d.h. Oligonukleotide bei denen Phosphatgruppen durch Phospho-thioatgruppen ausgetauscht sind. Es können eine oder mehrere der Phosphatgruppen des Oligonukleotids modifiziert sein. Bei einer teilweisen Modifikation werden vorzugsweise endständige Gruppen modifiziert, Oligonukleotide bei denen alle Phosphatgruppen modifiziert sind, sind jedoch am meisten bevorzugt.

Bevorzugte Zuckermodifikationen umfassen den Austausch einer oder mehrerer Ribosereste des Oligonukleotids durch Hexose (Figur 2) oder durch Aminosäuren (Peptidnukleinsäure, PNA, Figur 2).

Modifikationen der Basen umfassen die Verwendung von 5-Propinyl-Uracyl, 5-Propinylcytosin und tricyclischen Cytosinanalogs Phenoxazin.

Die Synthese modifizierter Oligonukleotide sowie weitere geeignete Modifikationsmöglichkeiten sind in der Literatur beschrieben (vgl. beispielsweise E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.; M.D. Matteucci, R.W. Wagner, a.a.O.).

Darüber hinaus können die erfindungsgemäßen Oligonukleotide durch terminale 3'-3'- und/oder 5'-5'-Internukleotidbindungen gegen einen Abbau durch Exo-Nukleasen geschützt werden (H. Seliger et al., Nucleosides & Nucleotides 10 (1-3), 469-477 (1991)).

Ferner können die erfindungsgemäßen Oligonukleotide zusätzlich durch Gruppen substituiert sein, die die intrazelluläre Aufnahme begünstigen, die *in vivo* oder *in vitro* als Reportergruppen dienen, und/oder Gruppen, die bei der Hybridisierung des Oligoribonukleotids an die Ziel-RNA diese unter Bindung oder Spaltung angreifen.

Beispielhaft für Gruppen, die die intrazelluläre Aufnahme begünstigen, sind lipophile Reste wie Alkylreste, beispielsweise mit 1 bis 18 C-Atomen, Cholesteryl- oder Thiocholesterylgruppen (E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.) oder Konjugate, die natürliche Carriersysteme ausnutzen, wie z.B. Gallensäure oder Peptide für den entsprechenden Rezeptor (z.B. Rezeptor-vermittelte Endocytose).

Beispiele für Reportergruppen sind fluoreszierende Gruppen (z.B. Acridinyl-, Dansyl-, Fluorescinylgruppen) oder chemilumineszierende Gruppen wie z.B. Acridiniumester-Gruppen.

Beispiele für Oligonukleotid-Konjugate, die an Nukleinsäuren binden und/oder spalten, finden sich in E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.). Konjugatpartner sind unter anderem Acridin, Psolaren, Chlorethylaminoaryl, Phenanthredin, Azidophenacyl, Azidoproflavin, Phenazin, Phenanthrolin/Cu, Porphyrin/Fe, Benzo[e]pyridoindol, EDTA/Fe (Mergny et al., Science 256 (1992) 1681).

Die Darstellung der erfindungsgemäßen Oligonukleotide erfolgt auf an sich bekannte Weise (vgl. z.B. E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.). Bevorzugt ist die Synthese an fester Phase unter Zuhilfenahme eines automatischen Synthesegeräts.

Zur Herstellung von Arzneimitteln werden die erfindungsgemäßen Oligonukleotide mit üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen kombiniert. Die Oligonukleotide eignen sich zur systemischen, lokalen, subkutanen, intrathekalen und topischen Anwendung und zur Applikation durch Einlauf. Hierzu

können sie gelöst in geeigneten Lösungsmitteln, vorzugsweise wäßrigen Lösungen, in Form von Liposomen, als Emulsion oder in fester Form, beispielsweise als Puder oder in mikroverkapselter Form vorliegen.

Die Menge der Oligonukleotide in den Arzneimitteln richtet sich nach der gewünschten Anwendung und wird vorzugsweise so eingestellt, daß eine Applikation von 0,001 bis 100 mg Oligonukleotid pro kg Körpergewicht, vorzugsweise 0,001 bis 10 mg/kg Körpergewicht, besonders bevorzugt 0,01 bis 3 mg/kg Körpergewicht erreicht wird. Die Behandlung erfolgt vorzugsweise durch wiederholte Anwendung über einen Zeitraum von einem Tag bis 6 Wochen, in einer Dosis von vorzugsweise 0,01 bis 3 mg/kg pro Tag.

Die erfindungsgemäßen Oligonukeotide eignen sich zur Behandlung von Krankheitszuständen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen, insbesondere zur Behandlung von benignen und malignen Tumoren, wie Hodentumoren, Lymphomen, Magenkarzinomen, Blasenkarzinomen, Mammakarzinomen, Bronchialkarzinomen, Sarkomen, Nierenkarzinomen, Melanomen, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen und Abwehrreaktionen bei Transplantationen.

Ein besonderer Vorteil der erfindungsgemäßen Oligonukleotide ist darin zu sehen, daß sie die Behandlung von Tumoren erlauben, die gegen herkömmliche Chemotherapeutika resistent sind. Solche Resistenzen treten bei unspezifischen Zytostatika wie beispiels-weise Vinblastin oder Cisplatin entweder sekundär, d.h. nach mehrfacher Applikation auf, oder sind bei bestimmten Tumoren wie beispielsweise dem Nierenkarzinom bereits primär vorhanden.

Besonders überraschend war die Feststellung, daß die erfindungsgemäßen Oligonukleotide nicht nur das Wachstum von Zellen inhibieren, sondern auch eine cytotoxische Wirkung aufweisen, d.h. zum Absterben der behandelten Tumorzellen führen. Die zytotoxische Wirkung tritt im allgemeinen nach einer Behandlungszeit von Nichtbehandlung unterbrochen sein kann.

etwa 5 bis 12 Tagen ein. Zur vollständigen Abtötung aller proliferierenden Zellen kann eine Behandlungszeit von einigen Wochen erforderlich sein, wobei die Behandlungszeit von Zeiträumen der

- 7 -

Im folgenden wird die Erfindung anhand von Ausführungsbeispielen näher erläutert.

## Beispiel 1

## Wirkung auf das Wachstums von RT4-Zellen im Multizellsphäroid-Test

Es wurde die Wirkung erfindungsgemäßer Oligonukleotide auf Blasenkarzinomzellen der Zell-Linie RT4 an Multizellsphäroiden untersucht und mit entsprechenden sense- und missense-Strängen als Kontrolle verglichen.

Hierzu wurden auf bekannte Weise (Uhlmann und Peyman, a.a.O) 2'-Desoxyoligonukleotide mit den folgenden Sequenzen hergestellt:

start-2-anti	5'-ACC	AGG	CGT	CTC	GTG	GGC	CAC	AΤ	
start-2-sense	5'-ATG	TGG	CCC	ACG	AGA	CGC	CTG	GT	
missense	5'-AGT	ACT	CAG	TAA	CGC	СТА	CGG	TAA	G

Alle Oligonukleotide wurden, wenn nicht anders angegeben, in thiolierter Form eingesetzt, d.h. ein Sauerstoffatom der Phosphorsäurereste war durch ein Schwefelatom ersetzt.

Gemäß der Methode von Carlsson & Yuhas (J. Carlsson und J.M. Yuhas, Liquid-overlay culture of cellular spheroids, Recent Results in Cancer Research 95; 1-23, 1984) wurden Multizellsphäroide der Zell-Linie RT-4 (ATCC Nr.: HTB2) hergestellt. Nach vier Tagen zeigten die Multizellsphäroide eine kugelige Morphologie mit einer ausgeprägten, scharfen Abgrenzung. Anschließend

wurden die RT4-Multizellsphäroide in Anwesenheit von 120 μmol/l der jeweiligen Oligonukleotide in Kulturmedien bei 37 °C, 5 % CO<sub>2</sub> inkubiert und die Veränderung des Sphäroiddurchmessers gemessen. Die Oligonukleotide wurden direkt nach der Zeitspanne, die für das Entstehen der Sphäroide notwendig war, in das Medium gegeben. Als Negativkontrollen dienten zum einen eine Probe, der keine Oligonukleotide zugesetzt wurden (Kontrolle), zum anderen die Missense- und Sense-Oligonukleotidproben. Danach wurde der Durchmesser der Multizellsphäroide in Abständen von 2 Tagen gemessen. Pro Test wurden drei gleiche Ansätze untersucht und anschließend der Mittelwert gebildet. Die Ergebnisse sind in Figur 3 graphisch dargestellt.

In der Kontrolle wurde eine Zunahme des Sphäroiddurchmessers auf 132 % des Ausgangswertes beobachtet, während die Zugabe des thiolierten missense-Oligonukleotids einen Wachstumsstillstand bewirkte. Die Zugabe des sense-Oligodesoxynukleotids bewirkte eine geringfügige Verringerung des Sphäroiddurchmessers auf 90 %, während das Antisense-Oligonukleotid zu einer rapiden Abnahme des Sphäroiddurchmessers bis hin zur vollständigen Auflösung des Sphäroids am 12. Tag der Inkubation führte.

Nach der Co-Inkubation der Multizellsphäroide mit Oligonukleotiden wurden diese außerdem unter Zuhilfenahme von Fluoreszenzfarbstoffen in bezug auf ihre Vitalität geprüft. Die dazu verwendeten Farbstoffe waren Fluoreszein-markiertes Dinatriumacetat (FITC-FDA) und Propidium-Iodid (PI). Jedes Multizellsphäroid wurde mit 2  $\mu$ l FITC-FDA der Konzentration 1  $\mu$ mol/l für 20 Minuten und mit 10  $\mu$ l PI (Konzentration: 20  $\mu$ g/ml) für 10 Minuten inkubiert. Unter dem Fluoreszenzmikroskop erscheinen lebende Zellen durch die FITC-FDA-Färbung grün, tote Zellen durch die PI-Färbung rot. Es zeigte sich eine ausgeprägte zytotoxische Reaktion der untersuchten Zellen in der Antisense-behandelten Gruppe.

- 9 -

Die Ergebnisse zeigen, daß das erfindungsgemäße Antisense-Oligonukleotid für die getestete Tumorzellinie zytotoxisch ist und eine irreversible Zellschädigung bewirkt, die zum Tod der Zelle führt.

Um auszuschließen, daß das Lösungsmittel allein Einfluß auf das Wachstum besaß, wurden entsprechende Kontrollversuche mit dem Solvens durchgeführt (Solvent; es wurde nur das Lösungsmittel der Oligonukleotide, nicht jedoch die Oligonukeotide selbst zugesetzt), die zeigten, daß diese Einflußgröße zu vernachlässigen war (vgl. Figur 4).

### Beispiel 2

# Wirkung auf das Wachstums von RT4-Zellen bei Mikroinjektion

Es wurde die Wirkung der in Beispiel 1 genannten Oligonukleotide auf RT4-Zellen bei direkter Injektion der Verbindungen in die Zelle untersucht. Hierzu wurden die Oligonukleotide in unmodifizierter (nicht-thiolierter Form) eingesetzt. Durch diesen Test soll einerseits die Wirksamkeit unmodifizierter Oligonukleotide gezeigt und andererseits ausgeschlossen werden, daß eine unspezifische Bindung der Oligodesoxynukleotide an Zellmembranrezeptoren für die in Beispiel 1 beschriebenen Effekte verantwortlich ist.

RT4-Zellen wurden auf speziellen Deckgläsern (CELLocate $^{\$}$ -Deckgläser, Fa. Eppendorf) ausgesät. Bei diesen Deckgläsern erleichtert ein in der Mitte eingeätztes Raster das Wiederfinden der injizierten Zellen. Vor der Aussaat der Zellen wurden die Deckgläser in Petrischalen mit einem Durchmesser von 3,5 cm plaziert und mit je l  $\mu$ l Fibronektin benetzt, das für ein besseres Anheften der Zellen sorgt. Pro Schale wurden dann 1.5  $\times$  10 $^5$  Zellen, die vorher mittels Trypsin gelöst worden waren, in 2,5 ml supp-

lierten RPMI 1640 Medium ausgesät und bei 37 °C über Nacht im Brutschrank kultiviert.

Die Mikroinjektion wurde mit Hilfe des Transjektors 5246 und des Mikromanipulators 5171 (Firma Eppendorf) unter lichtmikroskopischer Kontrolle durchgeführt (inverses Mikroskop Typ Leitz DMIL, Firma Leica). Die Mikroinjektionskapillaren wurden mit Hilfe von Mikroloader® Pipettenspitzen (Fa. Eppendorf) mit jeweils 2,0 µl Oligonukleotidlösung (Konzentration 120 µmol/l) befüllt. Die Konzentrationseinstellung erfolgte mit steril filtriertem phosphatgepufferter Salzlösung (phosphate buffered saline, PBS). Um die Durchlässigkeit der befüllten Kapillare zu überprüfen, wurde die Clean-Funktion des Transjektors unter mikroskopischer Kontrolle eingesetzt. Bei offener Kapillare war nach dem Eintauchen in das Kulturmedium ein gleichmäßiger Ausstrom an Injektionsflüssigkeit zu beobachten. Der Injektionsdruck wurde empirisch auf 130 hPa festgelegt und nach den ersten Injektionen so korrigiert, daß die Injektion zu einer deutlichen Größenzunahme der Zelle führte, ohne sie zu zerstören. Die Injektionszeit betrug zwischen 0,3 und 0,5 Sekunden.

Für zytoplasmatische Injektionen wurde die Kapillarspitze solange an das Zytoplasma herangeführt, bis ein druckbedingter Lichtreflex an der Zelle zu beobachten war. Dann wurde die Kapillare wieder um einige µm angehoben und mittels Knopfdruck die automatische Injektionsbewegung ausgelöst. Während der Injektion konnte das Injektionslimit in 0,14 µm Schritten nach oben oder unten korrigiert werden, so daß Unebenheiten des Zelluntergrundes ausgeglichen werden konnten. Für vergleichende Untersuchungen wurden Mikroinjektionskapillaren verwendet, die in einem Arbeitsgang gezogen wurden, um bei gleichen Injektionsparametern die ausströmende Flüssigkeitsmenge pro Injektion möglichst konstant zu halten. Dennoch variierte das initiierte Volumen von Zelle zu Zelle, da sich der Injektionsdruck- und damit die zu injizierende Lösung, je nach getroffenem Bereich besser oder schlechter ausbreiten konnte. Um die Auswirkungen von Auskühlung

und pH-Verschiebung des Kulturmediums auf das Wachstumsverhalten der Zellen zu minimieren, wurde die Gesamtinjektionszeit pro Zellkulturschälchen auf 15 Minuten beschränkt.

Die Ergebnisse des Tests sind in Fig. 5 graphisch dargestellt. Es zeigte sich, daß die Injektion von Antisense-Oligonukleotiden und nachfolgende 22stündiger Inkubationszeit zu einem Verlust der Adhäsion bei ca. 70 % der Zellen zur Folge hatte. Da nur lebende Zellen am Deckglas haften bleiben, ist dieses Ergebnis mit einem Absterben von 70 % der Zellen gleichzusetzen. Die Injektion des sense- oder missense-Oligonukleotids führte lediglich bei jeweils 30 % der Zellen und die alleinige Injektion des Lösungsmittels (PBS) bei 10 % der Zellen zum Adhäsionsverlust.

## Beispiel 3

## Wirkung auf das Wachstum von J82-Zellen

Analog zu Beispiel 1 wurde die Wirkung der Oligonukleotide auf die humane Blasentumorzellinie J82 untersucht. Das thiolierte Antisense-Oligonukleotid führte in einer Konzentration von  $120~\mu\text{mol/l}$  nach 11~Tagen zu einer Abnahme des Sphäroiddurchmessers um 20~%, während der Sphäroiddurchmesser der Kontrolle im gleichen Zeitraum um etwa 30~% zunahm (Fig. 6).

## Patentansprüche

- Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid, dadurch gekennzeichnet, daß es in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert sowie dessen physiologisch verträglichen Salze.
- Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß seine Nukleotidsequenz zu der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 3. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach Anspruch 2, dadurch gekennzeichnet, daß seine Nukleotidsequenz zu dem Abschnitt von Position 197 bis 9962 der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 4. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 3, dadurch gekennzeichnet, daß es 12 bis 66 Nukleotide enthält.
- 5. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 4, dadurch gekennzeichnet, daß es 17 bis 46 Nukleotide enthält.
- 6. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 5, dadurch gekennzeichnet, daß es die Sequenz (5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT) aufweist.
- 7. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 6, dadurch gekennzeichnet, daß eine oder mehrere Phosphatgruppen durch Phosphothioat-, Methylphosphonat-, Phosphoramidat-, Methylen(methylimino)- und/oder Guanidingruppe(n) ausgetauscht sind.

- 8. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 7, dadurch gekennzeichnet, daß es eine terminale 3'-3'- und/oder 5'-5'-Internukleotidverknüpfung aufweist.
- 9. Arzneimittel, gekennzeichnet durch einen Gehalt an einem Oligoribo- und/oder Oligodesoxyribonukleotid, das in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder einem physiologisch verträglichen Salzes davon, neben üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen.
- 10. Arzneimittel gemäß Anspruch 9, dadurch gekennzeichnet, daß die Oligonukleotid-Menge so eingestellt ist, daß eine Applikation von 0,001 bis 100 mg/kg Körpergewicht erzielt wird.
- 11. Verwendung von Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotiden, die in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes davon zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen, Abwehrreaktionen nach Transplantationen.
- 12. Verwendung von Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotiden, die in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes davon zur Herstellung eines Arzneimittels zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen.

THIS PREE BLANK USPO

WO 99/61607 PCT/EP99/03451

#### 1/15

### Figur 1

Vollständige Nukleotidsequenz der cDNA des Proteins Ki-67 sowie die davon abgeleitete Aminosäuresequenz des Proteins

	CCG	GGC	GGA	GGI	GAG	CGC	GGC	GCC	GGC	TCC	TCC	TGC	<u> </u>	GGA	CTI	TGG	GTG	CGA	CIT	60
GAC	<u>G</u> AG	<u>cg</u>	TGG	TTC	GAC	:AAG	TGG	CCT	TGC	<u></u>	cce	GAT	CGI	ccc	AGI	'GGA	AGA	GTI	GTA	120
			[ -D	IRE	CT	REP	EAT	BO	X 1	- ]	[-[	IRE	CT	REP	EAT	BC	X 2	-1	TCA	180
ACT	TAC	TGT	TTA	GAA	LAAI	GTG	GCC	CAC	GAG	ACG	CCI	GGI	TAC	TAT	CAA	AAG	GAG	CGG	GGT	240
						W														15
																		_	•	
CGA	CGG	TCC	CCA	CTI	TCC	CCT	GAG	CCT	CAG	CAC	CTG	CTT	GTT	TGG	AAG	GGG	TAT	TGA	ATG	300
						L														35
_	_	_	_	_	_	_	_	_	_	_	_		-	_		_	-	-	•	33
TGA	CAT	ccs	יי ביי	יככז	CCT	mcc	тст	شاشد	יכדים	222	ACA	ACA	TTG	CAA	AAT	ידוב ז	3 2 7		TGA	360
D						P			-									H		55
U	_		-	¥	- 11	-	٧	٧	3		~	41	_		_	-	_	Д	E	23
CCN	~~ >					TAA			~~~	~		mcc					maa			
																				420
Q	E	A	I	Ĭ.	H	N	P	S	S	T	N	אַ	T.	Q	V	N	G	S	V	75
TAT	TGA					GCT												TTC	CTT	480
I	D	E	P	V	R	L	K	H	G	D	V	I	T	I	I	D	R	S	F	95
CAG	GTA	TGA	AAA	TGA	AAG	TCT	TCA	GAA	TGG	AAG	GAA	GTC	AAC	TGA	ATT	TCC	λAG	AAA	LAAT	540
R	Y	K	N	E	S	L	Q	N	G	R	K	S	T	E	F	P	R	K	I	115
ACG	TGA	ACA	GGA	GCC	:AGC	:ACG	TC	TGT	CTC	AAG	ATC	TAG	CTT	CTC	TTC	TGA	ccc	TGA	TGA	600
						R											P		E	135
••	-	×		•	•	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	••	•		•••	_	_	•	_	_	_	-	_	>	200
C3.3		mc		mm ~		.GGC	~~~	mm/		N 3 T		·TC 3	300		3 CT	~~~~				660
																				155
		Q				A													P	155
BEG	IN	OF	EXC	N 7	( )	XCL	UDE	D I	N T	HE	SHC	RT	TYP	'E C	DNA	·) -		·>		
						TGT														720
Q	V	H	I	K	N	v	K	E	D	S	T	A	D	D	S	K	D	S	V	175
TGC	TCA	GGG	AAC	AAC	TA	LTGT	TCA	TTC	CTC	AGA	ACA	TGC	TGG	ACG	TAA	TGG	CAG	AAA	TGC	780
A	Q	G	T	T	Я	V	H	S	S	E	H	A	G	R	H	G	R	N	A	195
AGC	TGA	TCC	CAT	TTC	TGG	GGA	TTI	TAA	AGA	AAI	TTC	CAG	CGI	TAA	ATT	AGT	GAG	CCG	TTA	840
A	D	P	I	S	G	D	F	ĸ	E	I	S	s	v	K	L	V	S	R	Y	215
TGG	AGA	ATT	GAA	GTC	TGI	TCC	CAC	TAC	ACA	ATG	TCI	TGA	CAA	TAG	CAA	AAA	AAA	TGA	ATC	900
						P														235
_	_	_		_	-	•	_	_	-	_	_		•	_				_	_	
TCC	СТТ	שייים	GAA	GCT	لا ملسلت	\TGA	GTC	AGT	'GAA	GAA	AGA	GTT	GGA	TGT	AAA	ATC	<b>ACA</b>	AAA	AGA	960
						E														255
-	•	**	77		•			•	**	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		-	_	•	•	•	~	•	_	
* * *	m~~	~~		-m				3.00	-	. y www	יא רי		~~ x	د مصل			303	~ × ×	AGA	1020
3.1		بذ	Q	I	_	R	<b>V</b> .	.5	G	. 44	Q	1	D	I	^	_	•	Λ.	-	275
N	٧							٠.												
																				1000
AAG	TGC																			1080
AAG	TGC					G G														1080 295
aag S	TGC A	D	G	L	Q	G	E	T	Q	L	L	V	S	R	ĸ	S	R	P	K	295
aag S	TGC A	D	G	L	Q	G	E	T	Q	L	L	V	S	R	ĸ	S	R	P	K	295
AAG S ATC	TGC A TGG	D TGG	G GAG	L CGG	Q 5CC2	G ACGC	E TG1	T CGC	Q AGA	recc T	L TGC	V TTC	S ACC	R TGA	K ACA	S Aga	R .GCT	P Tga	K	295 1140
AAG S ATC	TGC A TGG	D TGG	G GAG	L CGG	Q 5CC2	G ACGC	E TG1	T CGC	Q AGA	recc T	L TGC	V TTC	S ACC	R TGA	K ACA	S Aga	R .GCT	P Tga	K	295 1140
AAG S ATC S	TGC A TGG G	D TGG G	G GAG S	L CGG	Q ECC: H	G ACGC A	E TGI V	T CGGC A	Q Aga E	L GCC	L TGC A	V TTC S	S ACC P	R TGA E	K ACA Q	S Aga B	R .GCT L	P TGA D	K CCA Q	
AAG S ATC S	TGC A TGG G	D TGG G	G GAG S GAA	L G G	Q CCC H CAA	G ACGC A A	E TGT V	T CGGC A CGGA	Q AGA E	L GCC P	L TGC A	V TTC S	S ACC P	R TGA E CAG	K ACA Q CAA	S LAGA B LGGC	R GCT L TGT	TGA D	K CCA Q	295 1140 315 1200
AAG S ATC S	TGC A TGG G	D TGG G	G GAG S GAA	L G G	Q CCC H CAA	G ACGC A A	E TGT V	T CGGC A CGGA	Q AGA E	L GCC P	L TGC A	V TTC S	S ACC P	R TGA E CAG	K ACA Q CAA	S LAGA B LGGC	R GCT L TGT	TGA D	K CCA Q CCC	295 1140 315 1200
AAG S ATC S GAA	TGC A TGG G CAA K	D TGG G .GGG	G GAG S GAA K	E G G G G	Q H H SAAG R	G ACGC A AGA D	E V .CGI	T GGC A TGGA E	Q AGA E GTC S	L GCC P TGT V	L TGC A TCF	V S S AGAC T	S P TCC P	R TGA E CAG	K ACA Q CAA K	S LAGA B LGGC A	R GCT L TGT V	P TGA D GGG	K Q CGC A	295 1140 315 1200

THIS PACE BLANK USPO

### Figur l (Fortsetzung)

AAA'	LLC.	ICC.	ACA	AAA	ACA	AAT	GAA	CAA	AGA	CCT	STA	TAC	rac	TGG					TGT	1320
N	S	P	Q	ĸ	H	K	N	K	D	L	Y	T	T	G	R	R	E	s	V	375
GAA'	TCT	GGG	AAT	AAG	TGA	AGG	CTT	CAA	GGC	TGG:	rga	TAA	AAC	TCT	TAC	TCC	CAG	GAA	GCT	1380
N		G	K	s	E	G	F	K	A	G	D	K	T	L		P		K		395
TTC.	AAC!	TAG	AAA	TCG	AAC	ACC	AGC	TAA	AGT	TGA	AGA	TGC.	AGC	TGA	CTC	TGC	CAC	TAA	GCC	1440
S	T	R	N	R	T	P	A	K	V	E	D	A	A	D	S	A	T	ĸ	P	415
AGA	AAA'	TCT	CTC	TTC	CAA	AAC	CAG	AGG	AAG	TAT	rcc	TAC	AGA	TGT	GGA	AGT	TCT	GCC	TAC	1500
E	N	L	s	S	ĸ	T	R	G	s	I	P	T	D	V	E	v	L	P	T	435
GGA	AAC'	TGA	AAT	TCA	CAA	TGA	GCC.	ATT	TTT	'AAC'	TCT	GTG	GCT	CAC	TCA	AGT	TGA	GAG	GAA	1560
E		Ē			N							W				V		R	K	455
GAT	CCA	AAA	GGA	TTC	CCT	CAG	CAA	GCC	TGA	GAA	ATT	GGG	CAC	TAC	AGC	TGG	ACA	GAT	GTG	1620
I	Q		D	s	L	s	K	P	E	ĸ	L	G	T	T	A	G	Q	M	С	475
CTC	TGG	GTT	ACC	TGG	TCT	TAG'	TTC	AGT	TGA	TAT	CAA	CAA	CTT	TGG	TGA	TTC	CAT	TAA	TGA	1680
s	G		P	G	L	S	S	v	D	I	N	N	F	G	D	S	I	N	E	495
												END								
				ACC	TTT	GAA	AAG	AAG	GCG	TGT	GTC	CTT	TGG	TGG	GCA	CCT	AAG	ACC	TGA E	1740 515
s	E	G	I	P	L	K	_R 	_ K	. K	V J N	ם ווכד.	FAR.	TA	RGE	TTN	6 S	R EOU	ENC	E	515
ACT	איידי ב	TCZ	TCA		ידישי	اور در. آ ب	TCC	TAA	TAC	GCC	TCT	CAA	AAG	GGG	AGA	AGC	CCC	AAC	CAA	1800
	F			N	L	P	P	N	T	P	L	K	R	G	E	A	P	T	ĸ	535
AAG	AAA	GTC	TCI	GGT	AAT	GCA	CAC	TCC	ACC	TGT	CCT	GAA	GAA	AAT	CAT	CAA	.GGA	ACA	.GCC	1860
R	K	S	L	V	M	H	T	P	P	v	L	K	K	I	I	K		Q		555
Γ-		BIP	ARI	TITE	: NU	CLE	AR	TAR	GET	ING	SE	QUE	NCE		1					
										AGA										1920
_					Q					E	_	H						_	S	575
CTT	GGT	TAT	AAG	ccc	TCC	AGC	TCC	TAG	TCC	TAG	GAA	AAC	TCC	AGT	TGC	CAG	TGA	TCA	ACG	1980
	V				P			s	P	R	K	T	P	V.	A	s		Q	R	595
CCG	TAG	GTC	CTG	CAP	LAAC	AGC	ccc	TGC	TTC	CAG	CAG	CAA	ATC	TCA	GAC	AGA	GGT	TCC	TAA	2040
R				ĸ	T	A	P	A	S	S	S	K	S	Q	T		V			615
GAG	AGG	AGG	AGA	AA	AGI	'GGC	AAC	CTG	CCI	TCA	AAA	GAG	AGT	GTC	TAI	CAG	CCG	AAG	TCA	2100
R		G	E	R	V	A	T	C	L	Q	K	R	V	S		s			Q	635
ACA	TGA	TAT	TTI	CAC	GAT	GAT	ATG	TTC	CAA	AAAG	AAG	AAG	TGG	TGC	TTC	GGA	AGC	AAA	TCT	2160
H		I	L	Q	M	I	С	s	K	R	R	S	G	A	S	E	A	N	L	655
GAT	TGT	TGC	AA:	LATO	CATO	GGC	AGA	TGI	AGI	AAA1	ACI	TGG	TGC	AAA	ACA	AAC	ACA	AAC	TAA	2220
I	V		K	s	W	A	<b>D</b> .	, <b>v</b>	V	K	L	G	A	K	Q	T	Q	T	K	675
AGI	CAT	'AA	ACI	ATG(	FTCC	TCA	AAG	GTO	CAAS	rgaa	CAA	LAAG	GCA	AAG	AAG	ACC	TGC	TAC	TCC	2280
v		K	H	G	P	Q	R	Š	M	n Ence	K	R	Q	R	R		A		P	695
AAA	GAA	GCC	TG	rgg	GCG?	LAGI	TCA	CAC	STC	LATI	TÃ	TAC	AGG	CCA	ČGC	AAA:	CTC	TCC	TTG	2340
K	K	P	v	G	E	v	H	s	0	F	s	T	G	H	A	N	S	P	С	715

THIS PACE BLANK (USPIC)

### Figur 1 (Fortsetzung)

TAC	CAT	AAT	AAI	'AGG	GAA	AGC	TCA	TAC	TGA:	AAA	AGI	'ACA	TGT	GCC	TGC	TCG	ACC	CTA	CAG	2400
T	I	I	I	G	K	A	H	T	E	K	V	H.	. V	P	A	R	P	Y	R	735
AGI	GCT	CAA	CAA	CTT	CAT	TTC	CAA	CCA	AAA	AAT	GGA	CTT	TAA	GGA	AGE	TOT	كىلىك	, y G C	AAT	2460
V	L	N	N	F	I	S	N	0	ĸ	M	ם	F	ĸ	K	D			G	I	755
															_	_	_		_	,,,
AGC	TGA	AAT	GTT	CAA	GAC	CCC	AGT	'GAA	<b>LGGA</b>	GCA	ACC	GCA	GTT	GAC	AAG	CAC	ATG	TCA	CAT	2520
A	E	M	F	K	T	P	V	K	E	Q	P	Q	L	T	S	T	С	H	I	775
CGC	TAT	TTC	AAA	TTC	AGA	GAA	TTI	GCI	TGG	AAA	ACA	GTI	TCA	AGG	AAC	TGA	TTC	AGG	AGA	2580
A	I	S	N	s	E	N	L	L	G	K	Q	F	Q	G	T	D	S	G		795
AGA	ACC	TCT	GCT	ccc	CAC	CTC	AGA	GAG	TTI	TGG	AGG	AAA	TGT	GTT	CTI	CAG	тсс	202	.GAA	2640
E	P	L	L	P	T	s	E	S	F	G	G	N	v	F	F	s	A	0		815
	В	EGI	N O	FI	HE	LAR	GE	EXC	N 1	3 [		_>		_	-	_		-	••	
TGC	AGC	AAA	ACA	GCC	ATC	TGA	TAA	ATG	CTC	TGĊ	AAG	ccc	TCC	CTT	AAG	ACG	GCA	GTG	TAT	2700
A	A	K	Q	P	S	D	K	C	S	A	s	P	P	L	R	R	Q	c	I	835
TAG	AGA	A A A	TGG		CGT	י א כר כי	222	. 3.3.0	.ccc	.c.v.c	CAA	CAC	בידים'	C 3 3	337	.c.s.c	<del></del>	<b>₩</b>	'GGA	2760
R	E	N	G	N	v	A	- X	T	P	R	N	T	v	K	~~;	T		L		855
																			_	655
GAC	AAA	AAC	TTC	AGA	TAC	TGA	GAC	AGA	GCC	TTC	AAA	AAC	AGT	ATC	CAC	TGT	AAA	CAG	GTC	2320
T	K	T	S	D	T	E	T	E	P	S	K	T	V	S	T	V	N	R	s	875
AGG	AAG	GTC	TAC	AGA	GTI	CAG	GAA	TAT	'ACA	GAA	GCT	'ACC	TGT	GGA	AAG	TAA	GAG	TGA	AGA	2880
	R												v		s		s	E	E	895
AAC	AAA	TAC	AGA	AAT	TGI	TGA	GTG	CAT	CCI	AAA	AAG	AGG	TCA	GAA	GGC	AAC	ACT	ACT	ACA	2940
																T		L		915
													_						-	
ACA	AAG	GAG	AGA	AGG	AGA	GAT	'GAA	.GGA	AAT	'AGA	AAG	ACC	TII	TGA	GAC	ATA	AAT	GGA	AAA	3000
Q	R	R	E	G	E	М	K	5	I	E	R	P	F	E	T	Y	K	E	Я	935
TAT	TGA	ATT	AAA	AGA	AAA	CGA	TGA	AAA	GAT	GAA	AGC	AAT	GAA	GAG.	ATC	AAG	AAC	TTG	GGG	3060
														R		R		W		955
GC 3	cas.	ATG	TGC	1	337	-راستار	TY2 3		cac	161	CCT	~ a a	cac			TGA	T 2 C		<b>1</b> C T	3120
																D		AGA E		975
																				313
CAI	'GAA	AGA	CAC	GGC	ACG	TGG	CCA	GAA	TCT	CCT	CCA	AAC	CCA	AGA	TCA	TGC	CAA	GGC	ACC	3180
Н	K	D	T	A	R	G	Q	N	L	L	Q	T	Q	D	H	A	K	A	P	995
AAA	GAG	TGA	GAA	AGG	CAA	AAT	CAC	TAA	AAT	GCC	CTG	CCA	GTC	ATT	ACA	ACC	AGA	ACC	AAT	3240
K	S	E	K	G	K	I	T	K	М	P	C	0	s	L	0	P	E	P	I	1015
				[-		> B	EGI	N C	F	кi-	67	REP	EAT	• N	° 1		>	_	_	
AAA	CAC	ccc	AAC	ACA	CAC	AAA	ACA	ACA	GTT	GAA	GGC	ATC	CCT	GGG	GAĀ	AGT	AGG	TGT	GAA	3300
N	T	P	T	H	T	K	Q	Q	L	x	A	s	L			V				1035
AGA	AGA	GCT	CCT	AGC	AGT	'CGG	CAA	GTI	CAC	ACG	GAC	GTC	AGG	GGA	GAC	CAC	GCA	CAC	GCA	3360
													G		T		H	T	H	1055
CAG	AGA	.GCC	AGC	AGG	AGA	TGG	CAA	GAG	CAI	CAG	AAC	GTT	TAA	GGA	GTC	TCC	AAA	GCA	GAT	3420
																				1075

THIS PAGE BLANK USPIO

# Figur 1 (Fortsetzung)

										GAA										3480
L	D	P	A	A	R	V	T	G	H	K	K	W	P	R	T	P	K	E	E	1095
					:								1-							
GGC	CCA	STC.	ACT	AGA	AGA	CCT	GGC'	rgg	CTT	CAA	AGAC	CTC	TT	CCA	SAC	ACC	AGG	TCC	CTC	3540
A		~	T.	*	D	T.	_ A	-G	7	ĸ	F.	τ.	*	0	T	Þ	G	Ð	5	1115
	Ψ,	- <del>-</del>		20			ວີ,	•	•	•	_	-	•	*	-	-	,	-	-	
	<del></del>	K1	-6/	MU	TIF	N											1			
TGA	GGA	ATC	AAT	GAC	TGA	TGA	GAA	AAC	TAC	CAA	AAT	*GCC	T.C	CAA	ATC	rcc	ACC	ACC.	AGA	3600
E	E	S	M	T	D	E	K	T	T	K	I	A	С	K	S	P	₽	₽	E	1135
						[-	:	> B	EGI	N O	P "1	Ki-(	57 1	REPI	EAT	" N	° 2		>	
ATC.	AGT	GGA	CAC'	TCC	AAC.	AÀG	CAC	AAA	GCA	ATG	GCC:	CAAC	GAG	AAG:	CT	CAG	GAA	AGC.	AGA	3660
														S						1155
3	•		•	-	•	_	•	•	~	••	-	••	••	_	_	••	••	•	-	1100
TGT.																				3720
V	E	E	E	F	L	A	L	R	K	L	T	P	S	A	G	K	A	M	L	1175
TAC	GCC	CAA	ACC.	AGC	AGG.	AGG	TGA	ΤGA	GAA	AGA	CAT	LAAI	AGC.	ATT:	TAT	GGG	AAC	TCC	AGT	3780
T																				1195
•	-	••	-	^	•	•	_	-	••	_	-	••		•		•	-	-	•	
																				2010
GCA																				3840
Q	K	L	D	L	A	G	T	L	₽	G	S	K	R	Q	L	Q	T	P	X	1215
															1-					
GGA		ccr	CCA	ccc	TOT	AGA	AGA	CCT	GGC	TGG	سلسلت	TAA	AGA	GCT						3900
														L						1235
£	K	A	Q	А	بد	· -		سـ	_^	0	_ F	Α.	_	-	£	Q	+	-		1235
TCA																				3960
H	T	Ε	E	L	V	A	A	G	K	T	T	K	I	P	C	D	S	₽	Q	1255
								ſ <b>-</b>		> B	EGI	N O	P "	Ki-	67	REP	EAT	" N	° 3	
GTC	363		267	CCA	CAC		220	226	CAC	444	GCA	ACG	ACC	CAA	GAG	AAG	TAT	CAG	622	4020
														K						1275
			v	ט	-	_	7	3	_		¥	K	-			3	-	K	ν.	12/5
AGC	AGA	TGT	AGA	GGG	AGA	ACT	CTT	AGC	GTG	CAG	GAA	TCT.	AAT	GCC.	ATC	AGC	AGG	CAA	AGC	4080
_																•			*	
A	D	V	E	G	E	L	L	A	C	R	N	L	м	₽	5	A	G	K	~	1295
A	D	V	E	G	E	L	L	A	С	R	N	L	М	₽	S	A	G	ĸ	^	1295
CAT	GCA	CAC	GCC	TAA	ACC	ATC	AGT	AGG	TGA	AGA	.GAA	AGA	CAT	CAT	CAT	ATT	TGI	'GGG	AAC	4140
CAT	GCA	CAC	GCC	TAA	ACC	ATC	AGT	AGG	TGA	AGA	.GAA	AGA	CAT		CAT	ATT	TGI	'GGG	AAC	
CAT M	GCA H	CAC	GCC P	TAA K	ACC P	ATC S	AGT V	'AGG G	TGA E	aga E	GAA K	AGA(	CAT I	CAT	CAT I	ATT F	TGI V	eee G	AAC T	1315
CAT	GCA H	CAC T	GCC P	TAA K ACI	ACC P :GGA	ATC S	AGT V GAC	AGG G AGA	TGA E	AGA E	GAA K 'AAC	AGA D CGG	CAT I CAG	CAT	CAT I GAG	ATT F	TGI V GCC	GGG G ACA	2AC T	4140 1315
CAT	GCA H	CAC T	GCC P	TAA K ACI	ACC P :GGA	ATC S	AGT V GAC	AGG G AGA	TGA E	AGA E	GAA K 'AAC	AGA D CGG	CAT I CAG	CAT	CAT I GAG	ATT F	TGI V GCC	GGG G ACA	2AC T	4140
CAT	GCA H	CAC T	GCC P	TAA K ACI	ACC P :GGA	ATC S	AGT V GAC	AGG G AGA	TGA E	AGA E	GAA K 'AAC	AGA D CGG	CAT I CAG	CAT	CAT I GAG	ATT F	TGI V GCC	GGG G ACA Q	AAC T AAC T	4140 1315 4200
CAT M TCC P	GCA H :AGT V	CAC T GCA Q	GCC P .GAA K	TAA K ACI L	ACC P TGGA D	ATC S .CCT L	AGT V GAC	AGG G AGA E	TGA E .GAA N	AGA E CTI L	GAA K 'AAC T	AGA D CGG G	CAT I CAG S	CAT I CAA K	CAT I GAG R	ATT F ACG R	TGT V GCC P	GGG G ACA Q	AAC T AAC T	4140 1315 4200 1335
CAT M TCC P	GCA H AGT V	CAC T GCA Q	GCC P .GAA K	TAA K ACI L	ACC P TGGA D	ATC S CCT L	AGT V GAC T	AGA AGA E	TGA E .GAA N	AGA E .CTT L	GAA K 'AAC T	AGA D CGG G	CAT I CAG S	CATO	CAT I GAG R	ATT F ACG R	TGT V GCC P [-	GGG G ACA Q	AAC T AAC T	4140 1315 4200 1335 4260
CAT M TCC P	GCA H AGT V	CAC T GCA Q Q	GCC P .GAA K AGA	TAA K ACI L	ACC P :GGA D :CCA	ATC S .CCT L	AGT V GAC T	AGG AGA E GGA	TGA E .GAA N .AGA	AGA E CTT L	GAA K AAC T GAC	AGA D CGG G TGG	CAT I CAG S CTT	CAT I CAA K TAA	CAT I GAG R AGA	ATT F ACG R .GCT	TGT V GCC P [-	GGG G ACA Q CCA	AAC T AAC T CAC	4140 1315 4200 1335 4260
TCC P	GCA H AGT V TAA K	GCA Q Q GGA E	GCC P .GAA K .AGA	TAA K ACT L	ACC P TGGA D CCCA	ATC S .CCT L .GGC	AGT V GAC T TCT	AGG AGA E 'GGA E:i-6	TGA E .GAA N .AGA	AGA E CTT L CCT L	GAA K AAC T GAC T	AGA D CGG G TGG	CAT CAG S CTT	CAT I CAA K TAA K	GAG R AGA	ATT F ACG R GCT	TGT V GCC P [-	GGG G :ACA Q Q CCA	AAC T AAC T GAC	4140 1315 4200 1335 4260 1355
TCC P	GCA H AGT V TAA K	CAC T GCA Q GGA E	GCC P GAA K AGA E	TAA K ACI L .GGC	ACC P :GGA D :CCA Q	ATC S .CCT L .GGC	GACT TCT L KAGT	AGG AGA E GGA	TGA E .GAA N .AGA D .TGO	AGA E CTT L CCT L OTI	GAA X AAC T GAC T	AGA D CGG G TGG N° :	CAT CAG S CTT F TAC	CAT I CAA K TAA K	GAG R AGA E 	ATT F ACG R GCT	TGT V GCC P [-	GGG G ACA Q Q Q	AAC T AAC T CAC T	4140 1315 4200 1335 4260 1355
TCC P	GCA H AGT V TAA K	CAC T GCA Q GGA E	GCC P GAA K AGA E	TAA K ACI L .GGC	ACC P :GGA D :CCA Q	ATC S .CCT L .GGC	GACT TCT L KAGT	AGG AGA E GGA	TGA E .GAA N .AGA D .TGO	AGA E CTT L CCT L OTI	GAA X AAC T GAC T	AGA D CGG G TGG N° :	CAT CAG S CTT F TAC	CAT I CAA K TAA K	GAG R AGA E 	ATT F ACG R GCT	TGT V GCC P [-	GGG G ACA Q Q Q	AAC T AAC T CAC T	4140 1315 4200 1335 4260 1355
TCC P	GCA H AGT V TAA K	CAC T GCA Q GGA E	GCC P GAA K AGA E	TAA K ACI L .GGC	ACC P :GGA D :CCA Q	ATC S .CCT L .GGC	GACT TCT L KAGT	AGG AGA E GGA	TGA E .GAA N .AGA D .TGO	AGA E CTT L CCT L OTI	GAA X AAC T GAC T	AGA D CGG G TGG N° :	CAT CAG S CTT F TAC	CAT I CAA K TAA K	GAG R AGA E 	ATT F ACG R GCT	TGT V GCC P [-	GGG G ACA Q Q Q	AAC T AAC T CAC T	4140 1315 4200 1335 4260 1355
TCC P	GCA H AGT V TAA K TGG G	GCA Q Q GGA E TCA	GCC P .GAA K .AGA E	TAA K ACT L .GGC A	GGA D CCA Q AAGA	ATC S .CCT L .GGC	AGT V T TCT L K K K K	AGG AGA E EGGA Si-6	TGA E GAA N AGA D 7 M	AGA E TTO. L CCT L OTI G G	GAA T GAC T CAA	AGA D CGG G TGG NO :	CAT CAG S CTT F 3 - TAC T EGI	CAT I CAA K TAA K TAA K	GAG R AGA E AAT AAT	ACG R GCT L GCC P	TGT V GCC P CTT	GGG G ACA Q CCA Q CGA E	AAC T AAC T GAC T ATC S	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375
TCC P CCC P TTC	GCA H AGT V TAA K TGG G	GCA GCA Q GGA E TCA	GCC P .GAA K .AGA .TAC	TAA K ACT L GGC A TGA	ACC P CGA D CCA Q LAGA	ATC S .CCT L .GGC A .AGC	GACTON TO THE COLUMN TO THE CO	AGA AGA E AGG A	TGA E AGA D TGC A CAAC	AGA E L CTT L CTT CTG G G G CAAG	GAAC T T CAAC T CAA K	AGA D CGG G TGG N° : AAC > B	CAT CAG S CTT F TAC TAC EGI	CAT CAA K TAA K TAA K N O	GAG R AGA E AAT F GCC	ATT ACG R GCT GCC P Ki-	TGT V GCC P CTT CTG	GGG G ACA Q CCA Q CGA E REF	AAC T AAC T GAC T ATC S EAT	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375
TCC P CCC P TTC	AGT V TAA K TGG G	GGA GGA E TCA TCA	GCC P GAA K AGA E TAC T	TAA K ACT L GGC A TGA	ACC P CGA D CCA Q LAGA	ATC S .CCT L .GGC A .AGC A	FGAC T TCT L SAGT V	AGA AGA E AGG A	TGA E AGA D TGC A CAAC	AGA E L CTT L CTT CTG G G G CAAG	GAAC T T CAAC T CAA K	AGA D CGG G TGG N° : AAC > B	CAT CAG S CTT F TAC TAC EGI	CAT CAA K TAA K TAA K N O	GAG R AGA E AAT F GCC	ATT ACG R GCT GCC P Ki-	TGT V GCC P CTT CTG	GGG G ACA Q CCA Q CGA E REF	AAC T AAC T GAC T ATC S	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375
CAT M TCC P TCC P TTCC S N°	EGCA H EAGT V ETAA K ETGG G F]	GCA Q GGA E TCA H	GCC P GAA K AGA E TAC TAC	TAA  K ACT L GGGC A TGI	ACC P CGA Q CCA Q AAGA E	ATC S .CCT L .GGC A .AGC	FAGT TOT L. SK EAGT V. CAC	AGA E EGA EGGA CGGC A	TGA E AGAA D TGC A	AGA E CTT L CCT L CTG G G I- CAAG	GAA K T GAC T CAA K CAC	AGA D CGG G G NO : AAC T > B AAG R	CAT CAG S CTT F GIAC T EGIAAG R	CAT I CAA K TAA K N O	CAT I GAG R AGA E AAT M GCC P	ATT F ACG R GCT F CCAA K	TGT  GCC  F  CTG  CTG  CTG  CTG	GGG G ACA Q CCA Q CGA E REF	AAC T AAC T ATC S EAT TTT	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395
CAT M TCC P TCC P TTCC S N°	EGCA H EAGT V ETAA K ETGG G F]	GCA Q GGA E TCA H	GCC P GAA K AGA E TAC TAC	TAA  K ACT L GGGC A TGI	ACC P CGA Q CCA Q AAGA E	ATC S .CCT L .GGC A .AGC	FAGT TOT L. SK EAGT V. CAC	AGA E EGA EGGA CGGC A	TGA E AGAA D TGC A	AGA E CTT L CCT L CTG G G I- CAAG	GAA K T GAC T CAA K CAC	AGA D CGG G G NO : AAC T > B AAG R	CAT CAG S CTT F GIAC T EGIAAG R	CAT I CAA K TAA K N O	CAT I GAG R AGA E AAT M GCC P	ATT F ACG R GCT F CCAA K	TGT  GCC  F  CTG  CTG  CTG  CTG	GGG G ACA Q CCA Q CGA E REF	AAC T AAC T GAC T ATC S EAT	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395
CAT M TCC P TCC P TTC	EGCA H EAGT V ETAA K TGG F G G 4 -	CAC T GCA Q GGA E TCA H ACC	GCC P GAA K AGA E TAC T	TAA  K  ACT L  GGCC A  TGJ	ACC P CGA Q AAGA E	ATC S CCT L GGC A LAGC A LAGC A	FAGT TOT L. SK EAGT V	AGG G AGA E CGGC A CCCC P	TGAAACAT	AGA E L L L L OTI E G I - CAAG	GAAC T T CAAC T CCAA K	AGA D CGG G TGG NO : AAC T > B AAG R	CAT CAG S CTT F TAC CAG AAG R	CAT I CAA K TAA K ITAA K N O GCA	CAT GAG R AGA E AAT F GCC P CAC	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki-	TGT V GCC P [- CTG C 67 .GAC	GGG G SACA Q CCA Q CGA E REF	AAC T GAC T ATC S EAT L	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395
CAT M TCC P TCC P TTC	EGCA H EAGT V ETAA K TGG F G G 4 -	CAC T GCA Q GGA E TCA H ACC	GCC P GAA K AGA E TAC T	TAA  K  ACT L  GGCC A  TGJ	ACC P CGA Q AAGA E	ATC S CCT L GGC A LAGC A	FAGT TOT L. SK EAGT V	AGG G AGA E CGGC A CCCC P	TGAAACAT	AGA E L L L L OTI E G I - CAAG	GAAC T T CAAC T CCAA K	AGA D CGG G TGG NO : AAC T > B AAG R	CAT CAG S CTT F TAC CAG AAG R	CAT I CAA K TAA K ITAA K N O GCA	CAT GAG R AGA E AAT F GCC P CAC	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki-	TGT V GCC P [- CTG C 67 .GAC	GGG G SACA Q CCA Q CGA E REF	AAC T AAC T ATC S EAT TTT	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395
TCC P TCC P TCC P TTC	GCA H AGT V TAA K TGG G CTCC P 4 -AGAA K	CAC T GCA Q GGA E TCA H	GCC P GAA K AGA E TAC T CAGA E SGGA	TAA K ACI L GGGC A TGA E S	ACC P PGGA D CCA Q AAGA E AAGA A	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT V GAC T TCT L SACA V ACAC T	AGA E CGGA E CCCC A	E GAA N D TTGC A LAGA T T CCTC S	AGA E CTT L CCT L OTI TTGG G [- LAAG S LAAG A	GAA K AAC T GAC T CAA K CAC T	AGA D CGG G TGG K AAC T AAG R	CAT I CAG S CTT F AAC T EGI AAC R GAA	CATI CAAN K TAAN K N O GCAN Q GCT L	GAG R AGA E AAT M F GCC P	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki-	TGT V GCC P [	CCA Q CCA Q CCA E REF CACO P	AAC T GAC T ATC EAT L	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415
TCC P TCC P TCC P TTC S NO GGA	GCA H V TAA K TGG G I TCC Y AAAC	CAC T GCA Q GGA E TCA H	GCC P GAA K AGA E TAC T CAGA E	TAA K ACI L GGGC A TGA S CGI	ACC P  PGGA D  CCA Q  LAGA E  LAGA A  CACA A  CACA CACA CACA CACA CA	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT T TCT L SAGT V ACAC E ACAG	AGG AGA E GGA E GGGA C C C C C C C C C C C C C C C C C	TGAAN N AGAA D TTGC A A CCTC S	AGA E CTT L CCT L SOTI	GAA K AAC T GAC T CAA K CCAC T	AGAI D CGGG G TGG NO : AAC T B AAG R GAA	CAT I CAG S CTT F F TAC T EGIAAG R GAA	CAT I CAA K TAA K TAA K O GCA O GCT L	CAT GAG R AGA E AAT H GCC P CAC	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki- CAA	TGT V GCC P [	GGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	AAC T GAC T ATC SATT L GAG G TAG	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415
TCC P TCC P TCC P TTC S NO GGA	GCA H V TAA K TGG G I TCC Y AAAC	CAC T GCA Q GGA E TCA H	GCC P GAA K AGA E TAC T CAGA E	TAA K ACI L GGGC A TGA S CGI	ACC P  PGGA D  CCA Q  LAGA E  LAGA A  CACA A  CACA CACA CACA CACA CA	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT T TCT L SAGT V ACAC E ACAG	AGG AGA E GGA E GGGA C C C C C C C C C C C C C C C C C	TGAAN N AGAA D TTGC A A CCTC S	AGA E CTT L CCT L SOTI	GAA K AAC T GAC T CAA K CCAC T	AGAI D CGGG G TGG NO : AAC T B AAG R GAA	CAT I CAG S CTT F F TAC T EGIAAG R GAA	CAT I CAA K TAA K TAA K O GCA O GCT L	CAT GAG R AGA E AAT H GCC P CAC	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki- CAA	TGT V GCC P [	GGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	AAC T GAC T ATC EAT L	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415
TCC P CCC P	GCA H AGT V TAA K TTGG G P 4 AGAA K	GGAC  GGAC  GGAC  TCAC  R  CCAC	GCC P GAA K AGA E TAC T CAGA CACA	TAA K ACT L GGC A TTGA E ACGT V	CCCA  CCCA	ATC S CCT L GGC A A AGA A AGA K X ATAM	AGT  TGAC  TGAC  TGAC  TGAC  AGGA  LGGA  LGGA  V	AGG AGA E GGG A CCCC P	TGA E GAA D 77 H TTGC A EAAC T	AGA E CTT L CCT L COTI CTG G G CAGG S CAGG G G G G G G G G G G G G G G G G G	GAA K AAC T GAC T CAA K CAC T	AGAI  CGG  GG  TGG  AAC  T BAG  AAG  R  GAA  GGAA	CAT I CAG S CTT F 3 - TAC T EGI AAG R GAA K	CAT I CAA K TAA K N O GCA Q GCT L AAG	GAGA E AAT H F GCC P CAT I	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki-	TGT V GCC P [- CTT F CTG C 67 .GAC T	CGGG CCCA QCCGA EREF CACC PCATC	AAC T GAC T AGG TAG	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TCC P CCC P	GCA H AGT V TAA K TTGG G P 4 AGAA K	GGAC  GGAC  GGAC  TCAC  R  CCAC	GCC P GAA K AGA E TAC T CAGA CACA	TAA K ACT L GGC A TTGA E ACGT V	CCCA  CCCA	ATC S CCT L GGC A A AGA A AGA K X ATAM	AGT  TGAC  TGAC  TGAC  TGAC  AGGA  LGGA  LGGA  V	AGG AGA E GGG A CCCC P	TGA E GAA D 77 H TTGC A EAAC T	AGA E CTT L CCT L COTI CTG G G CAGG S CAGG G G G G G G G G G G G G G G G G G	GAA K AAC T GAC T CAA K CAC T	AGAI  CGG  GG  TGG  AAC  T BAG  AAG  R  GAA  GGAA	CAT I CAG S CTT F 3 - TAC T EGI AAG R GAA K	CAT I CAA K TAA K N O GCA Q GCT L AAG	GAGA E AAT H F GCC P CAT I	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki-	TGT V GCC P [- CTT F CTG C 67 .GAC T	CGGG CCCA QCCGA EREF CACC PCATC	AAC T GAC T AGG TAG	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TCC P CCC P	GCA H AGT V TAA TTGG P 1TCC P 4	CAC T GCA Q GGA E TCA H ACC P AAC R CCAC	GCC P GAA K AGA E TAC T SGGA D CACA	TAA K ACT L GGGC A TTGA LATC S LCGT V	LACC P CGGA D CCCA CCCA CCCA LAGA E LAGA LAGA LAGA LAGA A A A A A A A A A A	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT V GAC T TCT L SAGT V AGGA V AGGA V	AGG AGA E GGA CCCC ACCC P	TGA E GAA N LAGA D T T CCTC S CAGG	AGA E CTT L CCT L COTI CTG G G CAGG G CAGG CAGG CAGG CAGG CAGG	GAA K AAC T GAC T CAA K CAC T CCT T	AGAI  CGG  TGG  TGG  AAC  T BAG  AAG  R  GAA  GGAA  TGT	CAT I CAG S CTT F TAC T EGI AAG R GAA TAA	CAT I CAA K TAA K N O GCA Q GCT L AAG S	GAGA  AGA  AAT  FCO  TAG	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki-	TGT V GCC P CTT F CCC 67 .GAC T	CGGG CACA Q CCCA	AAC T AAC T ATC SEAT L AGG	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435 4560
TCC P CCC P	GCA H AGT V TAA TTGG P 1TCC P 4	CAC T GCA Q GGA E TCA H ACC P AAC R CCAC	GCC P GAA K AGA E TAC T SGGA D CACA	TAA K ACT L GGGC A TTGA LATC S LCGT V	LACC P CGGA D CCCA CCCA CCCA LAGA E LAGA LAGA LAGA LAGA A A A A A A A A A A	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT V GAC T TCT L SAGT V AGGA V AGGA V	AGG AGA E GGA CCCC ACCC P	TGA E GAA N LAGA D T T CCTC S CAGG	AGA E CTT L CCT L COTI CTG G G CAGG G CAGG CAGG CAGG CAGG CAGG	GAA K AAC T GAC T CAA K CAC T CCT T	AGAI  CGG  TGG  TGG  AAC  T BAG  AAG  R  GAA  GGAA  TGT	CAT I CAG S CTT F TAC T EGI AAG R GAA TAA	CAT I CAA K TAA K N O GCA Q GCT L AAG S	GAGA  AGA  AAT  FCO  TAG	ATT F ACG R GCT L GCC P Ki-	TGT V GCC P CTT F CCC 67 .GAC T	CGGG CACA Q CCCA	AAC T	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435 4560
TCC P CCC P	GCA H AGT V TAA TGG G TCC P 4 AGAA K	GGAC  GGAC  E  TCA  A  CCAC  T  CTGC	GCC P GAA K AGA E TAC T CACA H	TAA K ACT L GGGC A TGA KATC S ACGT V ACAC	AGAX	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT V TGAC T L SAGT V AGGA T AGGA V	AGG AGA E GGG A CCC P AGCI TACC P	TGA  R AGA  T CTC S CAGC G CAGC A	AGA E CTT L CCT L COTI CTGG G G CAGG A CAGG A	GAA K AAC T GAC T CAA K CAC T CCT L	AGAI  CGG  GG  TGG  NO  TAAC  TAAC  AAC  R  GAA  K  GGA  TGT  TGT  V	CAT I CAG S CTT F TAC TEGIAAG R GAA TAA TAA TAA TAA	CAT I CAA K TAA K N O GCA Q GCT L AAG S TTGG	GAGA E AAT HE GO TO CAT TAG	ATT F ACG R GCT F GCC P Ki- CAA CCAA N GCAA K	TGT V GCC P [- CTI CC 67 .GAC T .CGC A	GGGG G CCA C C C C C C C C C C C C C C C	AAC T AAC T ATC EAT T A G G T A G C C P -	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TCC P CCC P CCC S NO GGA E GGA E GGA	GCA H AGT V TAA T TGG P 4 AGAA K AAAC T AAAAC T	CAC T GCA Q GGA E TCA R CCAC T CTGC	GCC P GAA K AGA E TT CACA H CACA K	TAA K ACT L GGGC ACAC S ACGT V ACAC	LACC P CGGA D CCCA Q LAGA E LAGA E LAGA A LAGA A LAGA A A A A A A A A A A	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT V AGGA V AGGA V AGGA V AGGA AGGA AGG	AGG AGA E GGG A CCC P AGCI ACC P	TGA N AGA T T CCTC S CAGC G CAGC A CAGC CAGC CAGC CAGC CA	AGA E CTT L CCT L COTI CTGG G G CAGG A AAGA AAGA	GAA K AAC T GAC T CAA K CAC T CCT L GTGA E	AGA' D CGG G TGG N AC T AAC T AAC T T T T T T T T T T T T	CAT I CAG S CTT F TAC TEGIAAG R GAA TAA TAA TGG	CATE I CAA K TAA K NO GCA GCT L AAG S CTGG	GAGA BAT AAT AAT AAT AAT AAT AAT AAT AAT AA	ATT F ACG R GCT F GCC P Ki- CAA CAA CCAA X CAA X AAGA	TGT V GCC P [- CTT CTG 67 .GAC T .CGC A .GAC R .GAC	GGGG G CCA CCCA CCCA CCCA CCCA CCCA CCC	AAC T AAC T ATC EAT T A G G T A G C C C C C A C C C C C C C C C C C C	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435 4560 1455
TCC P CCC P CCC S NO GGA E GGA E GGA	GCA H AGT V TAA T TGG P 4 AGAA K AAAC T AAAAC T	CAC T GCA Q GGA E TCA R CCAC T CTGC	GCC P GAA K AGA E TT CACA H CACA K	TAA K ACT L GGGC ACAC S ACGT V ACAC	LACC P CGGA D CCCA Q LAGA E LAGA E LAGA A LAGA A LAGA A A A A A A A A A A	ATC S CCT L GGC A A A A A A A A A A A A A A A A A A	AGT L AGAC T L AGAC T AGGA V AGGA V AGGA V AGGA P	AGG AGA E GGA CCC P AGCI ACCC P ACCC	TGA  N AGA  TGCTC S CAGC CAGC CAGC CAGC CAGC CAGC CAGC C	AGA E CTT L CCT L COTI CTGG G G CAGG A AAGA AAGA	GAA K AAC T GAC T CAA K CCT CCT L CCT L	AGAI CGG TGG TAGC NACT BAAG R AAA R GAA TTGT TGCA	CAT I CAG CTT F - CTT T CAG CTT T CAG CTT T CAG CTT T CAG CTT	CAT' I CAA' K TAA K N O GCA GCT L AAG S CTGG GCTGG W	GAGA BAT AAT AAT AAT AAT AAT AAT AAT AAT AA	ATT F ACG R GCT F GCC P Ki- CAA CAA CCAA X CAA X AAGA	TGT V GCC P [- CTT CTG 67 .GAC T .CGC A .GAC R .GAC	GGGG G CCA CCCA CCCA CCCA CCCA CCCA CCC	AAC T AAC T ATC EAT T A G G T A G C C P -	4140 1315 4200 1335 4260 1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435 4560 1455

THE DESCRIPTION OF THE PROPERTY OF THE PROPERT

## Figur 1 (Fortsetzung)

GAC	ACC.	\GT	YTG	CAC	TGA	CAA	GCC	CAC	GAC	TCA	CGA	GAA	AAC'	TAC	CAA	AAT	AGC	CTG	CAG	4680
T	P	V	C	T	D	K	P	T	T	H							λ		R	1495
											[-		> B	EGI	N O	f •	Ki-	67		
ATC	ACA	<b>ACC</b>	AGA	CCC.	AGT	GGA	CAC	ACC	AAC	AAG	cic	CAA	GCC.	ACA	GTC	CAA	GAG	AAG	TCT	4740
S			D	P	v	D	T	P	T	s	s	K	P	0	s	K	R	S	L	1515
REP					>									-			•	_	_	
CAG						AGA	AGA	ATT	CTT	CGC	ACT	CAG	GAA	ACG	AAC	ACC	ATC	AGC	AGG	4800
									F									A		1535
									.GET							•	_	^	•	1333
CAA																CTA	cec	A THE	T 3 T	4860
									V.											1555
~	^	л	n	_	-		-	_	٧.	3	•	•		14	-	1	^	F	л	1333
GGG.		BCC 1			~	x ~~	×	ccm	C 3 C	202	~ > >	_	* * ~	m	~ . ~	~	~ . ~			
																				4920
G	T	ע	V	Q	K	1	ט	1.	T	Δ.	N	ملا	T	G	5	K	ĸ	R	L	1575
																			[ -	
ACA																				4980
Q	T	P	K	ĸ	K	A	Q	A	L	K	D	Ļ	A	G	F	X	E	L	F	1595
									7 H											
CCA																				5040
Q	T	R	G	H	T	K	E	S	M	T	N	D	K	T	A	K	V	A	C	1615
			1									[-		> B	EGI	N O	F -	Xi-	67	
CAA	ATC:	TC	ACA	ACC	AGA	CCT	AGA	CAA	AAA	ccc	AGC	AĂG	CTC	CAA	GC G	ACG	GCT	CAA	GAC	5100
ĸ									N											1635
REP							_									-			_	
						CGT	GAA	AGA	AGA	GCT	ССТ	AGC	AGT	TGG	CAA	GCT	CAC	ACA	GZC	5160
									E											1655
5		•	Λ	٧	•	•	Α.					^	•	•	•		-	4	-	1633
1 000								~ > ~				1	. ~ .	mcc		~ . ~	~ . ~			E 2 2 A
				-					AGA											5220
5	G	K	T	T	н	T	H	T.	E	7	T	G	D	G	K	5	M	K	A	1675
									'AGA											5280
F	H	E	S	P	X	Q	I	L	D	S	A	A	s	L	T	G	S	K	R	1695
GCA																	CII	CAT	CGA	5340
Q	L	R	T	P	K	G	K	S	E	V	P	E	D	L	A	G	F	I	Z	1715
	[							"Ki	67	MO	TIF	- H	٠ 6	~						
GCT	CŤT	CA	GAC.	ACC	AAG	TCA	CAC	TAA	GGA	ATC	AAT	GAC	TAA	TGA	AAA	AAC	TAC	CAA	AGT	5400
L	F	0	T	P	S	H	T	K	B	S	М	T	N	E	K	T	T	K	v	1735
					1									٢-		> B	EGI	N O	F	
ATC	CTA	CAG	AGC'	TTC	ÁCA	GCC	AGA	CCI	AGT	GGA	CAC	ccc	AAC							5460
									v									0		1755
						7 -			•	_	-	-	•		_	••	•	¥	•	2.00
									TGA	267	AGA	ATT	ملحلمة	<u>ه</u> در د	ىلىك 7	TAG	C A A	202	220	5520
									E											1775
v		3	-	~	•	<b>A</b>	ט	_	2	•	-	F	-	^	E	K	v	¥	-	1113
								~ -		<b>~</b>					m	. ~ -	<b>~-</b> -		a	EFOA
																			CAT	5580
P	\$	A	G	K	A	M	Η,	T	P	K	P	A	٧	Ġ	E	K	K	D	I	1795
							_													
																			CAG	5640
N	T	P	L	G	T	P	v	Q	K	L	D	Q	P	G	N	L	P	G	S	1815

THE ORDER OF THE O

### Figur 1 (Fortsetzung)

	LAG	ACG	GCT.	ACA	AAC.	TCG.	LMM	GGA	AAA	GGC	CA	GGC:		TO M	4GW	WCT	CAC	7.00	CTT	5700
N	R	R	L	Q	T	R	X	E	K	A Ki	Q	A	L	E	E	L	T	G	F	1835
			[ -							"Ki-	-67	HO?	CIF'	" N	7					
CAG	AGA	GCT	TTT	CCA	GAC.	ACC	ATG	CAC	TGA'	TAAG	CC	CAC	AGC:	rga:	rga	GAA	AAC'	TAC	CAA	5760
R	E	L	F	Q	T	P	C	T	D	N	P.	T	A	Ø	E	X	T	T	K	1855
							1								[-		> B	EGI:	N	
AAA	AAT.	ACT	CTG	CAA	ATC'	TCC	ĞCA	ATC.	AGA		AGC	GGA	CAC	CCC	AAC.	AAA	CAC	AAA	GCA	5820
K	I	L	С	K	S	P	Q	S	ם	₽	A	D	T	P	T	H	T	K	Q	1875
OF	"Ki	-67	RE	PEA	T"	Nº 8	3 –	:	>										_	
ACG	GCC	CAA	GAG	AAG	CCT	CAA	GAA	AGC.	AGA	CGT	AGA	GGA	AGAJ	ATT:	TTT.	AGC.	ATT	CAG	GAA	5880
R																				1895
	_	••	••	_					_		_						_			
ACT.	220	3 C C	A TC	AGC	1GG	CAA	AGC	CAT	GCA	CAC	SCC	TAA	AGC	AGC	AGT	AGG	TGA	AGA	GAA	5940
L										T										1915
14	-	-	3	_	G		^			•	•	**	**	~	•	•	-			1313
AGA	~	~	~ . ~	. mm	mcm		~ 3 ~	<b>TCC</b>	· ~		~ 3 3	3 CT	5/23/	~~~	-C41	300	3 3 3 5	-	3.00	6000
AGA																				
ט	Ŧ	N	T	r	٧	G	1	P	٧	E.	ν.	مد	ט	2	مد	G		14	2	1935
TGG					GCC.	ACA.	AAC	TCC	TAA	AGA	AAA	الاقتاق	CAA	اناوات	rcr.	AGA	AGA'	TCT	GGC	6060
G	S	X	R	R	P	Q	T	P	K	E	K	_A	K	A	_L_	_E_	ຼກຼ	L	A	1955
					[-							Υı.	-67	MO'	rif	" N	· 8			
TGG	CTT	CAA	AGA	GCT	CTT	CCA	GAC	ACC	AGG	TCA	CAC	TGA	<b>GGA</b>	ATC.	LAT	GAC	CGY,	TGA	CAA	6120
G	F	K	E	L	F	Q	T	P	G	H	T	K	K	S	M	T	D	D	K	1975
									1									[-	>	
AAT	CAC.	AGA	AGT.	ATC	CTG	CAA	ATC	TCC	ĂCA	ACC.	AGA	CCC.	AGT	CAA.	AAC	CCC	AAC.	AÁG	CTC	6180
I	T	K	v	s	С	ĸ	S	P	Q	P	D	P	v	x	T	P	T	S	S	1995
BEG	IN	OF	•xi	-67	RE	PEA	T -	No	9 ~-	2	>									
CAA	GCA	ACG	ACT	CAA	GAT	ATC	CTI	GGG	GAA	AGT.	AGG	TGT	GAA	AGA.	AGA	GGT	CCT	ACC	AGT	6240
ĸ	0	R	ī.	K	T	s	L	G	ĸ	V	G	V	K	E	E	V	L	P	v	2015
	•		_		_	_	_													
cee	CAA	GCT	CAC	2C2	GAC	GTC	AGG	GAA	GAC	CAC	ACA	GAC	ACA	CAG	AGA	GAC	AGC	AGG	AGA	6300
G																			D	
G										T									D	
	ĸ	L	T	Q	T	s	G	ĸ	T	T	Q	T	H	R	E	T	A	G		2035
TGG	K AAA	L GAG	T CAT	Q CAA	T AGC	s GTT	G Taa	K .GGA	T ATC	T TGC.	Q AAA	T GCA	H GAT	R GCT	e Gga	T .ccc	A AGC	G AAA	CTA	2035 6360
TGG	K AAA	L GAG	T CAT	Q CAA	T AGC	s GTT	G Taa	K .GGA	T ATC	T	Q AAA	T GCA	H GAT	R GCT	e Gga	T .ccc	A AGC	G AAA	CTA	2035 6360
TGG G	K AAA K	L GAG S	T CAT I	CYY CYY	T AGC A	S GTT F	G TAA K	K .gga e	T ATC S	T TGC. A	AAA K	T GCA Q	H GAT M	R GCT L	e gga d	T CCC P	A AGC A	G AAA N	CTA Y	2035 6360 2055
TGG G TGG	K AAA K AAC	L GAG S TGG	T CAT I GAT	Q CAA K K	T AGC A GAG	S GTT F	G TAA K GCC	K .gga e :aag	T ATC S	TGC. A	Q AAA K TAA	T GCA Q Q GGA	H GAT( M AGA(	R GCT L GGC	e gga d cca	T CCC P ATC	A AGC A	G AAA N AGA	CTA Y AGA	2035 6360 2055 6420
TGG G	K AAA K AAC	L GAG S TGG	T CAT I	Q CAA K K	T AGC A GAG	S GTT F	G TAA K GCC	K .gga e :aag	T ATC S	TGC. A	Q AAA K TAA	T GCA Q Q GGA	H GAT( M AGA(	R GCT L GGC	e gga d cca	T CCC P ATC	A AGC A	G AAA N AGA	CTA Y AGA	2035 6360 2055 6420
TGG G TGG G	K AAA K AAC T	L GAG S TGG G	T CAT I GAT H	Q X X GGA B	T AGC A GAG R	S GTT F GTG W	G TAA K GCC P	K GGA E :AAG R	ATC S SAAC T	TGC. A ACC	Q AAA K TAA K	T GCA Q GGA B	B GAT( M AGA( B "Ki	R GCT L GGC A -67	E GGA D CCA CCA	T CCC P ATC S TIF	AGC A ACT L	G AAA N AGA B	CTA Y AGA D	2035 6360 2055 6420 2075
TGG G TGG G	X AAA K AAC T	L GAG S TGG G	T CAT I GAT H	Q CAA K GGA B	T AGC A GAG R	S GTT F GTG W	GCC P	K GGA E :AAG R	T ATC S AAC T	TGC. A ACC	Q AAA K TAA K AGA	T GCA Q GGA E 	B GAT( M AGA( E "Ki	R GCT GGC A -67 TGA	E GGA D CCA Q MO GGA	T CCC P ATC S TIF	AGC A ACT L N	G AAA N AGA B O 9 AAC	CTA Y AGA D TGA	2035 6360 2055 6420 2075 6480
TGG G TGG G CCT L	X AAA X AAC T GGC	L GAG S TGG G CGG	T CAT I GAT H CTT	Q CAA GGA B CAA	T AGC A GAG R AGA	S GTT GTG W .GCT L	G TAR K GCC P CTT	K LGGA E :AAG R CCA	ATC S SAAC T	TGC. A ACC P ACC	Q AAA K TAA K AGA	T GCA Q GGA E 	B GAT( M AGA( E "Ki	R GCT GGC A -67 TGA	E GGA D CCA Q MO GGA	T CCC P ATC S TIF	AGC A ACT L N	G AAA N AGA B O 9 AAC	CTA Y AGA D TGA	2035 6360 2055 6420 2075
TGG G TGG G CCT L	X AAA AAC T GGC A	L GAG S TGG G CGG	T CAT I GAT H CTT	Q CAA GGA B CAA	T AGC A AGAG R AGA	S GTT F GTG W	GCC P (-	K E EAAG R CCA	ATC S AAC T GAC	TGC A ACC P ACC P	Q XAA K TAA K AGA D	T GCA Q GGA E  CCA	GAT( M AGA( B Ki CAC)	R GCT L GGC A -67 TGA	E GGA D CCA Q MO GGA E	T CCC P ATC S TIF ATC	A AGC A ACT L N AAC	G AAA N AGA B 9 AAC T	CTA Y AGA D  TGA D	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095
TGG G TGG G CCT L	X AAA K AAC T GGC A	I GAG S TGG G CGG	CAT I GAT H CTT	Q CAA GGA B CAA K	T AGC A AGA R AGA B	S GTT F GTG W .GCT L	GCC P CTT	K GGA E AAG R CCA Q	ATC S SAAC T GAC	TGC.	Q AAA K TAA K AGA D	T GCA Q GGA E CCA H ACC	H GATO M AGAO E Ki CAC T	R GCT L GGC A -67 TGA E	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT	T CCC P ATC S TIP ATC	AGC ACT L N AAC T	G AAA N AGA B 9 AAC T	CTA Y AGA D TGA D TAGA	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095
TGG G TGG G CCT L TGA	X AAA K AAC T GGC A .CAA	L GAG S TGG G CGG AAC	CAT I GAT H CTT TAC	Q CAA K GGA K CAA K	T AGC A AGAG R AGA AGA B AAAT	GTT F GTG W GCT L AGC	GCC P [-	K GGA E R CCA Q GCAA	ATC SAAC GAC T ATC	TGC ACC P ACC P	Q AAA K TAA K AGA D ACC	T GCA GGA E CCA H ACC	H GATO M AGAO T CAC T AGA	R GCT L GGC A -67 TGA E ATC	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT	T CCC P ATC S TIP ATC	AGC ACT L N AAC T	G AAA N AGA B 9 AAC T	CTA Y AGA D TGA D TAGA	2035 6360 2055 6420 2075 6480
TGG G TGG G CCT L TGA D	X AAA X AAC T GGC A .CAA	GAG S TGG G CGG AAC	CAT I GAT H CTT F TAC	Q CAA GGA B CAA K CAA	T AGC AGAG R AGA E AAT	GTT F GTG W GCT L CAGC	GCC P CTT	K GGA E R CCA CCA K REE	ATC SAAC T GAC T ATC	TGC ACC P ACC P TCC	Q XAA K TAA K AGA D ACC	GGA GGA E  CCA H ACC	GATOMAGAO	R GCT GGC A -67 TGA E ATC >	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M	T CCC P ATC S TIF ATC S	A AGC A ACT N AAC T	G AAA N AGA S AAC T TCC	CTA Y AGA D TGA D TAAC T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115
TGG G TGG CCT L TGA D	AAA K AAC T GGC A CAA K	GAG GGG AAC T AAC	GAT H CTT TAC TAC EGAG	Q CAA B CAA K CAA K CAA	T AGC A AGAG R AGA E AGAT AGAT GGC GGC GGC	GTT F GTG W GCT L AGC A Ki-	GCC P [-CTC F CC C C C C C C C C C C C C C C C C	K GGA R R CCA Q ICAA K REE	ATC S AAC T GAC T ATC	TGC.ACC.PC.TC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TC.PC.TC.PC.TC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC	Q AAA K TAA K AGA D ACC	GCA GGA E  CCA H ACC P	GATOM AGAO TAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA	R GCT L GGC A7 TGA E ATC > TAT	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M	T CCC P ATC S TIP ATC S	A AGC A ACT AAC T AAC	G AAA B O 9 AAC T TCC	CTA Y AGA D TGA D TAAC T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115
TGG G TGG CCT L TGA D	AAA K AAC T GGC A CAA K	GAG GGG AAC T AAC	GAT H CTT TAC TAC EGAG	Q CAA B CAA K CAA K CAA	T AGC A AGAG R AGA E AGAT AGAT GGC GGC GGC	GTT F GTG W GCT L AGC A Ki-	GCC P [-CTC F CC C C C C C C C C C C C C C C C C	K GGA R R CCA Q ICAA K REE	ATC S AAC T GAC T ATC	TGC.ACC.PC.TC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TC.PC.TC.PC.TC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC	Q AAA K TAA K AGA D ACC	GCA GGA E  CCA H ACC P	GATOM AGAO TAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA	R GCT L GGC A7 TGA E ATC > TAT	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M	T CCC P ATC S TIP ATC S	A AGC A ACT AAC T AAC	G AAA B O 9 AAC T TCC	CTA Y AGA D TGA D TAAC T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115
TGG G TGG CCT L TGA D	AAA K AAC T GGC A CAA K	GAG GGG AAC T AAC	GAT H CTT TAC TAC EGAG	Q CAA B CAA K CAA K CAA	T AGC A AGAG R AGA E AGAT AGAT GGC GGC GGC	GTT F GTG W GCT L AGC A Ki-	GCC P [-CTC F CC C C C C C C C C C C C C C C C C	K GGA R R CCA Q ICAA K REE	ATC S AAC T GAC T ATC	TGC.ACC.PC.TC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TCC.PC.TC.PC.TC.PC.TC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC.PC	Q AAA K TAA K AGA D ACC	GCA GGA E  CCA H ACC P	GATOM AGAO TAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA BAGA	R GCT L GGC A7 TGA E ATC > TAT	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M	T CCC P ATC S TIP ATC S	A AGC A ACT AAC T AAC	G AAA B O 9 AAC T TCC	CTA Y AGA D TGA D TAAC T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115
TGG G TGG G CCT L TGA D (-	X AAA X AAC T GGGC A CAA K CAC T CCAC	L GAG S TGG G G G AAC T > EAAG R R	CAT I GAT H CTT F TAC TAC GAG GAG R GGAG R	Q CAA K GGA K K K K K K K K K K K K K K K K	T AGC A AGAG AAAT AAAT GGCC	SGTGWGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	G GCC P [CTTC C G AAAC T AAAC AAAC AAAC AAAC AAAC	K GGA R R CCA K REE CACC	ATC S SAAC T SAAC T SATT ATC S SAAC T SACA	TGC. ACC. P. TCC. P. TCC. P. TCC. GGGG	Q AAAA K TAAA K AGAA D A ACC	T GCA Q GGA E CCA H ACC P AAG R	H GATT H AGA E Ki CAC T AGA E GGA D AGT	R GCT L GGC A -67 TGA E ATC S TAT I ACC	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M AGT V	T CCC P ATC S TIF ATC S CGGA D CGGA E GGGA	A AGCT L " N AAC T CAC T AGA E	G AAA N AGA B B AAC T TCC P GCT L	CTA Y AGA D TGA D AAC T CTC S	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135
TGG G TGG G CCT L TGA D (-	X AAA X AAC T GGGC A CAA K CAC T CCAC	L GAG S TGG G G G AAC T > EAAG R R	CAT I GAT H CTT F TAC TAC GAG GAG R GGAG R	Q CAA K GGA K K K K K K K K K K K K K K K K	T AGC A AGAG AAAT AAAT GGCC	SGTGWGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	G GCC P [CTTC C G AAAC T AAAC AAAC AAAC AAAC AAAC	K GGA R R CCA K REE CACC	ATC S SAAC T SAAC T SATT ATC S SAAC T SACA	TGC. ACC. P. TCC. P. TCC. P. TCC. GGGG	Q AAAA K TAAA K AGAA D A ACC	T GCA Q GGA E CCA H ACC P AAG R	H GATT H AGA E Ki CAC T AGA E GGA D AGT	R GCT L GGC A -67 TGA E ATC S TAT I ACC	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M AGT V	T CCC P ATC S TIF ATC S CGGA D CGGA E GGGA	A AGCT L " N AAC T CAC T AGA E	G AAA N AGA B B AAC T TCC P GCT L	CTA Y AGA D TGA D AAC T CTC S	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135
TGG G TGG G CCT L TGA D (-	X AAA X AAC T GGGC A CAA K CAC T CCAC	L GAG S TGG G G G AAC T > EAAG R R	CAT I GAT H CTT F TAC TAC GAG GAG R GGAG R	Q CAA K GGA K K K K K K K K K K K K K K K K	T AGC A AGAG AAAT AAAT GGCC	SGTGWGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	G GCC P [CTTC C G AAAC T AAAC AAAC AAAC AAAC AAAC	K GGA R R CCA K REE CACC	ATC S SAAC T SAAC T SATT ATC S SAAC T SACA	TGC. ACC. P. TCC. P. TCC. P. TCC. GGGG	Q AAAA K TAAA K AGAA D A ACC	T GCA Q GGA E CCA H ACC P AAG R	H GATT H AGA E Ki CAC T AGA E GGA D AGT	R GCT L GGC A -67 TGA E ATC S TAT I ACC	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M AGT V	T CCC P ATC S TIF ATC S CGGA D CGGA E GGGA	A AGCT L " N AAC T CAC T AGA E	G AAA N AGA B B AAC T TCC P GCT L	AGA D TGA D AAC T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135
TGG G TGG CCT L TGA D [- AAG S	X AAA X AAC T GGCC A CAA K CCAA T CCAC T	L GAG S TGG G CGG AAC T > E AAC R CGAA	T CAT I GAT M CTT F TAC T GEGI GAG Q	Q CAA K GGA K CAA K N CGAA K N C N C N C N C N C N C N C N C N C N	T AGC A GAGA B AGA I AGA I T T T T T T T T T T T T T T T T T T	S GTT F GTG W GCT L PAGC A Ki-	GCC P	K AGGA E AAAG R CCCA Q REI CACC P CCAAC	T ATC S AACC T ATC S ATC	T TGC. A ACC P ACC P TCC C G G ACAC T	Q AAA K K AGA D I GAAA K AGA K	GCA Q GGA B  CCA H ACCC P O AAGG R	H GATT M AGA E Ki CAC T AGA D AGA V	R GCT L GGC A -67 TGA E ATC S TTAT I ACC P	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M AGT V	T CCC P ATC S TIF ATC S CGGA D CGGA E GGA D	A AGCT L ACT T AACC T AACC T AGA E	G AAA N AGA E 9 AAC T TCC P GCT L	AGA D TGA D AAC T CTC S	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6660 2155
TGG G TGG G CCT L TGA D (- AAG S	K AAA K AAC T GGC A CAA K CAC T CCAC	L GAG S TGG G CGG AAC T > EAAG R CGAA	T CAT I GAT M CTT F TAT TO SEGUE R GCA Q CCT	Q CAA K GGAA K N C GGG RGCT	T AGC A GAGA B AGAA E AGAA T AGAT T CCAG	S GTT F GTG W GCT L PAGC A Ki-	G TAN GCC P [-] CTT P CCT C C C C C C C C C C C C C C C	K AGGA E AAAG R CCCA Q GCAA K REF CACC P	T ATC S AAC T ATC S ATC	T TGC. A ACC P ACC P TTCC P TGGG G ACAC T	Q AAA K K AGA D I GAAA K AGA	GCA GGA B CCA H ACCC P AAGG R ACCA K ACA K ACT	B GATO M AGAO B * Ki. CAC T AGA B C CAC T AGA B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	R GCT L GGC A 67 TGA E ATC > TAT I CCC CCC	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M AGT V AGG	T CCC P ATC S TIFFATC S CGGA D CGGA D CAGGA E CAGGA CA	A AGC A ACT L ACAC T AGA E AGA E AGA E AGA E AGA E AGA AGA A	G AAA N AGA B 9 AAC T TCC P GCT LGGA D T TTGT	CTA Y AGA D TGA D CAAC T CTC S CTAA K CAAC	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135 6660 2155
TGG G TGG G CCT L TGA D (- AAG S	K AAA K AAC T GGC A CAA K CAC T CCAC	L GAG S TGG G CGG AAC T > EAAG R CGAA	T CAT I GAT M CTT F TAT TO SEGUE R GCA Q CCT	Q CAA K GGAA K N C GGG RGCT	T AGC A GAGA B AGAA E AGAA T AGAT T CCAG	S GTT F GTG W GCT L PAGC A Ki-	G TAN GCC P [-] CTT P CCT C C C C C C C C C C C C C C C	K AGGA E AAAG R CCCA Q GCAA K REF CACC P	T ATC S AAC T ATC S ATC	T TGC. A ACC P ACC P TTCC P TGGG G ACAC T	Q AAA K K AGA D I GAAA K AGA	T GCA Q GGA E CCA H ACCC P O AAGG R ACAA K ACT	B GATO M AGAO B * Ki. CAC T AGA B C CAC T AGA B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	R GCT L GGC A 67 TGA E ATC > TAT I CCC CCC	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M AGT V AGG	T CCC P ATC S TIFFATC S CGGA D CGGA D CAGGA E CAGGA CA	A AGC A ACT L ACAC T AGA E AGA E AGA E AGA E AGA E AGA AGA A	G AAA N AGA B 9 AAC T TCC P GCT LGGA D T TTGT	AGA D TGA D AAC T CTC S	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135 6660 2155
TGG G TGG CCT L TGA D (- AAG A	K AAA K AAC T GGCC A CAA K CCAC T GCCT L GCAI	L GAG S TGG G G AAC T S AAC R R CGAA R C CAA N	T CAT I GAT H CTT F TOEGI R GGA Q CGT V	Q CAA K GGA K K N C GGC R L C GGT F	T AGC R AGA B AGA B AGA T AGA	GTT F GTG W GCT L AGC A Ki- CAAA Ki- CAAA Ki- CACA BGGGA E	G GCC P [CTI F GCC G G A A C G A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A A C T G A A A C T G A A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A A C T G A	K GGAA R CCCA Q GCAA K REI CACC T CCAC	T ATC S AAC T GAC T ATC S PEAT T T L CACA H	T TGC. A ACC P ACC P TCC P TCC C ACAC T ACAC O	Q AAA K TAA K TAA D A CO P A C	T GCA GGA E CCA H ACC P AAGG R CAA K L ACT	H GATO M AGAO B Ki CAC T AGA B O AGT V GGA D	R GCT L GGC A 67 TGA E ATC S TAT I ACC P	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT M AGT V AGG	T CCC P ATC S TIFF ATC S CGGA D CGGA E AGA A	A AGC A ACT L ACAC T AGA ACAC T AGA E ATGA E S AAGG	G AAA N AGA B P AAC T TCC P GCT L GGA D TTGT	AGA D TGA D TGA T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135 6720 2175
TGG G TGG G CCT L TGA D (- AAG S AGG A TGG	K AAA K AAC T GGCC A CAA K CCAT CCAT CCAT CCAT	L GAG S TGG G G G AAC T S AAC R R CAA R CA	T CAT I GAT H CTT F T CEGI R C C C C C C C C C C C C C C C C C C	Q CAA K GGA K K CAA K K C CAA K C C C C C C C C C	T AGC A AGAG R AGAG B AGAA T C C C C C C C C C C C C C C C C C C	S GTT F GTG W GCT L AGC A Ki- CAAA CACA GGGA E GGGA	G GCC P	K GGAA R CCCA R REI GCAA K REI CAC T CCTGC	T ATC S AACC T ATC S PEAT L LACA H	T TGC. A ACC P ACC P TCC P CGGG G ACAC ACAC ACAC ACAC ACAC ACA	Q AAA K TAA K TAA D J ACC P 1 ACA A C K AGA A C K AGA K AGA K AGA K AAA K AAAA KAAAA KAAAA KAAAA KAAAA KAAAA KAAAAA KAAAAAA	T GCA GGA E CCA H ACC P AAGG R ACAA L ACT AAGG	H GATI M AGAI E *Ki CAC' T AGA B O AGT V GGA CCA	R GCT L GGC A67 TGA ATC S TAT I ACC P ACC	E GGA D CCA Q MO GGA E AAT AGG AGG AGG	T CCC P ATC S TIFF ATC S CGGA D CGGA D CGGA D CGGA D CGGA A CAGA	A AGC A ACT L ACAC T AGA E ATGA E ATGA S AAGGA	G AAA N AGA B P AAC T TCC P GCT L GGA D TCCTT V ACTT	AGA D TGA D TGA T TGA T TGA T TGA T TGGGGGGGGGG	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135 6720 2175 6780
TGG G TGG G CCT L TGA D (- AAG S AGG A TGG	K AAA K AAC T GGCC A CAA K CCAT CCAT CCAT CCAT	L GAG S TGG G G G AAC T S AAC R R C AAC R C C C AAC R C C C C	T CAT I GAT H CTT F T CEGI R C C C C C C C C C C C C C C C C C C	Q CAA K GGA K K CAA K K C CAA K C C C C C C C C C	T AGC A AGAG B AGAA I AGAT I CCAG P CCAG	S GTT F GTG W GCT L AGC A Ki- CAAA CAAA GGGA EAAA GGAA R	G GCC P	K GGAA R CCCA REI CAAC P CTGC	T ATC S AACC T ATC S PEAT L L LACA H LAAL K	T TGC. A ACC P ACC P TCC P TCC TCC T ACAC T ACAC T ACAC O ACAC G G G G G	Q AAA K TAA D A A A A A A A A A A A A A A A A A	T GCA GGA E CCA H ACC P AAGC R AAGC R ACA A ACT A ACC A	H GATI H AGAI E T CAC T AGA B O AGT V GGA D CCA	R GCT L GGC A-67 TGA ATC S TAT I ACC P ACC	E GGA D CCA MOGGA E AAT M AGT V AGG A CCC L CCC	T CCC P ATC S TIFF ATC S C GGA B C GGA A C G G G G	A AGCT L ACT T AAAC T AGA E ATGA ATGA ATGA ATGA ATGA ATGA A	G AAA N AGA B 9 AACC T C C C C C C C C C C C C C C C C	AGA D TGA D TGA T TGA T TGA T TGA T TGA T TGG T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135 6720 2175 6780
TGG G TGG CCT TGA D [- AAG S AGG G TGG	K AAA K AAC T GGC A CAA K CCAT CCAT CCAT CCAT CCAT CCAT	L GAG S T GG G G T AAC R R R R R R R R R R R R R R R R R R	T CAT I GAT T T CAT I CA	Q CAA K GGA K K CAA K K CAA K K CAA	T AGC A AGAG B AGAA I AGC P CCAG R AGC P I AGC P I I I I I I I I I I I I I I I I I I	S GTT F GTG W GCT L CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA Ki- CAA CAA CAA CAA CAA CAA CAA CAA CAA CA	G CC P	K GGAA R CCCA REI CACC P CCCAC T CCCAC T CCCAC T	ATC S AAC T GAC T ATC S EATT L CACA H CAAA K	T TGC A ACC P ACC P TCC P TCC TCC T ACAC T ACAC T ACAC O ACAC T	Q AAA K TAA D A A C A A A A A A A A A A A A A A A	T GCA GGA E CCA H ACC P AAGG R ACA K ACT L AGC K I	H GATI H AGAI E T AGA B T AGA B T CAC T AGA C C C C C C C C C C C C C C C C C C	R GCT L GGC AFC S TAT ACC P ACC P ACC P ACC	E GGA D CCA MOGGA A A GG A A CCC L L TIP	T CCC P ATC STATE ATC S C GGA B C GGA A C G GGA A C GGA A C G G G G	A AGC A ACT I NAAC T AGA E AGA ATGA ATGA ATGA ATGA ATGA AT	G AAAA N AGAA C P AAAC T C C P G G C T C C C C C C C C C C C C C C C C	AGA D TGA D TGA T TGA T TGA T TGA T TGA T TGA T TGG T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135 6720 2175 6780 2195
TGG G TGG CCT TGA D I- AAG S AGG G TGG	K AAA K AAC T GGC A CAA K CCAT CCAT CCAT CCAT CCAT CCAT	L GAG S T GG G G AAAC R R R R R R R R R R R R R R R R R	T CAT I GAT TACK TO CAT TACK TACK TO CAT TACK TACK TO CAT TACK TACK TACK TACK TACK TACK TACK	Q CAA K GGA K CAA	T AGC A AGAG B AGAA I COP COCAG COCA	S GTT F GTG W GCT A A Ki-CAA K CAAA K CAAAA K CAAAAA K CAAAAA K CAAAAA K CAAAAA K CAAAAAAAA	G G G G G G G G G G G G G G G G G G G	K GGAA R CCCA REI CACC P CTGC T CTGC CTGC	T ATC S AACC T ATC S PEAT L L LACA H	T TGC. A ACC P ACC P TGC G G ACAC T ACAC ACAC ACAC ACAC ACAC	Q AAA K TAA D A C C A C A C A C A C A C A C A C A	T GCA Q GGA E CCA H ACC P AAG R ACA K ACT L AGC Ki-	H GATI H AGA E CAC T AGA B O GGA O CCA 67	R GCT GCA GCA ATC ATC ACC P ACC ACC BACC GCC GCC GCC ACC GCC ACC ACC ACC ACC	E GGA CCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	T CCC P ATC STATE ATC C C C C C C C C C C C C C C C C C C	A AGC A ACT IN AAC T AGA E AGA ATGA ATGA ATGA ATGA ATGA AT	G AAA N AGA B 9 AAC T P GCT P GCT L GGA D CTT GT L CCT L CCT C L CCT ACC ACC ACC ACC ACC ACC ACC ACC ACC	AGA D TGA D TGA T TGA T TGA T TGA T TGA T TGA T TGG T	2035 6360 2055 6420 2075 6480 2095 6540 2115 6600 2135 6720 2175 6780 2195 6840

THIS PACE BLANK USPO

### Figur 1 (Fortsetzung)

AACTACCAAAATAGCCTGCAGATCTCCACAACCAGACCCAGTGGGTACCCCAACAATCTT	6900
TTKIACRSPOPDPVGTPTIF	2235
BEGIN OF "Ki-67 REPEAT" N° 11>	
CAAGCCACAGTCCAAGAGAAGTCTCAGGAAAGCAGACGTAGAGGAAGAATCCTTAGCACT	6960
K P Q S K R S L R K A D V E E E S L A L	2255
[BIPARTITE NUCLEAR TARGETING	
CAGGAAACGAACACCATCAGTAGGGAAAGCTATGGACACACCCAAACCAGCAGGAGGTGA	7020
RKRTPSVGKAHDTPKPAGGD	2275
SEQUENCE-1	
TGAGAAAGACATGAAAGCATTTATGGGAACTCCAGTGCAGAAATTGGACCTGCCAGGAAA	7080
EKDHKAFHGTPVQKLDLPGH	2295
TTTACCTGGCAGCAAAAGATGGCCACAAACTCCTAAGGAAAAGGCCCAGGCTCTAGAAGA	7140
L P G S K R W P Q T P K E K A Q A L E D	2315
[	2313
CCTGGCTGGCTTCAAAGAGCTCTTCCAGACACCAGGCACTGACAAGCCCCACGACTGATGA	7200
I. A G F K R I. F O T P G T D K P T T D R	2335
	2333
	2040
GAAAACTACCAAAATAGCCTGCAAATCTCCACAACCAGACCCAGTGGACACCCAGCAAG	7260
K T T K I A C K S P Q P D P V D T P A S	2355
[> BEGIN OF "Ki-67 REPEAT" No 12>	
CACAAAGCAACGGCCCAAGAGAAACCTCAGGAAAGCAGACGTAGAGGAAGAATTTTTAGC	7320
TKQRPKRNLRKADVEEEFLA	2375
[BIPARTITE NUCLEAR TARGETING	
ACTCAGGAAACGAACACCATCAGCAGGCAAAGCCATGGACACCCCAAAACCAGCAGTAAG	7380
LRKRTPSAGKAHDTPKPAVS	2395
SEQUENCE 1	
TGATGAGAAAATATCAACACATTTGTGGAAACTCCAGTGCAGAAACTGGACCTGCTAGG	7440
DEKHIHTFVETPVQKLDLLG	2415
AAATTTACCTGGCAGCAAGAGACAGCCACAGACTCCTAAGGAAAAGGCTGAGGCTCTAGA	
- AAATTIMACCIMGGGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	7500
N I D G C F D O D O T D K K & K & K & L K	7500 2435
N L P G S K R Q P Q T P K S K A S A L S	7500 2435
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E	2435
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E [ "Ki-67 MOTIF" N° 12 GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC	2435 7560
N L P G S K R Q P Q T P K B K A B A L B [ "Ki-67 MOTIF" N° 12 GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC D L V G F K B L F Q T P G H T B B S H T	2435
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435 7560 2455
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435 7560 2455
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435 7560 2455 7620 2475
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435 7560 2455 7620 2475 7680
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435 7560 2455 7620 2475
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535
N L P G S X R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575 7980
N L P G S K R Q P Q T P K E K À E À L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575 7980 2595
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575 7980 2595 8040

THIS PACE BLANK USPIO!

### Figur 1 (Fortsetzung)

						GCT														8100
L	8	λ	4	E	R	L	T	Q	T	S	G	Q	S	T	H	T	H	X	E	2635
<b>A</b> CC	AGC	AAG	CGG	TGA	TGA	<b>LEGG</b>	CAT	CAA	AGI	ATI	'GAA	GCA	ACG	TGC	:AAA	GAA	.GAA	ACC	AAA	8160
						G													N	2655
_												_				B			TE	
ccc	LGT	AGA	AGA	GGA	ACC	:CAG	CAG	CAC.	AAG	ccc	'A A G	: 160	ACC	<b>TA</b> A						8220
- D	77	T	7	7	200	S	D D	D D	- P	200		, AGC	70 D		*	Y	~~~		70	2675
NUC	LEA	r I	ARG	ETI	NG	SEQ	UEN	CE-		11-										20/5
						CIT										CAC	TCA	GGA	ATC	8280
L	K	D	L	A	6	7	T	K	T.	S	K	T	s	G	H	T	0	E	S	2695
	**;	-67	MO	YTT W	X	F 10 1	4 <sup>-</sup>							, -	_	_	•	_	•	
10		TCC	TCC	~~~	3.66	CAC	7 . A	3 3 T	1200		CCN	300	<b>T</b> CC	,	· 2 Cm	'A C X	200	~~~	202	8340
L																				
ملا	T	A	9	V	_ ^_	T	<u>v</u> -					>_	٠,	Λ¥.		£		V	ט	2715
						EGI														
						GAG														8400
T	T	A	S	T	K	R	H	L	R	T	R	V	Q	K	V	Q	V	K	E	2735
						GII														8460
E	₽	5	λ	V	x	F	T	Q	T	\$	G	E	T	T	D	A	D	K	E	2755
ACC	AGC	AGG	TGA	AGA	TAR	AGG	CAT	CAA	AGC	ATT	GAA	GGA	ATC	TGC	AAA	ACA	GAC	ACC	GGC	8520
						G														2775
TCC	'A.C.C	AGC.	AAG	7127	ים מי	TGG	CAG	CAG	CAG	. ארני	ccc	' A A G	acc	'a.c.c	CAG	cca	A A C	TCC	CCA	8580
						G														2795
	^	^	3	٧	-	G	3	л	ж	Д	-		A	-	7	E	5	A	Q	2/95
																			<b></b>	
						TGG:														8640
A 	I "Ki	E -67	D MC	L WTTY	. A	G I <sup>o</sup> 1	. F 5 _	_ K	D 	P 	. A	A	٦G	H	T	E	E	S	H	2815
GAC	ידיכ א	TCA	~ A A	220	~ > ~	TAA	ነ አክጥ	200		C 3 2	איניי	7 mc	) } ````````	363	307	20.00	363	C 3 C	~~~	8700
-	ע	ע	v	_ T_	_T	K		۳,	-				<u>.</u> ۲	ء	ı	_ 4	IJ	T	A	2835
						N O														
						GCC													GCT	8760
T	S	S	K	R	R	P	R	T	R	A	Q	K	V	E	V	K	E	E	L	2855
CTT	אכר	ACT	TGG		con	CAC	5 C A	220	-	, v C C	ccs	CAC		CCA	C 3 C	CCA	~ A A	N.C.R	ccc	8820
1	A	٧	G	K	4.	T	Q	T	5	G	E.	T	T	H	T	ע	K	E	P	2875
GGT	'AGG	TGA	GGG	CAA	AGG	CAC	GAA	AGC	A TT	TAZ	GCA	ACC	TGC	444	GCG	CAN	CGT	CCA	cec	8886
						T														2895
•	•	_	•	7	G	_	<b>V</b>	^	F	7	Q	×	^							
																			LEAR	
						CAG														8940
E Tan	D GRT	V TNG	I Sp	G OUR	5 NC1	R :	R 	Q	. P	R	A	P	K	E	K	A	Q	P	L	2915
CCA	363		~~~	.C.S.C		CCA		~~	111	<b></b>										000
	NOA	- L	•••		~ <u>T</u> 1	.cca	NGA —	.GCT	CIC	. rcs	-WWC	ACC	AGG	الات ب. 	CAC	TGA	AUU. —	ACT	نانات	9000
5	ב	يد 	A	5	F	Q 1°1	E	L	5	Q	T	P	G	H	T	E	E	L	A	2935
	-Ki	67	HC	TIP	- N	1° 1	6 -						3							
XXA	TGG	TGC	TGC	TGA	TAG	CTT	TAC	AAG	CGC	TCC	CAAS	LGCA	AAC	ACC	TGA	CAG	TGG	AAA	ACC	9060
N	G	λ	A	D	S	F	T	S	A	P	K	Q	T	₽	D	S	G	X	P	2955
		) E	ND	OF	"Ki	L-67	RE	PE	T"	No	16	_								_

THIS PACE BLANK USPIO

# Figur 1 (Fortsetzung)

TCT.		AAT.	ATC	CAG.	<b>AAG</b>	AGT	TCT	TCG	GGC	CCC.	LYY	AGT	<b>NGA</b>	ACC	CĠIX	GGG.	<b>NGA</b>	CGT	GGT	9120
L	K	I	5	R	R	V	L	R	٨	P	X	V	E	P	V	G	D	V	V	2975
AAG	CAC	CAG	AGA:	ccc	TGT.	ندد	ATC	<b>ACA</b>	AAG		AAG	CAA	CXC.	TTC	CCT	GCC	ccc:	ACT	GCC	9180
g	7	2	ם	P	v	K	g	0	5	K	8	Ħ	T	3	L	₽	P	L	P	2995
CII	CAA	GAG	GGG	<b>AGG</b>	TGG	CAA	λGλ	TGG	AAG	CGT	CAC	GGG.	AAC	CAA	GAG	GCT	GCG	CTG	CAT	9240
F	ĸ	R	G	G	G	ĸ	ם	G	S	v	T	G	T	ĸ	R	L.	R	C	H	3015
	[ -		BIP	ART	ITE	NU	CLE	<b>A</b> R	TAR	GET	DKI	SE	QUE	NCE		1				
GCC	AĞC.	ACC.	λGλ	GGA	AAT	TGT	GGA	GGA	GCT	GCC	AGC	CAG	CYY	GAA	GCX	GAG	GGT	IGC	TCC	9300
												5						[-		3035
CAG	GGC.	NG	AGG	CAA	ATC	ATC	CGA	ACC	CGT	GGT	CAT	CAT	GAA	GAG	<b>AAG</b>	III	GAG	GĂC	TIC	9360
R	λ	R	G	K	8	S	K	P	V	V	I	H	K	R	S	L	R	T	5	3055
						1 1	TP/	GTP	-BI	HDI	NG	HOT	IP	<b>A</b> (	P-L	00P	)			
TGC	مدد	AAG	<b>XX</b> I	TGA	ACC	TGC	GGA	JGA	GCT	<b>GYY</b>	CAG	CYY	CCY	CAT	GAA	wc	CXX	CXX	AGA	9420
												N								3075
GGA	ACA	CAA	ATT	<b>ACA</b>	AGA	CTC	GGT	ccc	TGA	مدد	TAA	GGG	AAT	ATC	CCT	GCG	CIC	CAG	ACG	9480
E	H	K	L	0	D	S	V	P	E	N	K	G	I	S	L	R	S	R	R	3095
		EN	ם מ	FT	HE	LAR	GX	EXC	N L	3 -		. 1								
CCA	AGA	TAA	GAC	TYEN	ccc	161	ACI	GCA	AAT	AAC	TGA	GGT	CII	TGI	YII	<b>XGC</b>	JGY	<b>AA</b> G	AAT	9540
Q	a	K	T	E	A	E	0	Q	I	T	E	V	F	V	L	λ	K	R	I	3115
AGA	AAT	ندد	CAG	مدد	TGA	س	ىدى	LGC C	CAI	CLA	GAC	CTC	CCC	AGA	GAT	GGA	CAT	TCA	GAA	9600
E	I	Н	R	H	K	K	K	P	H	K	T	S	P	E	H	D	I	Q	H	3135
TCC	:AGA	TGA	TGG	AGC	:ccg	GAA	ACC	CAT	:ACC	TAG	λGλ	CAA	AGT	CAC	TGA	SLA	CAA	XXG	GTG	9660
P	ם	D	G	A	R	ĸ	7	Ī	P	R	D	K	V	T	- <b>Z</b>	Ж	X	R	C	3155
					1 -		BII	PART	TITE	: NU	icl.	LAR	TAR	GZI	ING	SZ	CUE	אכז		
CTI	'GAG	GTC	TGC	TAG	KOK:	GAJ	LTG	AGAC	CTC	(22	GCC	XXT:	GGT	GGC	LAGA	GGA	GAG	CGG	AGG	9720
L	R	3	λ	R	Q	H	Z	S	S	Q	P	ĸ	V	λ	E	z	S	G	G	3175
ĠC.	<b>LGAA</b>	GAG	TGC	:GAJ	GGI	TC	CA:	rgc;	<b>IGA</b>	LTCJ	GAJ	Wed	GAA	<b>J</b> GG	λGλ	<b>J</b> GC	:XGG		LIC	9780
Q	K	S	λ	ĸ	V	L	H	Q	N	Q	X	G	K	G	Z	λ	G	N	S	3195
λG	CTO	CAT	GTC	CC1	CGAC	ATC	:AAG	322	AGAC	ىدد:	LAC	<b>SCCA</b>	GCC	TGC	:AGC	:XXG	CAC	TI	CGA.	9840
Ø	S	H	C	L	R	s	R	K	T	ĸ	s	Q	P	X	X	S	T	L	E	3215
GAC	GCAJ	ATC	TG	rge	AGAC	3AG1	CAAC	CGC	GAG	TG1	CA	AGAG	GTG	TGC	:AGA	w	TCC	עג:	<b>IGAA</b>	9900
S	K	·· S	v	Q	R	V	T	R	S	V	ĸ	R	C	λ	E	H	P	K	ĸ	3235
GG	TG	LGG.	CA	NTG	rgre	TG	rca.	AGA.	<b>XXX</b> ?	CAAC	CAAC	CAG		TC	TAC	(DD	CAG	TG	LAGA	9960
λ	E	D	H	v	c	v	K	K	I	T	T	R	s	H	R	۵	S	Z	D	3255
TA		:AC	GA	A A A	ATC	<b>722</b>	CTG	GGA	AAA	ATA:	TAA'	גגז	AGT	'AG		CTC	LIKE	AG?	TTTT	10020
	• • • •												-							3256
•	•					 1.80														
						1.40														
							· :													

THIS PACE BILANK USPO

## Figur 1 (Fortsetzung)

AGTGCAGTTTTTGTCATAAATTACAAGTGAATTCTGTAAGTAA	10080
agggaagaaaactttggatttgctgggtctgaatcggcttcataaactccactgggagca	10140
CTGCTGGGCTCCTGGACTGAGAATAGTTGAACACCGGGGGCTTTGTGAAGGAGTCTGGGC	10200
CAAGGTTTGCCCTCAGCTTTGCAGAATGAAGCCTTGAGGTCTGTCACCACCCAC	10260
CCTACAGCAGCCTTAACTGTGACACTTGCCACACTGTGTCGTCGTTTGTTT	10320
CTCCAGGGCACGGTGGCAGGAACAACTATCCTCGTCTGTCCCAACACTGAGCAGGCACTC	10380
GGTAAACACGAATGAATGGATAAGCGCACGGATGAATGGAGCTTACAAGATCTGTCTTTC	10440
CAATGGCCGGGGCATTTGGTCCCCAAATTAAGGCTATTGGACATCTGCACAGGACAGTC	10500
CTATTTTTGATGTCCTTTCCTTTCTGAAAATAAAGTTTTGTGCTTTGGAGAATGACTCGT	10560
GAGCACATCTTTAGGGACCAAGAGTGACTTTCTGTAAGGAGTGACTCGTGGCTTGCCTTG	10620
GTCTCTTGGGAATACTTTTCTAACTAGGGTTGCTCTCACCTGAGACATTCTCCACCCGCG	10680
GAATCTCAGGGTCCCAGGCTGTGGGCCATCACGACCTCAAACTGGCTCCTAATCTCCAGC	10740
TITCCTGTCATTGAAAGCTTCGGAAGTTTACTGGCTCTGCTCCCGCCTGTTTTCTTTC	10800
ACTCTATCTGGCAGCCCGATGCCACCCAGTACAGGAAGTGACACCAGTACTCTGTAAAGC	10860
ATCATCATCCTTGGAGAGACTGAGCACTCAGCACCTTCAGCCACGATTTCAGGATCGCTT	10920
CCTTGTGAGCCGCTGCCTCCGAAATCTCCTTTGAAGCCCAGACATCTTTCTCCAGCTTCA	10980
GACTTGTAGATATAACTCGTTCATCTTCATTTACTTTCCACTTTGCCCCCTGTCCTCTCT	11040
GTGTTCCCCAAATCAGAGAATAGCCCGCCATCCCCAGATCACCTGTCTGGATTCCTCCC	11100
CATTCACCCACCTTGCCAGGTGCAGGTGAGGATGGTGCACCAGACAGGGTAGCTGTCCCC	11160
CAAAATGTGCCCTGTGCGGGCAGTGCCCTGTCTCCACGTTTGTTT	11220
GGGAGCCAGGTGACATCATAAATACTTGCTGAATGAATGCAGAAATCAGCGGTACTGACT	11280
TGTACTATATTGGCTGCCATGATAGGGTTCTCACAGCGTCATCCATGATCGTAAGGGAGA	11340
ATGACATTCTGCTTGAGGGAGGGAATAGAAAGGGGCAGGGAGGG	11400
ACAGGGCTGCAAAGGGTACAGGGATTGCACCAGGGCAGAACAGGGGAGGGTGTTCAAGGA	11460
<b>AGAGTGGCTCTTAGCAGAGGCACTTTGGAAGGTGTGAGGCATAAATGCTTCCTTC</b>	11520
AGGCCAACCTCAAAACTTTCAGTAGGAATGTTGCTATGATCAAGTTGTTCTAACACTTTA	11580
GACTTAGTAGTAATTATGAACCTCACATAGAAAAATTTCATCCAGCCATATGCCTGTGGA	11640
GTGGAATATTCTGTTTAGTAGAAAAATCCTTTAGAGTTCAGCTCTAACCAGAAATCTTGC	11700
TGAAGTATGTCAGCACCTTTTCTCACCCTGGTAAGTACAGTATTTCAAGAGCACGCTAAG	11760
<b>GGTGGTTTTCATTTTACAGGGCTGTTGATGATGGGTTAAAAATGTTCATTTAAGGGCTAC</b>	11820
CCCCGTGTTTAATAGATGAACACCACTTCTACACAACCCTCCTTGGTACTGGGGGAGGGA	11880
GAGATCTGACAAATACTGCCCATTCCCCTAGGCTGACTGGATTTGAGAACAAATACCCAC	11940
CCATTTCCACCATGGTATGGTAACTTCTCTGAGCTTCAGTTTCCAAGTGAATTTCCATGT	12000
AATAGGACATTCCCATTAAATACAAGCTGTTTTTACTTTTTCGCCTCCCAGGGCCTGTGC	12060
GATCTGGTCCCCCAGCCTCTCTTGGGCTTTCTTACACTAACTCTGTACCTACC	12120
GCCTCCCTTAGGCAGGCACCTCCAACCACCACACACTCCCTGCTGTTTTCCCTGCCTG	12180
<b>ACTITCCCACCAGCCCACCAAGATCATTTCATCCAGTCCTGAGCTCAGCTTAAGGGAGG</b>	12240
CTTCTTGCCTGTGGGTTCCCTCACCCCCATGCCTGTCCTCCAGGCTGGGGCAGGTTCTTA	12300
GTTTGCCTGGAATTGTTCTGTACCTCTTTGTAGCACGTAGTGTTGTGAAACTAAGCCACT	12360
AATTGAGTTTCTGGCTCCCCTCCTGGGGTTGTAAGTTTTGTTCATTCA	12420
${\tt GTATTTCCTGGTTACTGTATCCCAGTGACCAGCCACAGGAGATGTCC} \underline{{\tt AATAAAGTATGTG}}$	12480
ATGAAATGGTCTT	12493

THIS PAGE BILANK USPION

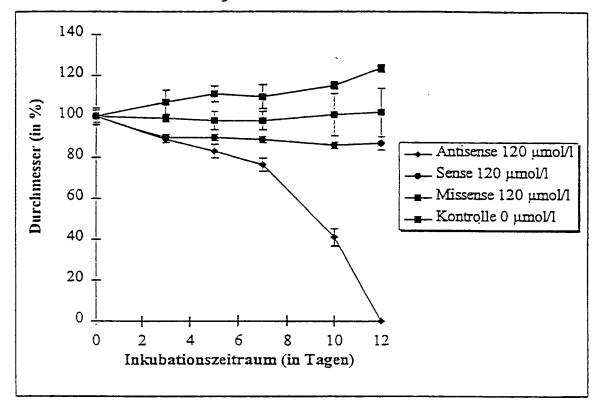
## Figur 2

Struktur zucker- und phosphatmodifizierter Oligonukleotide

THIS PACE BLANK USPO)

Figur 3

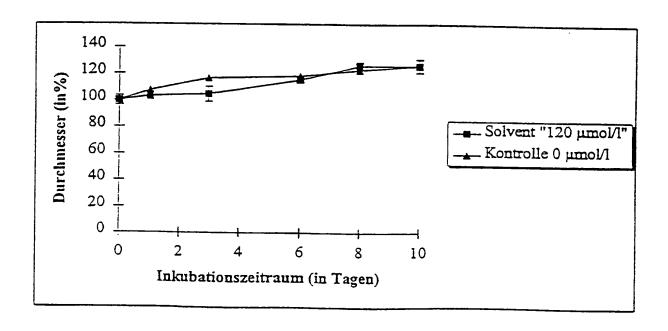
Einfluß von Oligonukleotiden auf RT4 Zellen



THIS PACE BLANK USPION

Figur 4

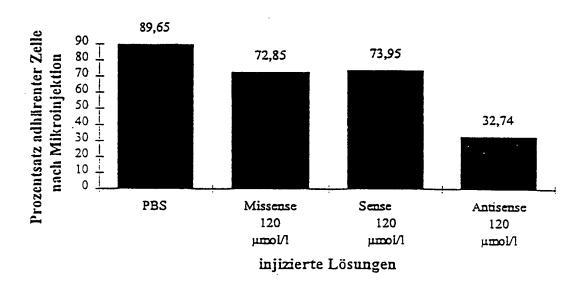
Einfluß des Lösungsmittels auf RT4 Zellen (Negativkontrolle)



THIS TREETE BLENK USPION

Figur 5

Einfluß von Oligonukleotiden auf RT4 Zellen bei Mikroinjektion

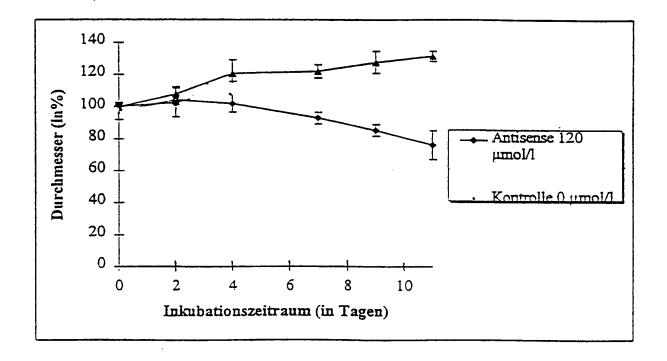


THIS PACE BLANK USPO

15/15

Figur 6

Einfluß von Oligonukleotiden auf J82 Zellen



THIS PACE BLANK USPO

#### SEQUENZPROTOKOLL

(1) ALLGEMEIN	E ANGABEN:
---------------	------------

(i)	ANMEL	.DER:

- (A) NAME: Forschungszentrum Borstel
- (B) STRASSE: Parkallee 1-40
- (C) ORT: Borstel
- (D) BUNDESLAND: Schleswig-Holstein
- (E) LAND: Deutschland
- (F) POSTLEITZAHL: D 23845
- (ii) BEZEICHNUNG DER ERFINDUNG: Antisense-Oligonukleotide zur Behandlung von proliferierenden Zellen
- (iii) ANZAHL DER SEQUENZEN: 3
- (iv) COMPUTER-LESBARE FASSUNG:
  - (A) DATENTRÄGER: Floppy disk
  - (B) COMPUTER: IBM PC compatible
  - (C) BETRIEBSSYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
  - (D) SOFTWARE: PatentIn Release #1.0, Version #1.30 (EPA)

#### (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 1:

- (i) SEQUENZKENNZEICHEN:
  - (A) LÄNGE: 12493 Basenpaare
  - (B) ART: Nucleotid
  - (C) STRANGFORM: Doppelstrang
  - (D) TOPOLOGIE: linear
- (ii) ART DES MOLEKÜLS: cDNS
- (ix) MERKMAL:
  - (A) NAME/SCHLÜSSEL: CDS
  - (B) LAGE: 197..9964
- (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 1:

CTACCGGGCG GAGGTGAGCG CGGCGCCGGC TCCTCCTGCG GCGGACTTTG GGTGCC	GACTT 60
GACGAGCGGT GGTTCGACAA GTGGCCTTGC GGGCCGGATC GTCCCAGTGG AAGAGT	TTGTA 120
AATTTGCTTC TGGCCTTCCC CTACGGATTA TACCTGGCCT TCCCCTACGG ATTATA	ACTCA 180
ACTTACTGTT TAGAAA ATG TGG CCC ACG AGA CGC CTG GTT ACT ATC AAA Met Trp Pro Thr Arg Arg Leu Val Thr Ile Lys	A 229 s
AGG AGC GGG GTC GAC GGT CCC CAC TTT CCC CTG AGC CTC AGC ACC TAR Ser Gly Val Asp Gly Pro His Phe Pro Leu Ser Leu Ser Thr (	

AGG	AGC	GGG	GTC	GAC	GGT	CCC	CAC	TTT	CCC	CTG	AGC	CTC	AGC	ACC	TGC	277
Arg	Ser	Gly	Val	Asp	Gly	Pro	His	Phe	Pro	Leu	Ser	Leu	Ser	Thr	Cys	
_			15					20					25		-	

TTG	TTT	GGA	AGG	GGT	ATT	GAA	TGT	GAC	ATC	CGT	ATC	CAG	CTT	CCT	GTT	325
Leu	Phe	Gly	Arg	Gly	Ile	Glu	Cys	Asp	Ile	Arg	Ile	Gln	Leu	Pro	Val	
		30	0	,			35	•				40				

GTG TCA AAA	CAA CAT TGO	AAA GTT GAA	A ATC CAT GAG CAG	GAG GCA ATA 373
			u Ile His Glu Gln	
45 °	•	50	5.5	

THIS PACE BLANK USPO

										CAA Gln 70						421
ATT Ile	GAT Asp	GAG Glu	CCT Pro	GTA Val 80	CGG Arg	CTA Leu	AAA Lys	CAT His	GGA Gly 85	GAT Asp	GTA Val	ATA Ile	ACT Thr	ATT Ile 90	ATT Ile	469
GAT Asp	CGT Arg	TCC Ser	TTC Phe 95	AGG Arg	TAT Tyr	GAA Glu	AAT Asn	GAA Glu 100	AGT Ser	CTT Leu	CAG Gln	AAT Asn	GGA Gly 105	AGG Arg	AAG Lys	517
TCA Ser	ACT Thr	GAA Glu 110	TTT Phe	CCA Pro	AGA Arg	AAA Lys	ATA Ile 115	CGT Arg	GAA Glu	CAG G1n	GAG Glu	CCA Pro 120	GCA Ala	CGT Arg	CGT Arg	565
										GAT Asp						613
										AAA Lys 150						661
										AGT Ser						709
										GTT Val						757
										CCC Pro						805
										CGT Arg						853
										AGC Ser 230						901
										AAA Lys						949
TCA Ser	CAA Gln	AAA Lys	GAA Glu 255	AAT Asn	GTC Val	CTA Leu	CAG Gln	TAT Tyr 260	TGT Cys	AGA Arg	AAA Lys	TCT Ser	GGA Gly 265	TTA Leu	CAA Gln	997
										GAT Asp						1045
										CCA Pro						1093
						Pro				GAA Glu 310						1141

THIS PACE BLANK USPO

AAC Asn	AAG Lys	GGG Gly	AAG Lys	GGA Gly 320	AGA Arg	GAC Asp	GTG Val	GAG Glu	TCT Ser 325	GTT Val	CAG Gln	ACT Thr	CCC Pro	AGC Ser 330	AAG Lys	1189
GCT Ala	GTG Val	GGC Gly	GCC Ala 335	AGC Ser	TTT Phe	CCT Pro	CTC Leu	TAT Tyr 340	GAG Glu	CCG Pro	GCT Ala	AAA Lys	ATG Met 345	AAG Lys	ACC Thr	1237
CCT Pro	GTA Val	CAA Gln 350	TAT Tyr	TCA Ser	CAG Gln	CAA Gln	CAA Gln 355	AAT Asn	TCT Ser	CCA Pro	CAA Gln	AAA Lys 360	CAT His	AAG Lys	AAC Asn	1285
AAA Lys	GAC Asp 365	CTG Leu	TAT Tyr	ACT Thr	ACT Thr	GGT Gly 370	AGA Arg	AGA Arg	GAA Glu	TCT Ser	GTG Val 375	AAT Asn	CTG Leu	GGT Gly	AAA Lys	1333
AGT Ser 380	GAA Glu	GGC Gly	TTC Phe	AAG Lys	GCT Ala 385	GGT Gly	GAT Asp	AAA Lys	ACT Thr	CTT Leu 390	ACT Thr	CCC Pro	AGG Arg	AAG Lys	CTT Leu 395	1381
TCA Ser	ACT Thr	AGA Arg	AAT Asn	CGA Arg 400	ACA Thr	CCA Pro	GCT Ala	AAA Lys	GTT Val 405	GAA Glu	GAT Asp	GCA Ala	GCT Ala	GAC Asp 410	TCT Ser	1429
GCC Ala	ACT Thr	AAG Lys	CCA Pro 415	GAA Glu	AAT Asn	CTC Leu	TCT Ser	TCC Ser 420	AAA Lys	ACC Thr	AGA Arg	GGA Gly	AGT Ser 425	ATT Ile	CCT Pro	1477
ACA Thr	GAT Asp	GTG Val 430	GAA Glu	GTT Val	CTG Leu	CCT Pro	ACG Thr 435	GAA Glu	ACT Thr	GAA Glu	ATT Ile	CAC His 440	AAT Asn	GAG Glu	CCA Pro	1525
TTT Phe	TTA Leu 445	ACT Thr	CTG Leu	TGG Trp	CTC Leu	ACT Thr 450	CAA Gln	GTT Val	GAG Glu	AGG Arg	AAG Lys 455	ATC Ile	CAA Gln	AAG Lys	GAT Asp	1573
TCC Ser 460	CTC Leu	AGC Ser	AAG Lys	CCT Pro	GAG Glu 465	AAA Lys	TTG Leu	GGC Gly	ACT Thr	ACA Thr 470	GCT Ala	GGA Gly	CAG Gln	ATG Met	TGC Cys 475	1621
TCT Ser	GGG Gly	TTA Leu	CCT Pro	GGT Gly 480	CTT Leu	AGT Ser	TCA Ser	GTT Val	GAT Asp 485	ATC Ile	AAC Asn	AAC Asn	TTT Phe	GGT Gly 490	GAT Asp	1669
TCC Ser	ATT Ile	AAT Äsn	GAG Glu 495	AGT Ser	GAG Glu	GGA Gly	ATA Ile	CCT Pro 500	Leu	AAA Lys	AGA Arg	AGG Arg	CGT Arg 505	GTG Val	TCC Ser	1717
TTT Phe	GGT Gly	GGG Gly 510	His	CTA Leu	AGA Arg	CCT Pro	GAA Glu 515	Leu	TTT Phe	GAT Asp	GAA Glu	AAC Asn 520	TTG Leu	CCT Pro	CCT Pro	1765
AAT Asn	ACG Thr 525	Pro	CTC Leu	AAA Lys	AGG Arg	GGA Gly 530	Glu	GCC Ala	CCA Pro	ACC Thr	AAA Lys 535	Arg	AAG Lys	TCT Ser	CTG Leu	1813
GTA Val 540	Met	CAC His	ACT Thr	CCA Pro	CCT Pro 545	Val	CTG Leu	AAG Lys	AAA Lys	ATC Ile 550	Ile	AAG Lys	GAA Glu	CAG Gln	CCT Pro 555	1861
CAA Gln	CCA Pro	TCA Ser	GGA Gly	Lys 560	Gln	GAG Glu	TCA Ser	GGT Gly	TCA Ser 565	Glu	ATC	CAT	GTG Val	GAA G1u 570	GTG Val	1909

THIS PREE, OLD WALLSTON

AAG Lys	GCA Ala	CAA Gln	AGC Ser 575	TTG Leu	GTT Val	ATA Ile	AGC Ser	CCT Pro 580	CCA Pro	GCT Ala	CCT Pro	AGT Ser	CCT Pro 585	AGG Arg	AAA Lys	1957
ACT Thr	CCA Pro	GTT Val 590	GCC Ala	AGT Ser	GAT Asp	CAA Gln	CGC Arg 595	CGT Arg	AGG Arg	TCC Ser	TGC Cys	AAA Lys 600	ACA Thr	GCC Ala	CCT Pro	2005
GCT Ala	TCC Ser 605	AGC Ser	AGC Ser	AAA Lys	TCT Ser	CAG Gln 610	ACA Thr	GAG Glu	GTT Val	CCT Pro	AAG Lys 615	AGA Arg	GGA Gly	GGA Gly	GAA Glu	2053
AGA Arg 620	GTG Val	GCA Ala	ACC Thr	TGC Cys	CTT Leu 625	CAA Gln	AAG Lys	AGA Arg	GTG Val	TCT Ser 630	ATC Ile	AGC Ser	CGA Arg	AGT Ser	CAA Gln 635	2101
							TGT Cys									2149
GAA Glu	GCA Ala	AAT Asn	CTG Leu 655	ATT Ile	GTT Val	GCA Ala	AAA Lys	TCA Ser 660	TGG Trp	GCA Ala	GAT Asp	GTA Val	GTA Val 665	AAA Lys	CTT Leu	2197
GGT Gly	GCA Ala	AAA Lys 670	CAA Gln	ACA Thr	CAA Gln	ACT Thr	AAA Lys 675	GTC Val	ATA Ile	AAA Lys	CAT His	GGT Gly 680	CCT Pro	CAA Gln	AGG Arg	2245
							AGA Arg									2293
							AGT Ser									2341
							CAT His									2389
							AAC Asn									2437
							ATA Ile 755									2485
							AGC Ser									2533
	Glu						CAG Gln									2581
					Thr		GAG Glu			Gly					Phe	2629
				Ala			CAG Gln		Ser						AGC	2677

THIS PACE BLANK USPIO!

CCT Pro	CCC Pro	TTA Leu 830	AGA Arg	CGG Arg	CAG Gln	TGT Cys	ATT Ile 835	AGA Arg	GAA Glu	AAT Asn	GGA Gly	AAC Asn 840	GTA Val	GCA Ala	AAA Lys	2725
ACG Thr	CCC Pro 845	AGG Arg	AAC Asn	ACC Thr	TAC Tyr	AAA Lys 850	ATG Met	ACT Thr	TCT Ser	CTG Leu	GAG Glu 855	ACA Thr	AAA Lys	ACT Thr	TCA Ser	2773
												GTA Val				2821
												CCT Pro				2869
												ATC Ile				2917
												GGA Gly 920				2965
												ATT Ile				3013
												AGA Arg				3061
												AAG Lys				3109
												AAT Asn				3157
ACC Thr	CAA Gln	GAT Asp 990	CAT His	GCC Ala	AAG Lys	GCA Ala	CCA Pro 995	AAG Lys	AGT Ser	GAG Glu	AAA Lys	GGC Gly 1000	Lys	ATC Ile	ACT Thr	3205
		Pro					Gln					AAC Asn				3253
	Thr					Lys					Lys	GTA Val				3301
					Val					Arg		TCA Ser			Thr	3349
				Arg					Asp			AGC Ser		Arg		3397
			Ser					Leu				GCC Ala 108	Arg			3445

THIS PACE BLANK USPIO

GGA ATG AAG A Gly Met Lys L 1085					Ala Gln		
GAA GAC CTG G Glu Asp Leu A 1100		Lys Glu				Pro	
GAG GAA TCA A Glu Glu Ser M				Lys Ile			
CCA CCA CCA G Pro Pro Pro G		Asp Thr				Trp :	
AAG AGA AGT C Lys Arg Ser L 1150			Val Glu				
AGG AAA CTA A Arg Lys Leu T 1165					Thr Pro		
GCA GGA GGT G Ala Gly Gly A 1180	AT GAG AAA sp Glu Lys 118	Asp Ile 1	AAA GCA Lys Ala	TTT ATG Phe Met 1190	GGA ACT Gly Thr	Pro '	GTG 3781 Val 1195
CAG AAA CTG G Gln Lys Leu A	AC CTG GCA sp Leu Ala 1200	GGA ACT 1	TTA CCT Leu Pro 1205	Gly Ser	AAA AGA Lys Arg	CAG (Gln 1	CTA 3829 Leu
CAG ACT CCT A Gln Thr Pro L	AG GAA AAG ys Glu Lys 215	Ala Gln	GCT CTA Ala Leu 1220	GAA GAC Glu Asp	CTG GCT Leu Ala 1225	Gly 1	ITT 3877 Phe
AAA GAG CTC T Lys Glu Leu P 1230	TC CAG ACT The Gln Thr	CCT GGT ( Pro Gly I 1235	CAC ACC His Thr	GAG GAA Glu Glu	TTA GTG Leu Val 1240	GCT (	GCT 3925 Ala
GGT AAA ACC A Gly Lys Thr T 1245	CT AAA ATA hr Lys Ile	CCC TGC (Pro Cys 1	GAC TCT Asp Ser	CCA CAG Pro Gln 1255	Ser Asp	CCA (	GTG 3973 Val
GAC ACC CCA A Asp Thr Pro T 1260	CA AGC ACA Thr Ser Thr 126	Lys Gln A	CGA CCC Arg Pro	AAG AGA Lys Arg 1270	AGT ATC Ser Ile	Arg 1	AAA 4021 Lys 1275
GCA GAT GTA G Ala Asp Val G	AG GGA GAA lu Gly Glu 1280	CTC TTA (	GCG TGC Ala Cys 1285	Arg Asn	CTA ATG Leu Met	CCA ? Pro ? 1290	ICA 4069 Ser
GCA GGC AAA G Ala Gly Lys A 1	CC ATG CAC la Met His 295	Thr Pro 1	AAA CCA Lys Pro 1300	TCA GTA Ser Val	GGT GAA Gly Glu 1305	Glu 1	AAA 4117 Lys
GAC ATC ATC A Asp Ile Ile I 1310	TA TTT GTG le Phe Val	GGA ACT (Gly Thr 1	CCA GTG Pro Val	CAG AAA Gln Lys	CTG GAC Leu Asp 1320	CTG A	ACA 4165 Thr
GAG AAC TTA A Glu Asn Leu T 1325	CC GGC AGC hr Gly Ser	AAG AGA ( Lys Arg 1 1330	CGG CCA Arg Pro	CAA ACT Gln Thr 1335	Pro Lys	GAA ( Glu (	GAG 4213 Glu

THIS PRESE BLANK USHO

GCC Ala 1340	Gln	GCT Ala	CTG Leu	GAA Glu	GAC Asp 1345	Leu	ACT Thr	GGC Gly	TTT Phe	AAA Lys 1350	Glu	CTC Leu	TTC Phe	CAG Gln	ACC Thr 1355	4261
CCT Pro	GGT Gly	CAT His	ACT Thr	GAA Glu 1360	Glu	GCA Ala	GTG Val	GCT Ala	GCT Ala 1365	GGC Gly	AAA Lys	ACT Thr	ACT Thr	AAA Lys 1370	Met	4309
CCC Pro	TGC Cys	GAA Glu	TCT Ser 1375	Ser	CCA Pro	CCA Pro	GAA Glu	TCA Ser 1380	Ala	GAC Asp	ACC Thr	CCA Pro	ACA Thr 1385	Ser	ACA Thr	4357
AGA Arg	AGG Arg	CAG Gln 1390	Pro	AAG Lys	ACA Thr	CCT Pro	TTG Leu 1395	Glu	AAA Lys	AGG Arg	GAC Asp	GTA Val 1400	Gln	AAG Lys	GAG Glu	4405
CTC Leu	TCA Ser 1405	Ala	CTG Leu	AAG Lys	AAG Lys	CTC Leu 1410	Thr	CAG Gln	ACA Thr	TCA Ser	GGG Gly 1415	Glu	ACC Thr	ACA Thr	CAC His	4453
ACA Thr 1420	Asp	AAA Lys	GTA Val	CCA Pro	GGA Gly 1425	Gly	GAG Glu	GAT Asp	AAA Lys	AGC Ser 1430	Ile	AAC Asn	GCG Ala	TTT Phe	AGG Arg 1435	4501
GAA Glu	ACT Thr	GCA Ala	AAA Lys	CAG Gln 1440	Lys	CTG Leu	GAC Asp	CCA Pro	GCA Ala 1445	GCA Ala	AGT Ser	GTA Val	ACT Thr	GGT Gly 1450	Ser	4549
AAG Lys	AGG Arg	CAC His	CCA Pro 145	Lys	ACT Thr	AAG Lys	GAA Glu	AAG Lys 146	Ala	CAA Gln	CCC Pro	CTA Leu	GAA Glu 146	Asp	CTG Leu	4597
GCT Ala	GGC Gly	TGG Trp 1470	Lys	GAG Glu	CTC Leu	TTC Phe	CAG Gln 1475	Thr	CCA Pro	GTA Val	TGC Cys	ACT Thr 1480	Asp	AAG Lys	CCC Pro	4645
ACG Thr	ACT Thr 1485	His	GAG Glu	AAA Lys	ACT Thr	ACC Thr 149	Lys	ATA Ile	GCC Ala	TGC Cys	AGA Arg 149	Ser	CAA Gln	CCA Pro	GAC Asp	4693
CCA Pro 150	Val	GAC Asp	ACA Thr	CCA Pro	ACA Thr 150	Ser	TCC Ser	AAG Lys	CCA Pro	CAG Gln 151	Ser	AAG Lys	AGA Arg	AGT Ser	CTC Leu 1515	4741
AGG Arg	Lys	Val	Asp	Val	Glu	Glu	Glu	Phe	Phe	GCA Ala 5	Leu	Arg	AAA Lys	CGA Arg 153	Thr	4789
CCA Pro	TCA Ser	GCA Ala	GGC Gly 153	Lys	GCC Ala	ATG Met	CAC His	ACA Thr 154	Pro	AAA Lys	CCA Pro	GCA Ala	GTA Val 154	Ser	GGT Gly	4837
			Ile					Gly		CCA Pro			Lys			4885
CTG Leu	ACA Thr 156	Glu	AAC Asn	TTA Leu	ACT Thr	GGC Gly 157	Ser	AAG Lys	AGA Arg	CGG Arg	CTA Leu 157	Gln	ACT Thr	CCT Pro	AAG Lys	4933
GAA Glu 158	Lys	GCC Ala	CAG Gln	GCT Ala	CTA Leu 158	Glu	GAC Asp	CTG Leu	GCT Ala	GGC Gly 159	Phe	AAA Lys	GAG Glu	CTC Leu	TTC Phe 1595	4981

THE CORCE OF THE USE OF THE OWNER, WHEN THE OW

CAG Gln	ACA Thr	CGA Arg	GGT Gly	CAC His 1600	ACT Thr	GAG Glu	GAA Glu	TCA Ser	ATG Met 1605	Thr	AAC Asn	GAT Asp	AAA Lys	ACT Thr 1610	Ala	5029
AAA Lys	GTA Val	GCC Ala	TGC Cys 1615	Lys	TCT Ser	TCA Ser	CAA Gln	CCA Pro 1620	Asp	CTA Leu	GAC Asp	AAA Lys	AAC Asn 1625	Pro	GCA Ala	5077
AGC Ser	TCC Ser	AAG Lys 1630	Arg	CGG Arg	CTC Leu	AAG Lys	ACA Thr 1635	Ser	CTG Leu	GGG Gly	AAA Lys	GTG Val 1640	Gly	GTG Val	AAA Lys	5125
GAA Glu	GAG Glu 1645	Leu	CTA Leu	GCA Ala	GTT Val	GGC Gly 1650	Lys	CTC Leu	ACA Thr	CAG Gln	ACA Thr 1655	Ser	GGA Gly	GAG Glu	ACT Thr	5173
	His				GAG Glu 1665	Pro					Lys					5221
TTT Phe	ATG Met	GAG Glu	TCT Ser	CCA Pro 1680	AAG Lys	CAG Gln	ATC Ile	TTA Leu	GAC Asp 1685	Ser	GCA Ala	GCA Ala	AGT Ser	CTA Leu 1690	Thr	5269
GGC Gly	AGC Ser	AAG Lys	AGG Arg 169	Gln	CTG Leu	AGA Arg	ACT Thr	CCT Pro 1700	Lys	GGA Gly	AAG Lys	TCT Ser	GAA Glu 170	Val	CCT Pro	5317
GAA Glu	GAC Asp	CTG Leu 1710	Ala	GGC Gly	TTC Phe	ATC Ile	GAG Glu 1715	Leu	TTC Phe	CAG Gln	ACA Thr	CCA Pro 1720	Ser	CAC His	ACT Thr	5365
AAG Lys	GAA Glu 172	Ser	ATG Met	ACT Thr	AAT Asn	GAA Glu 1730	Lys	ACT Thr	ACC Thr	AAA Lys	GTA Val 1735	Ser	TAC Tyr	AGA Arg	GCT Ala	5413
TCA Ser 174	Gln	CCA Pro	GAC Asp	CTA Leu	GTG Val 1745	Asp	ACC Thr	CCA Pro	ACA Thr	AGC Ser 1750	Ser	AAG Lys	CCA Pro	CAG Gln	CCC Pro 1755	5461
				Arg	AAA Lys					GAA	GAA	ттт	TTA	GCA	ттт	5509
AGG				1760	0		F	Thr	Glu 176	Glu					Phe	
Arg				CCA Pro	TCA Ser		GGC	AAA	GCC Ala	Glu 5 ATG	Glu CAC	Phe ACA	Leu	Ala 1770 AAA Lys	Phe CCA	5557
GCA	Lys GTA	Gln GGT	Thr 177: GAA Glu	CCA Pro 5	TCA	Ala	GGC G1y	AAA Lys 1780 AAC Asn	1765 GCC Ala O	Glu ATG Met	Glu CAC His	Phe ACA Thr	CCC Pro 1785 ACT Thr	Ala 1770 AAA Lys 5	Phe CCA Pro GTG	5557 5605
GCA Ala CAG	Lys GTA Val	GIn GGT Gly 179 CTG Leu	Thr 177 GAA Glu O GAC	CCA Pro GAG Glu CAG	TCA Ser	GAC Asp	GGC Gly ATC Ile 1799 AAT Asn	AAA Lys 1780 AAC Asn	GCC Ala  ACG Thr	Glu ATG Met TTT Phe	CAC His TTG Leu	ACA Thr GGA Gly 1800 AAT Asn	CCC Pro 1785 ACT Thr	Ala 1770 AAA Lys 5 CCA Pro	Phe CCA Pro GTG Val CTA	
GCA Ala CAG Gln	CTA Val  AAA Lys 180 ACT Thr	GIn GGT Gly 179 CTG Leu 5	Thr 177: GAA Glu O GAC Asp	CCA Pro GAG Glu CAG Gln	TCA Ser AAA Lys	GAC Asp GGA Gly 1810	GGC Gly ATC Ile 1799 AAT Asn	AAA Lys 1780 AAC Asn 5 TTA Leu	GCC Ala  ACG Thr  CCT Pro	Glu  ATG Met  TTT Phe  GGC Gly	CAC His TTG Leu AGC Ser 1811	ACA Thr GGA Gly 1800 AAT Asn 5	CCC Pro 178! ACT Thr O AGA Arg	Ala 1770 AAA Lys 5 CCA Pro CGG Arg	Phe CCA Pro GTG Val CTA Leu TTC	5605

THE ORCH BLANK HERION

AAA Lys	ACT Thr	ACC Thr	AAA Lys 1855	Lys	ATA Ile	CTC Leu	TGC Cys	AAA Lys 1860	Ser	CCG Pro	CAA Gln	TCA Ser	GAC Asp 1865	Pro	GCG Ala	5797
GAC Asp	ACC Thr	Pro 1870	Thr	AAC Asn	ACA Thr	AAG Lys	CAA Gln 1875	Arg	CCC Pro	Lys	Arg	Ser 1880	Leu	AAG Lys	AAA Lys	5845
Ala	GAC Asp 1885	GTA Val	Glu	Glu	GAA Glu	Phe	Leu	GCA	TTC Phe	AGG	AAA Lys 1895	CTA Leu	AĊA Thr	CCA Pro	TCA; Ser	5'893
Ala.	Gly A	Lys	Ala	Met,	His	Thr	Pro	Lys	Ala	Ala 1/9.1.(	Val	Gly	G Lu	Glu	AAA Lys 1915	5941
GAC Asp	ATC Tle	AAC*	Thr	TTT	Йаl	ĞĞĞ G1y	AC 10	Pro	Val	Glu	"UUU"	Leu	Asp	CTG Leu 1930	ĈTA Leu	5989 3
ĞĞA Glÿ	Asn	Lew∮	Pro 1935	Glý.	AGĈ Se i	AAG L'y's	Arg	CGG Arg 1940	Pro	ĈAĄ. Gln	ACT Thr	*Pro	AAA Lys 1945	-Glu	AÄG:	6037
GCC Ala	AAG Lys	GCT Ala 1950	CTĂ Leu	GAA	GAT Asp	CTG Leu	GCT Ala 1955	Gly	TTC Phe	AAA Lys	GAG Glu	CTC Leu 1960	Phe	CAG Gln	ACA Thr	6085
CCA Pro	GGT Gly 1965	His	ACT Thr	GAG Glu	GAA Glu	TCA Ser 1970	Met	ACC Thr	GAT Asp	GAC Asp	AAA Lys 197	Ile	ACA Thr	GAA Glu	GTA Val	6133
TCC Ser 198	TGC Cys	AAA Lys	TCT Ser	CCA Pro	CAA Gln 1985	Pro	GAC Asp	CCA Pro	GTC Val	AAA Lys 199	Thr	CCA Pro	ACA Thr	AGC Ser	TCC Ser 1995	6181
AAG Lys	CAA Gln	CGA Arg	CTC Leu	AAG Lys- 2000	Ile	TCC	TTG Leu	GGG Gly	AAA Lys 200	Va.1	GGT Gly	GTG Val	AAA Lys	GAA Glu 201	Glu	6229
GTC Val	CTA Leu	CCA Pro	GTC Val 201	Gly	AAG Lys	CTC Leu	Thr	CAG Gln 202	Thr	TCA Ser	GGG Gly	AAG Lys	ACC Thr 202	Thr	CAG Gln	6277
	His		Glu					Gly	Lys		Ile		Ala	Phe	AAG Lys	6325
GAA Gʻlu	TCT Ser 204	Ala	AAG Lys	ČAG G1n	Met.	CTĠ Leu 205	Asp	"Pro	Ala	AAC Asn	TAT Tyr 205	Gly	ACT This	GGG Gly	ATG Met	6373
GAG Glu 206	AGG Arg O	TGG Trp	CCA Pro	AGA Arg	AGA Thr 206	Pro	AAG Lys	GAA Glu	GAG Glu	GCC Ala 207	Gln	TCA Ser	CTA Leu	"©ÅA Glu	GAC Asp 2075	6421
CTG Leu	GCC Ala	GGC G1y	TTC Phe	AAA Lys 208	Glu	CTC Leu	TTC Phe	CAG Gln	ACA Thr 208	Pro	GAC Asp	CAC	ACT Thr	GAG Glu 209	Glu	6469
TCA Ser	ACA Thr	ACT Thr	GAT Asp 209	Asp	AAA Lys	ACT Thr	ACC Thr	AAA Lys 210	Ile	GCC Ala	TGC Cys	AAA Lys	TCT Ser 210	Pro	CCA Pro	6517

THIS PROTE BLANK USPION

CCA C	GAA Glu	TCA Ser 2110	Met	GAC Asp	ACT Thr	CCA Pro	ACA Thr 2115	Ser	ACA Thr	AGG Arg	AGG Arg	CGG Arg 2120	Pro	AAA Lys	ACA Thr	6565
CCT 1 Pro 1	rrg Leu 2125	Gly	AAA Lys	AGG Arg	GAT Asp	ATA Ile 2130	Val	GAA Glu	GAG Glu	CTC Leu	TCA Ser 2135	Ala	CTG Leu	AAG Lys	CAG Gln	6613
CTC A Leu 1 2140	ACA Thr	CAG Gln	ACC Thr	ACA Thr	CAC His 2145	Thr	GAC Asp	AAA Lys	GTA Val	CCA Pro 2150	Gly	GAT Asp	GAG Glu	GAT Asp	AAA Lys 2155	6661
GGC A	ATC Ile	AAC Asn	GTG Val	TTC Phe 2160	Arg	GAA Glu	ACT Thr	GCA Ala	AAA Lys 2165	Gln	AAA Lys	CTG Leu	GAC Asp	CCA Pro 2170	Ala	6709
GCA A	AGT Ser	GTA Val	ACT Thr 2175	Gly	AGC Ser	AAG Lys	AGG Arg	CAG Gln 2180	Pro	AGA Arg	ACT Thr	CCT Pro	AAG Lys 2185	Gly	AAA Lys	6757
GCC (	CAA Gln	CCC Pro 2190	Leu	GAA Glu	GAC Asp	TTG Leu	GCT Ala 2195	Gly	TTG Leu	AAA Lys	GAG Glu	CTC Leu 2200	Phe	CAG Gln	ACA Thr	6805
CCA (Pro V	GTA Val 2205	Cys	ACT Thr	GAC Asp	AAG Lys	CCC Pro 2210	Thr	ACT Thr	CAC His	GAG Glu	AAA Lys 2215	Thr	ACC Thr	AAA Lys	ATA Ile	6853
GCC 7 Ala ( 2220	TGC Cys	AGA Arg	TCT Ser	CCA Pro	CAA Gln 2223	Pro	GAC Asp	CCA Pro	GTG Val	GGT Gly 2230	Thr	CCA Pro	ACA Thr	ATC Ile	TTC Phe 2235	6901
AAG ( Lys l					Arg					Ala					Glu	6949
TCC Ser I	TTA Leu	GCA Ala	CTC Leu 225	Arg	AAA Lys	CGA Arg	ACA Thr	CCA Pro 226	Ser	GTA Val	GGG Gly	AAA Lys	GCT Ala 226	Met	GAC Asp	6997
ACA (	CCC Pro	AAA Lys 2270	Pro	GCA Ala	GGA Gly	GGT Gly	GAT Asp 227	Glu	AAA Lys	GAC Asp	ATG Met	AAA Lys 2280	Ala	TTT Phe	ATG Met	7045
GGA A		Pro					Asp					Leu				7093
AAA Lys 2300	Arg					Pro					Gln					7141
CTG .					Glu O					Pro					Pro	7189
ACG . Thr				Lys					Ala			TCT Ser		Gln		7237
GAC	CCA	GTG	GAC	ACC	CCA	GCA	AGC	ACA	AAG	CAA	CGG	CCC	AAG	AGA	AAC	7285

THIS PAGE BLANK USPO)

				TA GCA CTC AGG eu Ala Leu Arg 2375		7333
	Ala Gly		Asp Thr Pr	CA AAA CCA GCA ro Lys Pro Ala 390		7381
		Asn Thr Phe		CT CCA GTG CAC hr Pro Val Glr		7429
				GA CAG CCA CAG rg Gln Pro Gli 242	Thr Pro	7477
	Ala Glu		Asp Leu Va	TT GGC TTC AAA al Gly Phe Lys 2440		7525
				TG ACT GAT GAO et Thr Asp Asp 2455		7573
	Ser Cys		Gln Pro G	AG TCA TTC AAA lu Ser Phe Lys 470		7621
		Arg Leu Lys		TG GTG AAA GTG eu Val Lys Val		7669
				CA CGG ACA TCA hr Arg Thr Sei 250	Gly Glu	7717
	Thr His		Thr Gly As	AT AGT AAG AGG sp Ser Lys Se: 2520		7765
			ATC CTG GA			
		2530		AC CCA GCA GCA sp Pro Ala Ala 2535		7813
	Arg Arg	2530 CAG CTG AGA	ACT CGT AATThr Arg Ly	sp Pro Ala Ala	Ser Val	7813 7861
Thr Gly Ser 2540 CTA GAA GAO	Arg Arg	2530 CAG CTG AGA Gln Leu Arg 2545 GAC TTC AAA Asp Phe Lys	ACT CGT AATTHE Arg Ly GAG CTC TT	sp Pro Ala Ala 2535 AG GAA AAG GCO ys Glu Lys Ala	C CGT GCT A Arg Ala 2555	
Thr Gly Ser 2540 CTA GAA GAC Leu Glu Asp ACT GAA GAG	Arg Arg CTG GTT Leu Val 2560	2530  CAG CTG AGA Gln Leu Arg 2545  GAC TTC AAA Asp Phe Lys  ACT ATT GAC	ACT CGT AAT Thr Arg Ly  GAG CTC TT Glu Leu Ph 2565	sp Pro Ala Ala 2535 AG GAA AAG GCG ys Glu Lys Ala 550 TC TCA GCA CCA	C CGT GCT A Arg Ala 2555 A GGT CAC C Gly His 2570 C TGC AAA C Cys Lys	7861
Thr Gly Ser 2540  CTA GAA GAC Leu Glu Asp  ACT GAA GAC Thr Glu Glu  TCT CCC CCA	Arg Arg  CTG GTT Leu Val 2560  TCA ATG Ser Met 25.75  CCA GAA Pro Glu	2530  CAG CTG AGA Gln Leu Arg 2545  GAC TTC AAA Asp Phe Lys  ACT ATT GAC Thr Ile Asp  CTA ACA GAC	ACT CGT AAT THE ACT CGT AAT ACT CGT TO COLUMN TO COLUMN THE ACT CCC ACT TO CCC ACT ALA THE ACT CCC ACT THE ACT THE ACT THE ACT CCC ACT THE ACT	sp Pro Ala Ala 2535 AG GAA AAG GCO ys Glu Lys Ala 550 TC TCA GCA CCA he Ser Ala Pro CA AAA ATT CCO hr Lys Ile Pro	C CGT GCT A Arg Ala 2555 A GGT CAC G Gly His 2570 C TGC AAA C Cys Lys 35	7861 7909

THIS PACK BLANK IISPIDI

GAG Glu 2620	Arg	CTC Leu	ACG Thr	CAA Gln	ACA Thr 2625	Ser	GGG Gly	CAA Gln	AGC Ser	ACA Thr 2630	His	ACA Thr	CAC His	AAA Lys	GAA Glu 2635	8101
CCA Pro	GCA Ala	AGC Ser	GGT Gly	GAT Asp 2640	Glu	GGC Gly	ATC Ile	AAA Lys	GTA Val 2645	Leu	AAG Lys	CAA Gln	CGT Arg	GCA Ala 2650	Lys	8149
AAG Lys	AAA Lys	CCA Pro	AAC Asn 2655	Pro	GTA Val	GAA Glu	GAG Glu	GAA Glu 2660	Pro	AGC Ser	AGG Arg	AGA Arg	AGG Arg 2665	Pro	AGA Arg	8197
GCA Ala	CCT Pro	AAG Lys 2670	Glu	AAG Lys	GCC Ala	CAA Gln	CCC Pro 2675	Leu	GAA Glu	GAC Asp	CTG Leu	GCC Ala 2680	Gly	TTC Phe	ACA Thr	8245
GAG Glu	CTC Leu 2685	Ser	GAA Glu	ACA Thr	TCA Ser	GGT Gly 2690	His	ACT Thr	CAG Gln	GAA Glu	TCA Ser 2695	CTG Leu	ACT Thr	GCT Ala	GGC Gly	8293
AAA Lys 2700	Ala	ACT Thr	AAA Lys	ATA Ile	CCC Pro 2703	Cys	GAA Glu	TCT Ser	CCC Pro	CCA Pro 2710	Leu	GAA Glu	GTG Val	GTA Val	GAC Asp 2715	8341
ACC Thr	ACA Thr	GCA Ala	AGC Ser	ACA Thr 2720	Lys	AGG Arg	CAT His	CTC Leu	AGG Arg 2725	Thr	CGT Arg	GTG Val	CAG Gln	AAG Lys 2730	Val	8389
CAA Gln	GTA Val	AAA Lys	GAA Glu 273	Glu	CCT Pro	TCA Ser	GCA Ala	GTC Val 274	Lys	TTC Phe	ACA Thr	CAA Gln	ACA Thr 274	Ser	GGG Gly	8437
GAA Glu	ACC Thr	ACG Thr 2750	Asp	GCA Ala	GAC Asp	AAA Lys	GAA Glu 275	Pro	GCA Ala	GGT Gly	GAA Glu	GAT Asp 2760	Lys	GGC Gly	ATC Ile	8485
AAA Lys	GCA Ala 276	Leu	AAG Lys	GAA Glu	TCT Ser	GCA Ala 277	Lys	CAG Gln	ACA Thr	CCG Pro	GCT Ala 277	CCA Pro 5	GCA Ala	GCA Ala	AGT Ser	8533
GTA Val 2780	Thr	GGC Gly	AGC Ser	AGG Arg	AGA Arg 278	Arg	CCA Pro	AGA Arg	GCA Ala	CCC Pro 279	Arg	GAA Glu	AGT Ser	GCC Ala	CAA Gln 2795	8581
GCC Ala	ATA Ile	Glu	Asp	Leu	Ala	Gly	Phe	Lys	Asp	Pro	Ala	GCA Ala	Gly	His	Thr	8629
GAA Glu	GAA Glu	TCA	ATG Met 281	Thr	GAT Asp	GAC Asp	AAA Lys	ACC Thr 282	Thr	AAA Lys	ATA Ile	CCC Pro	TGC Cys 282	Lys	TCA Ser	8677
TCA Ser	CCA Pro	GAA Glu 283	Leu	GAA Glu	GAC Asp	ACC Thr	GCA Ala 283	Thr	AGC Ser	TCA Ser	AAG Lys	AGA Arg 284	Arg	CCC Pro	AGG Arg	8725
ACA Thr	CGT Arg 284	Ala	CAG Gln	AAA Lys	GTA Val	GAA Glu 285	Val	AAG Lys	GAG Glu	GAG Glu	CTG Leu 285	TTA Leu 5	GCA Ala	GTT Val	GGC Gly	8773
AAG Lys 286	Leu	ACA Thr	CAA Gln	ACC Thr	TCA Ser 286	Gly	GAG Glu	ACC Thr	ACG Thr	CAC His 287	Thr	GAC Asp	AAA Lys	GAG Glu	CCG Pro 2875	8821

THIS PASE OF WAR IN THE STATE OF THE STATE O

GTA GGT G Val Gly G	GAG GGC Glu Gly	AAA GGC Lys Gly 2880	ACG AAA Thr Lys	GCA Ala	TTT Phe 2885	Lys	CAA Gln	CCT Pro	GCA Ala	AAG Lys 2890	Arg	8869
AAC GTG G Asn Val A	GAC GCA Asp Ala 2895	Glu Asp	GTA ATT Val Ile	GGC Gly 2900	Ser	AGG Arg	AGA Arg	CAG Gln	CCA Pro 2905	Arg	GCA Ala	8917
CCT AAG G Pro Lys G	GAA AAG Glu Lys 2910	GCC CAA Ala Gln	CCC CTG Pro Leu 291	Glu	GAC Asp	CTG Leu	GCC Ala	AGC Ser 2920	Phe	CAA Gln	GAG Glu	8965
CTC TCT C Leu Ser C 2925	CAA ACA Gln Thr	CCA GGC Pro Gly	CAC ACT His Thr 2930	GAG Glu	GAA Glu	CTG Leu	GCA Ala 2935	Asn	GGT Gly	GCT Ala	GCT Ala	9013
GAT AGC T Asp Ser F 2940	TTT ACA	AGC GCT Ser Ala 2945	Pro Lys	CAA Gln	ACA Thr	CCT Pro 2950	Asp	AGT Ser	GGA Gly	AAA Lys	CCT Pro 2955	9061
CTA AAA A Leu Lys I	ATA TCC lle Ser	AGA AGA Arg Arg 2960	GTT CTT Val Leu	CGG Arg	GCC Ala 2965	Pro	AAA Lys	GTA Val	GAA Glu	CCC Pro 2970	Val	9109
GGA GAC G Gly Asp V	GTG GTA Val Val 297	Ser Thr	AGA GAC Arg Asp	CCT Pro 2980	Val	AAA Lys	TCA Ser	CAA Gln	AGC Ser 2985	Lys	AGC Ser	9157
AAC ACT TAS Thr S	TCC CTG Ser Leu 2990	CCC CCA Pro Pro	CTG CCC Leu Pro 299	Phe	AAG Lys	AGG Arg	GGA Gly	GGT Gly 3000	Gly	AAA Lys	GAT Asp	9205
GGA AGC G Gly Ser V 3005	GTC ACG Val Thr	GGA ACC Gly Thr	AAG AGG Lys Arg 3010	CTG Leu	CGC Arg	TGC Cys	ATG Met 3015	Pro	GCA Ala	CCA Pro	GAG Glu	9253
GAA ATT ( Glu Ile \ 3020	GTG GAG Val Glu	GAG CTG Glu Leu 302	Pro Ala	AGC Ser	AAG Lys	AAG Lys 3030	Gln	AGG Arg	GTT Val	GCT Ala	CCC Pro 3035	9301
AGG GCA A Arg Ala A	AGA GGC Arg Gly	AAA TCA Lys Ser 3040	TCC GAA Ser Glu	A CCC 1 Pro	GTG Val 3045	Val	ATC Ile	ATG Met	AAG Lys	AGA Arg 3050	Ser	9349
TTG AGG A	ACT TCT Thr Ser 305	Ala Lys	AGA ATT	GAA Glu 306	Pro	GCG Ala	GAA Glu	GAG Glu	CTG Leu 3065	Asn	AGC Ser	9397
AAC GAC A	ATG AAA Met Lys 3070	ACC AAC Thr Asn	AAA GAG Lys Glu 30	ı Glu	CAC His	AAA Lys	TTA Leu	CAA Gln 308	Asp	TCG Ser	GTC Val	9445
CCT GAA A Pro Glu A 3085	Asn Lys	GGA ATA Gly Ile	TCC CTC Ser Let 3090	G CGC u Arg	TCC Ser	AGA Arg	CGC Arg 309	Gln	GAT Asp	AAG Lys	ACT Thr	9493
GAG GCA ( Glu Ala ( 3100	GAA CAG Glu Gln	CAA ATA Gln Ile 310	Thr Gl	G GTC u Val	TTT Phe	GTA Val 311	Leu	GCA Ala	GAA Glu	AGA Arg	ATA Ile 3115	9541
GAA ATA . Glu Ile .	AAC AGA Asn Arg	AAT GAA Asn Glu 3120	AAG AA Lys Ly	G CCC s Pro	ATG Met 312	Lys	ACC Thr	TCC Ser	CCA Pro	GAG Glu 313	Met	9589

ALE PROFERENCE

GAC Asp	ATT Ile	CAG Gln	AAT Asn 3135	Pro	GAT Asp	GAT Asp	GGA Gly	GCC Ala 3140	Arg	AAA Lys	CCC Pro	ATA Ile	CCT Pro 314	AGA Arg 5	GAC Asp	9637
AAA Lys	GTC Val	ACT Thr 3150	Glu	AAC Asn	AAA Lys	AGG Arg	TGC Cys 3155	Leu	AGG Arg	TCT Ser	GCT Ala	AGA Arg 3160	Gln	AAT Asn	GAG Glu	9685
		Gln					Glu					Gln		AGT Ser		9733
	Val					Gln					Glu			AAT Asn		9781
					Arg					Lys				GCA Ala 3210	Ala	9829
				Ser					Arg					GTC Val		9877
			Glu					Ala					Cys	GTC Val		9925
		Thr					Arg			GAA Glu		Ile	TGA	CAGA	AAA	9974
ATC	GAACT	rgg (	GAAAA	ATA	[A A]	)AAA1	GTTA	3 TT	TGTO	GATA	AGT	CTAC	GTG (	CAGT	rtttgt	10034
CATA	TAA	rac A	AAGTO	GAAT	rc T	GTAAC	GTAA	G GC	rgtc <i>i</i>	AGTC	TGC	DAATT	GGG A	AAGA	AAACTT	10094
TGGA	ATTTO	GCT (	GGGT	CTGA	AT C	GCT	CATA	AA A	CTCCA	ACTG	GGA	GCACT	rgc '	TGGG	CTCCTG	10154
GACT	rgag <i>i</i>	AAT A	AGTTO	GAACA	C C	GGGG	GCTT:	r gro	GAAG	GAGT	CTG	GCCA	AAG	GTTT	GCCCTC	10214
AGC	rttgo	CAG A	AATGA	AAGC	CT TO	GAGG	rctg:	CAC	CCAC	CCAC	AGC	CACCO	CTA (	CAGC	AGCCTT	10274
AACT	rgtg <i>i</i>	ACA (	CTTG	CCACA	AC TO	STGTO	CGTC	G TT	rgtt:	rgcc	TAT	STTCT	rcc .	AGGG	CACGGT	10334
GGCA	AGGAA	ACA A	ACTA	rccto	CG TO	CTGT	CCCA	A CAC	CTGA	GCAG	GCA	CTCG	GTA .	AACA	CGAATG	10394
AATO	GGATA	AAG (	CGCA	CGGA	rg A	ATGG	AGCT:	I ACA	AAGA:	rctg	TCT	TCCA	TAA	GGCC	GGGGC	10454
ATT	rggto	ccc (	CAAA'	TAA(	GG C	TTAT	GGAC	A TC	rgca	CAGG	ACA	STCC	TAT	TTTT	GATGTC	10514
CTTT	CCT	TTC :	rgaa <i>z</i>	ATAA	AA G'	TTTT(	GTGC	TTO	GGAGA	AATG	ACT	CGTGA	AGC .	ACAT	CTTTAG	10574
GGA	CCAA	GAG [	rgac'	TTTC'	rg T	AAGG	AGTG	A CTO	CGTG	GCTT	GCC:	TGG	TCT ·	CTTG	GGAATA	10634
CTT	TTCTA	AAC 1	TAGG	GTTG	CT C	TCAC	CTGA	G AC	ATTC	TCCA	CCC	GCGGA	AAT	CTCA	GGGTCC	10694
CAG	GCTG:	rgg (	GCCA'	TCAC	GA C	CTCA	AACT(	G GC	rcct.	AATC	TCC	AGCT	TTC	CTGT	CATTGA	10754
AAG	CTTC	GGA A	AGTT'	TACT	GG C	TCTG	CTCC	C GC	CTGT	TTTC	TTT	CTGA	CTC	TATC	TGGCAG	10814
CCC	GATG	CCA (	CCCA	GTAC	AG G	AAGT	GACA	CA(	GTAC'	TCTG	TAA	AGCA'	TCA	TCAT	CCTTGG	10874
AGA	GACT	GAG (	CACT	CAGC.	AC C	TTCA	GCCA	C GA	TTTC	AGGA	TCG	CTTC	CTT	GTGA	GCCGCT	10934

THIS PACE BLANK USPION



WO 99/61607

PCT/EP99/03451

GCCTCCGAAA TCTCCTTTGA AGCCCAGACA TCTTTCTCCA GCTTCAGACT TGTAGATATA

THIS PACE BLANK USPIO

10 15 Gly Pro His Phe Pro Leu Ser Leu Ser Thr Cys Leu Phe Gly Arg Gly Ile Glu Cys Asp Ile Arg Ile Gln Leu Pro Val Val Ser Lys Gln His Cys Lys Val Glu Ile His Glu Gln Glu Ala Ile Leu His Asn Phe Ser Ser Thr Asn Pro Thr Gln Val Asn Gly Ser Val Ile Asp Glu Pro Val Ang Leu Lys His Gly Asp Val Ile Thr Ile Ile Asp Arg Ser Phe Arg Tyr Glu Asn Glu Ser Leu Gln Asn Gly Arg Lys Ser Thr Glu Phe Pro Arg Lys Ile Arg Glu Gln Glu Pro Ala Arg Arg Val Ser Arg Ser Ser 120 Phe Ser Ser Asp Pro Asp Glu Lys Ala Gln Asp Ser Lys Ala Tyr Ser Lys Ile Thr Glu Gly Lys Val Ser Gly Asn Pro Gln Val His Ile Lys Asn Val Lys Glu Asp Ser Thr Ala Asp Asp Ser Lys Asp Ser Val Ala Gln Gly Thr Thr Asn Val His Ser Ser Glu His Ala Gly Arg Asn Gly 185 Arg Asn Ala Ala Asp Pro Ile Ser Gly Asp Phe Lys Glu Ile Ser Ser Val Lys Leu Val Ser Arg Tyr Gly Glu Leu Lys Ser Val Pro Thr Thr Gln Cys Leu Asp Asn Ser Lys Lys Asn Glu Ser Pro Phe Trp Lys Leu Tyr Glu Ser Val Lys Lys Glu Leu Asp Val Lys Ser Gln Lys Glu Asn Val Leu Gln Tyr Cys Arg Lys Ser Gly Leu Gln Thr Asp Tyr Ala Thr 265 Glu Lys Glu Ser Ala Asp Gly Leu Gln Gly Glu Thr Gln Leu Leu Val 280 275 Ser Arg Lys Ser Arg Pro Lys Ser Gly Gly Ser Gly His Ala Val Ala 295 Glu Pro Ala Ser Pro Glu Gln Glu Leu Asp Gln Asn Lys Gly Lys Gly 305 Arg Asp Val Glu Ser Val Gln Thr Pro Ser Lys Ala Val Gly Ala Ser

Gln Gln Gln Asn Ser Pro Gln Lys His Lys Asn Lys Asp Leu Tyr Thr 360 Thr Gly Arg Arg Glu Ser Val Asn Leu Gly Lys Ser Glu Gly Phe Lys Ala Gly Asp Lys Thr Leu Thr Pro Arg Lys Leu Ser Thr Arg Asn Arg Thr Pro Ala Lys Val Glu Asp Ala Ala Asp Ser Ala Thr Lys Pro Glu 410 Asn Leu Ser Ser Lys Thr Arg Gly Ser Ile Pro Thr Asp Val Glu Val Leu Pro Thr Glu Thr Glu Ile His Asn Glu Pro Phe Leu Thr Leu Trp Leu Thr Gln Val Glu Arg Lys Ile Gln Lys Asp Ser Leu Ser Lys Pro 455 Glu Lys Leu Gly Thr Thr Ala Gly Gln Met Cys Ser Gly Leu Pro Gly
465 470 480 Leu Ser Ser Val Asp Ile Asn Asn Phe Gly Asp Ser Ile Asn Glu Ser Glu Gly Ile Pro Leu Lys Arg Arg Val Ser Phe Gly Gly His Leu Arg Pro Glu Leu Phe Asp Glu Asn Leu Pro Pro Asn Thr Pro Leu Lys Arg Gly Glu Ala Pro Thr Lys Arg Lys Ser Leu Val Met His Thr Pro Pro Val Leu Lys Lys Ile Ile Lys Glu Gln Pro Gln Pro Ser Gly Lys 550 Gln Glu Ser Gly Ser Glu Ile His Val Glu Val Lys Ala Gln Ser Leu Val Ile Ser Pro Pro Ala Pro Ser Pro Arg Lys Thr Pro Val Ala Ser Asp Gln Arg Arg Arg Ser Cys Lys Thr Ala Pro Ala Ser Ser Ser Lys 595 600 605 Ser Gln Thr Glu Val Pro Lys Arg Gly Glu Arg Val Ala Thr Cys Leu Gln Lys Arg Val Ser Ile Ser Arg Ser Gln His Asp Ile Leu Gln 635 630 Met Ile Cys Ser Lys Arg Arg Ser Gly Ala Ser Glu Ala Asn Leu Ile Val Ala Lys Ser Trp Ala Asp Val Val Lys Leu Gly Ala Lys Gln Thr Gln Thr Lys Val Ile Lys His Gly Pro Gln Arg Ser Met Asn Lys Arg Gln Arg Arg Pro Ala Thr Pro Lys Lys Pro Val Gly Glu Val His Ser

THIS PACE BLANK USPO

Gln Phe Ser Thr Gly His Ala Asn Ser Pro Cys Thr Ile Ile Gly Lys Ala His Thr Glu Lys Val His Val Pro Ala Arg Pro Tyr Arg Val Leu Asn Asn Phe Ile Ser Asn Gln Lys Met Asp Phe Lys Glu Asp Leu Ser Gly Ile Ala Glu Met Phe Lys Thr Pro Val Lys Glu Gln Pro Gln Leu Thr Ser Thr Cys His Ile Ala Ile Ser Asn Ser Glu Asn Leu Leu Gly Lys Gln Phe Gln Gly Thr Asp Ser Gly Glu Glu Pro Leu Leu Pro Thr Ser Glu Ser Phe Gly Gly Asn Val Phe Phe Ser Ala Gln Asn Ala Ala Lys Gln Pro Ser Asp Lys Cys Ser Ala Ser Pro Pro Leu Arg Arg Gln Cys Ile Arg Glu Asn Gly Asn Val Ala Lys Thr Pro Arg Asn Thr 

THIS PACE BLANK USPO

Val Gly Lys Phe Thr Arg Thr Ser Gly Glu Thr Thr His Thr His Arg 1045 Glu Pro Ala Gly Asp Gly Lys Ser Ile Arg Thr Phe Lys Glu Ser Pro 1065 1060 1070 Lys Gln Ile Leu Asp Pro Ala Ala Arg Val Thr Gly Met Lys Lys Trp 1080 Pro Arg Thr Pro Lys Glu Glu Ala Gln Ser Leu Glu Asp Leu Ala Gly 1095 Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly Pro Ser Glu Glu Ser Met Thr 1110 1105 Asp Glu Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Lys Ser Pro Pro Pro Glu Ser 1130 1125 Val Asp Thr Pro Thr Ser Thr Lys Gln Trp Pro Lys Arg Ser Leu Arg 1140 Lys Ala Asp Val Glu Glu Glu Phe Leu Ala Leu Arg Lys Leu Thr Pro 1160 Ser Ala Gly Lys Ala Met Leu Thr Pro Lys Pro Ala Gly Gly Asp Glu Lys Asp Ile Lys Ala Phe Met Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu 1190 Ala Gly Thr Leu Pro Gly Ser Lys Arg Gln Leu Gln Thr Pro Lys Glu 1205 1210 1215 Lys Ala Gln Ala Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln 1225 Thr Pro Gly His Thr Glu Glu Leu Val Ala Ala Gly Lys Thr Thr Lys 1240 Ile Pro Cys Asp Ser Pro Gln Ser Asp Pro Val Asp Thr Pro Thr Ser 1255 Thr Lys Gln Arg Pro Lys Arg Ser Ile Arg Lys Ala Asp Val Glu Gly 1275 Glu Leu Leu Ala Cys Arg Asn Leu Met Pro Ser Ala Gly Lys Ala Met 1285 1290 His Thr Pro Lys Pro Ser Val Gly Glu Glu Lys Asp Ile Ile Ile Phe 1305 Val Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Thr Glu Asn Leu Thr Gly 1315 Ser Lys Arg Arg Pro Gln Thr Pro Lys Glu Glu Ala Gln Ala Leu Glu 1335 Asp Leu Thr Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly His Thr Glu

Glu Ala Val Ala Ala Gly Lys Thr Thr Lys Met Pro Cys Glu Ser Ser

THIS PACE BLANK USPO

1390

1380

1635

1385

Thr Pro Leu Glu Lys Arg Asp Val Gln Lys Glu Leu Ser Ala Leu Lys 1400 Lys Leu Thr Gln Thr Ser Gly Glu Thr Thr His Thr Asp Lys Val Pro 1410 Gly Gly Glu Asp Lys Ser Ile Asn Ala Phe Arg Glu Thr Ala Lys Gln 1435 Lys Leu Asp Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Lys Arg His Pro Lys 1445 1450 Thr Lys Glu Lys Ala Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Gly Trp Lys Glu 1460 1465 Leu Phe Gln Thr Pro Val Cys Thr Asp Lys Pro Thr Thr His Glu Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Arg Ser Gln Pro Asp Pro Val Asp Thr Pro 1495 Thr Ser Ser Lys Pro Gln Ser Lys Arg Ser Leu Arg Lys Val Asp Val 1510 1515 Glu Glu Glu Phe Phe Ala Leu Arg Lys Arg Thr Pro Ser Ala Gly Lys 1525 Ala Met His Thr Pro Lys Pro Ala Val Ser Gly Glu Lys Asn Ile Tyr 1540 1545 Ala Phe Met Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Thr Glu Asn Leu 1560 Thr Gly Ser Lys Arg Arg Leu Gln Thr Pro Lys Glu Lys Ala Gln Ala 1575 Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Arg Gly His 1590 1595 Thr Glu Glu Ser Met Thr Asn Asp Lys Thr Ala Lys Val Ala Cys Lys 1605 1610

Val Gly Lys Leu Thr Gln Thr Ser Gly Glu Thr Thr His Thr His Thr 1650 1655 1660

Ser Ser Gln Pro Asp Leu Asp Lys Asn Pro Ala Ser Ser Lys Arg Arg 1620 1630

Leu Lys Thr Ser Leu Gly Lys Val Gly Val Lys Glu Glu Leu Leu Ala

Glu Pro Thr Gly Asp Gly Lys Ser Met Lys Ala Phe Met Glu Ser Pro 1665 1670 1675 1680

Lys Gln Ile Leu Asp Ser Ala Ala Ser Leu Thr Gly Ser Lys Arg Gln 1685 1690 1695

Leu Arg Thr Pro Lys Gly Lys Ser Glu Val Pro Glu Asp Leu Ala Gly
1700 1705 1710

Phe Ile Glu Leu Phe Gln Thr Pro Ser His Thr Lys Glu Ser Met Thr 1715 1720 1725

THIS PACE BLANK USPO

Asn Glu Lys Thr Thr Lys Val Ser Tyr Arg Ala Ser Gln Pro Asp Leu 1730 1735 1740

Val Asp Thr Pro Thr Ser Ser Lys Pro Gln Pro Lys Arg Ser Leu Arg 1745 1750 1755 1760

Lys Ala Asp Thr Glu Glu Glu Phe Leu Ala Phe Arg Lys Gln Thr Pro 1765 1770 1775

Ser Ala Gly Lys Ala Met His Thr Pro Lys Pro Ala Val Gly Glu Glu 1780 1785 1790

Lys Asp Ile Asn Thr Phe Leu Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Gln 1795 1800 1805

Pro Gly Asn Leu Pro Gly Ser Asn Arg Arg Leu Gln Thr Arg Lys Glu 1810 1815 1820

Lys Ala Gln Ala Leu Glu Glu Leu Thr Gly Phe Arg Glu Leu Phe Gln 1825 1830 1835

Thr Pro Cys Thr Asp Asn Pro Thr Ala Asp Glu Lys Thr Thr Lys Lys 1845 1850 1855

Ile Leu Cys Lys Ser Pro Gln Ser Asp Pro Ala Asp Thr Pro Thr Asn 1860 1865 1870

Thr Lys Gln Arg Pro Lys Arg Ser Leu Lys Lys Ala Asp Val Glu Glu 1875 1880 1885

Glu Phe Leu Ala Phe Arg Lys Leu Thr Pro Ser Ala Gly Lys Ala Met 1890 1895 1900

His Thr Pro Lys Ala Ala Val Gly Glu Glu Lys Asp Ile Asn Thr Phe 1905 1910 1915 1920

Val Gly Thr Pro Val Glu Lys Leu Asp Leu Leu Gly Asn Leu Pro Gly
1925 1930 1935

Ser Lys Arg Arg Pro Gln Thr Pro Lys Glu Lys Ala Lys Ala Leu Glu 1940 1945 1950

Asp Leu Ala Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly His Thr Glu 1955 1960 1965

Glu Ser Met Thr Asp Asp Lys Ile Thr Glu Val Ser Cys Lys Ser Pro 1970 1975 1980

Gln Pro Asp Pro Val Lys Thr Pro Thr Ser Ser Lys Gln Arg Leu Lys 1985 1990 1995 2000

Ile Ser Leu Gly Lys Val Gly Val Lys Glu Glu Val Leu Pro Val Gly 2005 2010 2015

Lys Leu Thr Gln Thr Ser Gly Lys Thr Thr Gln Thr His Arg Glu Thr 2020 2025 2030

Ala Gly Asp Gly Lys Ser Ile Lys Ala Phe Lys Glu Ser Ala Lys Gln 2035 2040 2045

Met Leu Asp Pro Ala Asn Tyr Gly Thr Gly Met Glu Arg Trp Pro Arg 2050 2060

Thr Pro Lys Glu Glu Ala Gln Ser Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys

THIS PAGE BLANK (USPIO)

2070 2075 2080 2065 Glu Leu Phe Gln Thr Pro Asp His Thr Glu Glu Ser Thr Thr Asp Asp 2090 2085 Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Lys Ser Pro Pro Pro Glu Ser Met Asp 2100 2105 Thr Pro Thr Ser Thr Arg Arg Pro Lys Thr Pro Leu Gly Lys Arg Asp Ile Val Glu Glu Leu Ser Ala Leu Lys Gln Leu Thr Gln Thr Thr 2135 His Thr Asp Lys Val Pro Gly Asp Glu Asp Lys Gly Ile Asn Val Phe Arg Glu Thr Ala Lys Gln Lys Leu Asp Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Lys Arg Gln Pro Arg Thr Pro Lys Gly Lys Ala Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Gly Leu Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Val Cys Thr Asp Lys Pro Thr Thr His Glu Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Arg Ser Pro 2220 Gln Pro Asp Pro Val Gly Thr Pro Thr Ile Phe Lys Pro Gln Ser Lys 2235 Arg Ser Leu Arg Lys Ala Asp Val Glu Glu Glu Ser Leu Ala Leu Arg Lys Arg Thr Pro Ser Val Gly Lys Ala Met Asp Thr Pro Lys Pro Ala 2265 Gly Gly Asp Glu Lys Asp Met Lys Ala Phe Met Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Pro Gly Asn Leu Pro Gly Ser Lys Arg Trp Pro Gln 2295 Thr Pro Lys Glu Lys Ala Gln Ala Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys 2310 Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly Thr Asp Lys Pro Thr Thr Asp Glu Lys 2325 2330 Thr Thr Lys Ile Ala Cys Lys Ser Pro Gln Pro Asp Pro Val Asp Thr 2345 Pro Ala Ser Thr Lys Gln Arg Pro Lys Arg Asn Leu Arg Lys Ala Asp 2360 Val Glu Glu Glu Phe Leu Ala Leu Arg Lys Arg Thr Pro Ser Ala Gly 2370 2375 2380 Lys Ala Met Asp Thr Pro Lys Pro Ala Val Ser Asp Glu Lys Asn Ile 2390 2395 Asn Thr Phe Val Glu Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Leu Gly Asn 2405 2410

THIS PACE BLANK USPO

Leu Pro Gly Ser Lys Arg Gln Pro Gln Thr Pro Lys Glu Lys Ala Glu 2420

Ala Leu Glu Asp Leu Val Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly 2435

His Thr Glu Glu Ser Met Thr Asp Asp Lys Ile Thr Glu Val Ser Cys 2450 2455 2460

Lys Ser Pro Gln Pro Glu Ser Phe Lys Thr Ser Arg Ser Ser Lys Gln 2465 2470 2475

Arg Leu Lys Ile Pro Leu Val Lys Val Asp Met Lys Glu Glu Pro Leu 2485 2490 2495

Ala Val Ser Lys Leu Thr Arg Thr Ser Gly Glu Thr Thr Gln Thr His 2500 2510

Thr Glu Pro Thr Gly Asp Ser Lys Ser Ile Lys Ala Phe Lys Glu Ser 2515 2520 2525

Pro Lys Gln Ile Leu Asp Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Arg Arg 2530 2540

Gln Leu Arg Thr Arg Lys Glu Lys Ala Arg Ala Leu Glu Asp Leu Val 2545 2550 2555 2560

Asp Phe Lys Glu Leu Phe Ser Ala Pro Gly His Thr Glu Glu Ser Met 2565 2570 2575

Thr Ile Asp Lys Asn Thr Lys Ile Pro Cys Lys Ser Pro Pro Pro Glu 2580 2580 2590

Leu Thr Asp Thr Ala Thr Ser Thr Lys Arg Cys Pro Lys Thr Arg Pro 2595 2600 2605

Arg Lys Glu Val Lys Glu Glu Leu Ser Ala Val Glu Arg Leu Thr Gln 2610 2620

Thr Ser Gly Gln Ser Thr His Thr His Lys Glu Pro Ala Ser Gly Asp 2625 2630 2635

Glu Gly Ile Lys Val Leu Lys Gln Arg Ala Lys Lys Lys Pro Asn Pro 2645 2650 2655

Val Glu Glu Pro Ser Arg Arg Pro Arg Ala Pro Lys Glu Lys 2660 2665 2670

Ala Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Thr Glu Leu Ser Glu Thr 2675 2680 2685

Ser Gly His Thr Gln Glu Ser Leu Thr Ala Gly Lys Ala Thr Lys Ile 2690 2695 2700

Pro Cys Glu Ser Pro Pro Leu Glu Val Val Asp Thr Thr Ala Ser Thr 2705 2710 2715 2720

Lys Arg His Leu Arg Thr Arg Val Gln Lys Val Gln Val Lys Glu Glu 2725 2730 2735

Pro Ser Ala Val Lys Phe Thr Gln Thr Ser Gly Glu Thr Thr Asp Ala 2740 2745 2750

Asp Lys Glu Pro Ala Gly Glu Asp Lys Gly Ile Lys Ala Leu Lys Glu

THIS PAGE BLANK USPO

2755 2760 2765

Ser Ala Lys Gln Thr Pro Ala Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Arg 2770 2775 2780

Arg Arg Pro Arg Ala Pro Arg Glu Ser Ala Gln Ala Ile Glu Asp Leu 2785 2790 2795 2800

Ala Gly Phe Lys Asp Pro Ala Ala Gly His Thr Glu Glu Ser Met Thr 2805 2810 2815

Asp Asp Lys Thr Thr Lys Ile Pro Cys Lys Ser Ser Pro Glu Leu Glu 2820 2825 2830

Asp Thr Ala Thr Ser Ser Lys Arg Arg Pro Arg Thr Arg Ala Gln Lys 2835 2840 2845

Val Glu Val Lys Glu Glu Leu Leu Ala Val Gly Lys Leu Thr Gln Thr 2850 2860

Ser Gly Glu Thr Thr His Thr Asp Lys Glu Pro Val Gly Glu Gly Lys 2865 2870 2875 2880

Gly Thr Lys Ala Phe Lys Gln Pro Ala Lys Arg Asn Val Asp Ala Glu 2885 2890 2895

Asp Val Ile Gly Ser Arg Arg Gln Pro Arg Ala Pro Lys Glu Lys Ala 2900 2905 2910

Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Ser Phe Gln Glu Leu Ser Gln Thr Pro 2915 2920 2925

Gly His Thr Glu Glu Leu Ala Asn Gly Ala Ala Asp Ser Phe Thr Ser 2930 2940

Ala Pro Lys Gln Thr Pro Asp Ser Gly Lys Pro Leu Lys Ile Ser Arg 2945 2950 2955 2960

Arg Val Leu Arg Ala Pro Lys Val Glu Pro Val Gly Asp Val Val Ser 2965 2970 2975

Thr Arg Asp Pro Val Lys Ser Gln Ser Lys Ser Asn Thr Ser Leu Pro 2980 2985 2990

Pro Leu Pro Phe Lys Arg Gly Gly Gly Lys Asp Gly Ser Val Thr Gly 2995 3000 3005

Thr Lys Arg Leu Arg Cys Met Pro Ala Pro Glu Glu Ile Val Glu Glu 3010 3015 3020

Leu Pro Ala Ser Lys Lys Gln Arg Val Ala Pro Arg Ala Arg Gly Lys 3025 3030 3035

Ser Ser Glu Pro Val Val Ile Met Lys Arg Ser Leu Arg Thr Ser Ala 3045 3050 3055

Lys Arg Ile Glu Pro Ala Glu Glu Leu Asn Ser Asn Asp Met Lys Thr 3060 3065 3070

Asn Lys Glu Glu His Lys Leu Gln Asp Ser Val Pro Glu Asn Lys Gly 3075 3080 3085

Ile Ser Leu Arg Ser Arg Arg Gln Asp Lys Thr Glu Ala Glu Gln Gln 3090 3095 3100

THIS PACE BLANK USPO

Ile Thr Glu Val Phe Val Leu Ala Glu Arg Ile Glu Ile Asn Arg Asn 3110

Glu Lys Lys Pro Met Lys Thr Ser Pro Glu Met Asp Ile Gln Asn Pro 3125 3130

Asp Asp Gly Ala Arg Lys Pro Ile Pro Arg Asp Lys Val Thr Glu Asn 3145

Lys Arg Cys Leu Arg Ser Ala Arg Gln Asn Glu Ser Ser Gln Pro Lys 3160

Val Ala Glu Glu Ser Gly Gly Gln Lys Ser Ala Lys Val Leu Met Gln

Asn Gln Lys Gly Lys Gly Glu Ala Gly Asn Ser Asp Ser Met Cys Leu 3195 3190

Arg Ser Arg Lys Thr Lys Ser Gln Pro Ala Ala Ser Thr Leu Glu Ser 3210

Lys Ser Val Gln Arg Val Thr Arg Ser Val Lys Arg Cys Ala Glu Asn

Pro Lys Lys Ala Glu Asp Asn Val Cys Val Lys Lys Ile Thr Thr Arg 3240 3245

Ser His Arg Asp Ser Glu Asp Ile

- (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 3:
  - (i) SEQUENZKENNZEICHEN:
    - (A) LÄNGE: 23 Basenpaare
    - (B) ART: Nucleotid
    - (C) STRANGFORM: Einzelstrang(D) TOPOLOGIE: linear
  - (ii) ART DES MOLEKÜLS: Sonstige Nucleinsäure (A) BESCHREIBUNG: /desc = "synthetisches Oligonukleotid"
  - (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 3:

ACCAGGCGTC TCGTGGGCCA CAT

THIS PAGE BLANK USPTO!